



ทฤษฎีการบำบัดน้ำเสียแบบไร้อากาศ

3.1 ชีววิทยา และ จุลชีววิทยาของกระบวนการหมักแบบไร้ออกซิเจน

ปฏิกิริยาชีวเคมีของการหมักแบบไร้ออกซิเจน เป็นปฏิกิริยาที่สารอินทรีย์ถูกเปลี่ยนโดยจุลินทรีย์ที่ไม่ต้องการออกซิเจนให้เป็นก๊าซมีเทน คาร์บอนไดออกไซด์และก๊าซอื่น ๆ โดยมีลักษณะเป็นขั้นตอนซึ่งสามารถแบ่งออกเป็นขั้นตอนใหญ่ ๆ ได้ 2 ขั้นตอน ดังรูปที่ 3.1 คือ

1. ขั้นตอนการย่อยสลายที่ทำให้เกิดกรด (Acid Formation or Non-Methanogenic Phase)
2. ขั้นตอนการย่อยสลายที่ทำให้เกิดก๊าซมีเทน (Methane Formation or Methanogenic Phase)

ทั้งสองขั้นตอนจะแบ่งแบคทีเรียที่สำคัญออกเป็น 4 ประเภท คือ

1. Acid-Forming Bacteria
2. Acetogenic Bacteria
3. Acetoclastic Methane Bacteria
4. H_2 -Utilizing Methane Bacteria

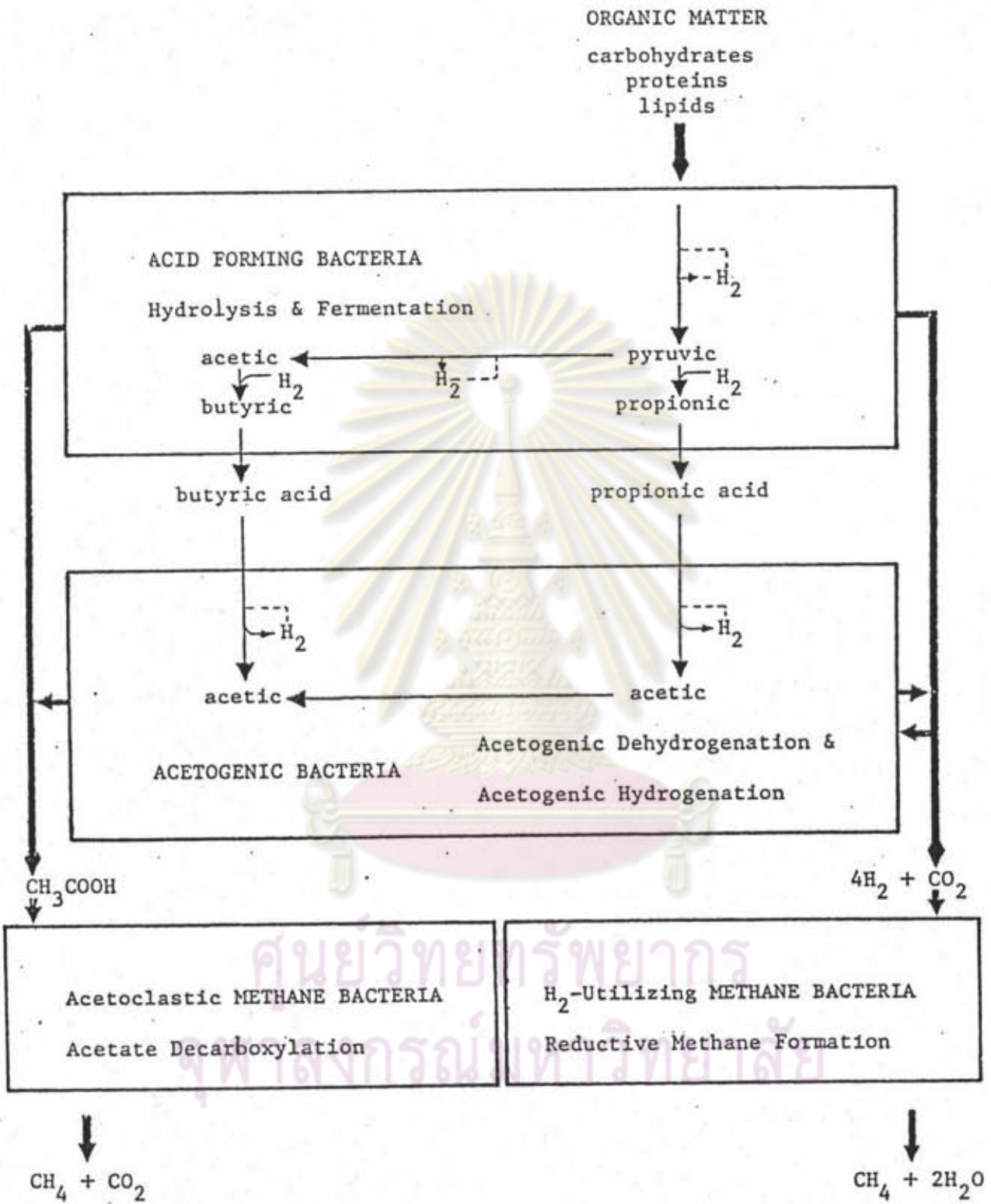
3.1.1 ขั้นตอนการย่อยสลายที่ทำให้เกิดกรด

ในขั้นตอนนี้ประกอบด้วยแบคทีเรีย 2 ประเภทคือ Acid forming Bacteria และ Acetogenic Bacteria โดยที่แบคทีเรียเหล่านี้จะมีทั้งพวกที่สามารถดำรงชีพอยู่ในสภาวะที่มีหรือไม่มีออกซิเจนอิสระ (Facultative Anaerobic Bacteria) และพวกที่ดำรงชีพในสภาวะที่ไม่มีออกซิเจนอิสระ (Obligate Anaerobic Bacteria) แต่จากที่พบในถังหมักส่วนใหญ่พบว่าแบคทีเรียชนิด Obligate มากกว่าพวก Facultative Anaerobic Bacteria แบคทีเรียเหล่านี้จะย่อยสลายสารอินทรีย์พวกโปรตีน คาร์โบไฮเดรตและไขมัน ให้เป็นกรดอินทรีย์ แอลกอฮอล์ และอื่น ๆ

การย่อยสลายที่ทำให้เกิดกรดนี้อาจแบ่งออกเป็นขั้นตอนได้ 2 ขั้นตอน คือ

1. การย่อยสลายภายนอกเซลล์ โดยวิธี Hydrolysis

สารประกอบอินทรีย์เชิงซ้อน (Complex Organic Compound) ซึ่งมีโมเลกุลขนาดใหญ่เช่น โปรตีน คาร์โบไฮเดรต และไขมันจะถูกย่อยสลายเป็นสารประกอบอินทรีย์อย่างง่ายที่มีโมเลกุลขนาดเล็ก โดยขบวนการไฮโดรไลซิส แบคทีเรียที่เป็นพวกแซปโรไฟติก (Saprophytic Bacteria) จะปล่อยน้ำย่อยออกจากเซลล์ (Extracellular Enzyme)



รูปที่ 3.1 กระบวนการเมตาบอลิซึม ของการย่อยสลายแบบไม่ใช้ออกซิเจน

ตามชนิดของสารอินทรีย์ โดยที่โปรตีน คาร์โบไฮเดรต และไขมันจะถูกย่อย สลายเป็นกรดอะมิโน กลูโคส และกรีเซอรอล

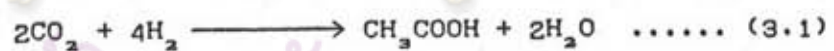
2. การย่อยสลายภายในเซลล์

สารประกอบอินทรีย์อย่างง่ายที่มีโมเลกุลต่ำจะถูกดูดซึมเข้าสู่เซลล์ และย่อยสลายได้กรดอินทรีย์ที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำและมีคาร์บอนอะตอมไม่เกิน 5 ตัว เรียกว่ากรดโวลาทิลส์ (Volatile Acid) แอลกอฮอล์ ก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ พร้อมทั้งสร้างเซลล์ใหม่ด้วย การย่อยสลายกรดอะมิโน กลูโคส และกรีเซอรอล ส่วนใหญ่จะต้องเปลี่ยนเป็นกรดไพรูวิก (Pyruvic Acid) ก่อนเสมอ แล้วกรดไพรูวิกจึงถูกย่อยสลายได้กรดอะซิติก และ กรดที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำอื่น ๆ นอกนั้นเป็นแอลกอฮอล์และก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ เช่น การสลายกลูโคสที่ผ่านขบวนการย่อยสลายที่เรียกว่า ไกลคอลิซิส ดังรูป 3.2

การย่อยสลายสารเหล่านี้ต่อไปในบางครั้งจะไม่เป็นไปตามขั้นตอน เช่น การย่อยสลายน้ำตาลกลูโคสที่ไม่ถูกย่อยเป็นกรดไพรูวิก ก็เนื่องมาจากการแตกตัว (Splitted) ของกลูโคสภายใต้สภาวะที่ไม่มีออกซิเจนได้ กรดอะซิติก ซึ่ง 1 โมเลกุลของกลูโคสจะแตกตัวได้ 2 โมเลกุลของกรดอะซิติก

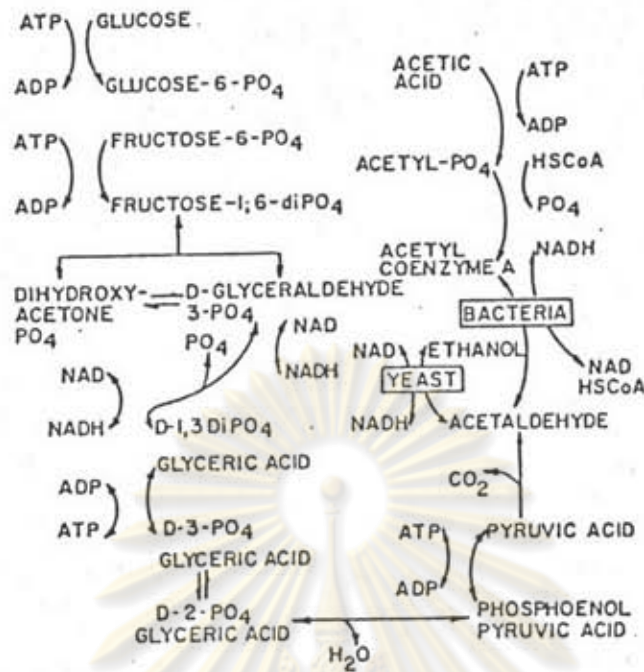
ส่วนการย่อยสลายไขมัน (Lipid) จะได้กรดไขมันที่มีขนาดใหญ่ (Long-chain Fatty Acid) เช่น สเตียริกแอซิด (Stearic Acid) โอลีอิกแอซิด (Oleic acid) และปาล์มิติกแอซิด (Palmitic Acid) เป็นต้น กรดไขมันพวกนี้จะถูก Beta-oxidation ได้กรดอะซิติก ดังรูปที่ 3.3

ในบางครั้งกรดโวลาทิลส์สามารถเกิดขึ้นได้จากปฏิกิริยาของคาร์บอนไดออกไซด์กับไฮโดรเจนดังสมการที่ 3.1 ซึ่งจะเกิดขึ้นได้นั้นต้องอาศัยแบคทีเรียชื่อ Clostridium Aceticum

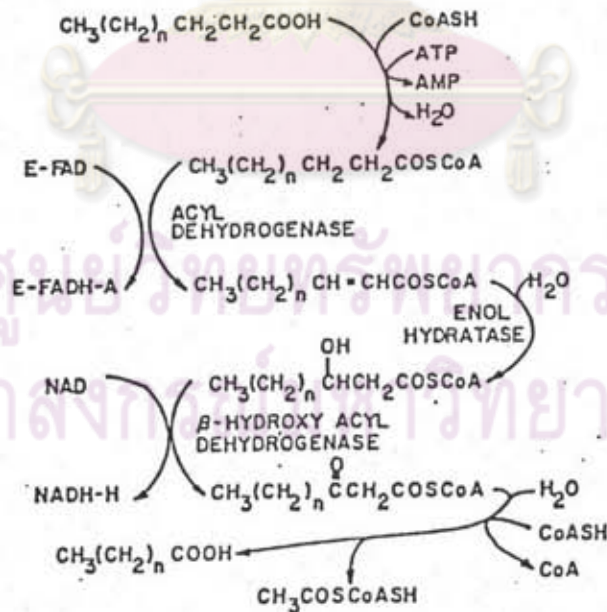


แบคทีเรียที่ย่อยสลายสารอินทรีย์โมเลกุลเล็กให้เป็นกรดไพรูวิกคือแบคทีเรียที่สร้างกรด (Acid Forming Bacteria or Non Methanogenic Bacteria) ต่อจากนั้นกรดไพรูวิกก็ถูกย่อยสลายต่อไปเป็นกรดอินทรีย์ที่มีโมเลกุลใหญ่กว่ากรดอะซิติก เช่นกรดโพรพิโอนิก (Propionic Acid) หรือกรดบิวทีริก (Butyric Acid) หรืออาจจะได้กรดอะซิติกเลยก็ได้ ตารางที่ 3.1 แสดง Non Methanogenic bacteria ที่พบในถังหมัก

แบคทีเรียอีกชนิดหนึ่งในขั้นตอนการย่อยสลายที่ทำให้เกิดกรดได้แก่แบคทีเรียที่สร้างไฮโดรเจน (Hydrogen Production Acetogenic Bacteria) ซึ่งจะทำหน้าที่เปลี่ยนกรดอินทรีย์ที่มีโมเลกุลขนาดใหญ่ เช่น กรดบิวทีริก หรือ กรดโพรพิโอนิก ให้เป็นอะซิติกและไฮโดรเจน เราเรียกปฏิกิริยาของแบคทีเรียที่สร้างก๊าซไฮโดรเจนว่า ไฮโดรเจนนิซิส



รูปที่ 3.2 การย่อยสลายกลูโคสโดยผ่านกระบวนการไกลโคลสิส



รูปที่ 3.3 การย่อยสลายไขมันโดยผ่านกระบวนการเบตาออกซิเดชั่น

ตารางที่ 3.1. genera non-methanogenic bacteria ที่พบในหมักแบบไม่ใช้ออกซิเจน (39)

Genus	Bacterial species	Reference
Aerobacter	A. aerogenes	TOERIEN(1967a)
Aeromonas	Aeromonas sp.	KOTZE et al.(1968)
Alcaligenes	A. bookerii	TOERIEN(1967b)
	A. faecalis	McCARTY et al.(1962), TOERIEN(1967b)
	A. viscolactis	McCARTY et al.(1962)
Bacillus	Alcaligenes sp.	KORZE et al.(1968)
	B. cereus	HATTINGH et al.(1967), TOERIEN(1967a,b)
	B. cereus var mycoides	HATTINGH et al.(1967), TOERIEN(1967a,b)
	B. circulans	TOERIEN(1967a,b)
	B. endorhynchus	BUCK et al.(1954)
	B. firmus	TOERIEN(1967b)
	B. knaufkampii	COOKSON and BURBANK(1965), BURBANK et al.(1966)
	B. megaterium	HATTINGH et al.(1967), TOERIEN(1967a,b)
	B. pantothenicus	HATTINGH et al.(1967)
	B. pumilus	HATTINGH et al.(1967), TOERIEN(1967b)
	B. sphaericus	TOERIEN(1967b)
	B. subtilis	TOERIEN(1967a)
	Bacillus sp.	TOERIEN(1967a)
Bacteroides	Bacteroides sp.	POST et al.(1967)
Clostridium	C. aminovalericum	HARDMAN and ATADTMAN(1960)
	C. carmofoetidum	COOKSON and BURBANK(1965), BURBANK et al.(1966)
Escherichia	E. coli	McCARTY et al.(1962), COOKSON and BURBANK(1965)
	E. intermedia	BURBANK et al.(1966), TOERIEN(1967b)
	Escherichia sp.	TOERIEN(1967a)
Klebsiella	Klebsiella sp.	KOTZE et al.(1968)
Leptospira	L. biclexa	BURBANK et al.(1966)
Micrococcus	Leptospira sp.	TOERIEN(1967b)
	M. candidus	MAKI(1954)
	M. luteus	TOERIEN(1967a,b)
	M. varians	TOERIEN(1967b)
	M. ureae	McCARTY et al.(1962), TOERIEN(1967a,b)
	Micrococcus sp.	TOERIEN(1967a,b)
Neisseria	N. catarrhalls	KOTZE et al.(1968)
Paracolonibaculum	P. intermedium	McCARTY et al.(1962)
	P. coliforma	TOERIEN(1967b)
Proteus	P. vulgaris	TOERIEN(1967b)
Pseudomonas	P. aeruginosa	TOERIEN(1967a)
	P. ambigua	TOERIEN(1967a)
	P. denitrificans	BURBANK et al.(1966)
	P. oleovorans	TOERIEN(1967a)
	P. perolens	TOERIEN(1967b)
	P. pseudomallei	TOERIEN(1967a)
	P. reptilivora	McCARTY et al.(1962), TOERIEN(1967b)
	P. riboflavina	TOERIEN(1967b)
	Pseudomonas spp.	BURBANK et al.(1966), HATTING et al.(1967)
Rhodopseudomonas	R. pulvisiris	KOTZE et al.(1968) TOERIEN(1967a,b)
Sarcina	S. cooksonii	TOERIEN(1967b)
	S. lutea	COOKSON and BURBANK(1965), BURBANK et al.(1966)
Serratia	S. indicans	McCARTY et al.(1962)
Streptococcus	S. diploides	BURBANK et al.(1966)
Streptomyces	S. bikiniensis	BUCK et al.(1953)
		TOERIEN(1967b)

ศูนย์วิจัยชีววิทยา
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

(Hydrogenesis) เนื่องจากแบคทีเรียที่สร้างไฮโดรเจนสามารถสร้างกรดได้ด้วย แต่แบคทีเรียที่สร้างกรดอาจไม่สามารถสร้างไฮโดรเจน จึงมีบางท่านจัดเอาแบคทีเรียที่สร้างไฮโดรเจนเป็นชนิดหนึ่งของแบคทีเรียที่สร้างกรด น้ำทิ้งที่ผ่านขั้นตอน Non-Methanogenic phase ที่ไม่มีการสร้างไฮโดรเจน จะทำให้มีซับสเตรด (Substrate) เหลืออยู่เกือบเท่าเดิม การที่ซับสเตรดถูกกำจัดออกไปเป็นส่วนน้อยมาก เพราะอิเล็กตรอนที่อยู่ในซับสเตรดเดิมจะถูกส่งต่อไปให้กับสารอินทรีย์ที่ยังคงอยู่ในน้ำทิ้ง ส่วนซับสเตรดที่ลดน้อยลงไปมักเป็นผลมาจากการสูญเสียประสิทธิภาพของจุลินทรีย์ (Microbial Inefficiency) ในระหว่างที่มีการเปลี่ยนแปลงรูปของสารอินทรีย์เท่านั้น ดังนั้นเมื่อมีการสร้างไฮโดรเจนโดยที่อิเล็กตรอนถูกส่งให้กับไฮโดรเจนอ็อกซิเจน ทำให้เกิดก๊าซดังสมการที่ 3.2

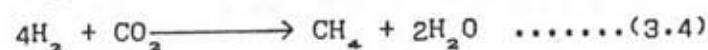
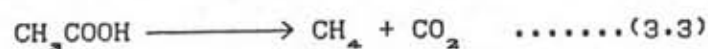


ดังนั้นการสร้างไฮโดรเจนจึงเป็นการลดอิเล็กตรอนของซับสเตรด ทำให้สถานะออกซิเดชันลดลง ซึ่งเป็นการลดปริมาณซับสเตรดหรือเป็นการลดปริมาณของซีโอดีเอ็นเอ

3.1.2 ขบวนการย่อยสลายที่ทำให้เกิดก๊าซมีเทน

กรดอินทรีย์ที่เกิดขึ้นในขั้นตอนแรก จะเป็นสารอาหารของแบคทีเรียที่อยู่ในสภาวะไร้ออกซิเจนอิสระ (Obligate Anaerobic Bacteria) มีชื่อเรียกว่าแบคทีเรียที่สร้างมีเทน (Methane Former Bacteria or Methanogenic Bacteria) ประกอบด้วยแบคทีเรีย 2 ประเภท คือ แบคทีเรียที่สร้างมีเทนจากอะซิติก (Acetoclastic-Methane Bacteria) และแบคทีเรียที่สร้างมีเทนจากไฮโดรเจนและคาร์บอนไดออกไซด์ (H_2 -Utilizing Methane Bacteria) แบคทีเรียเหล่านี้สามารถเจริญเติบโตได้ในช่วงพีเอชแคบ ๆ เท่านั้น อุณหภูมิที่เหมาะสมแก่การเจริญเติบโตอยู่ในช่วง 30-35 °C แบคทีเรียที่สร้างมีเทนทุกตัวล้วนเป็น Obligate Anaerobic Bacteria ตารางที่ 3.2 แสดงชนิดของแบคทีเรียประเภทสร้างมีเทน ซึ่งจัดเป็นหมวดหมู่โดย Balch และคณะ(7)

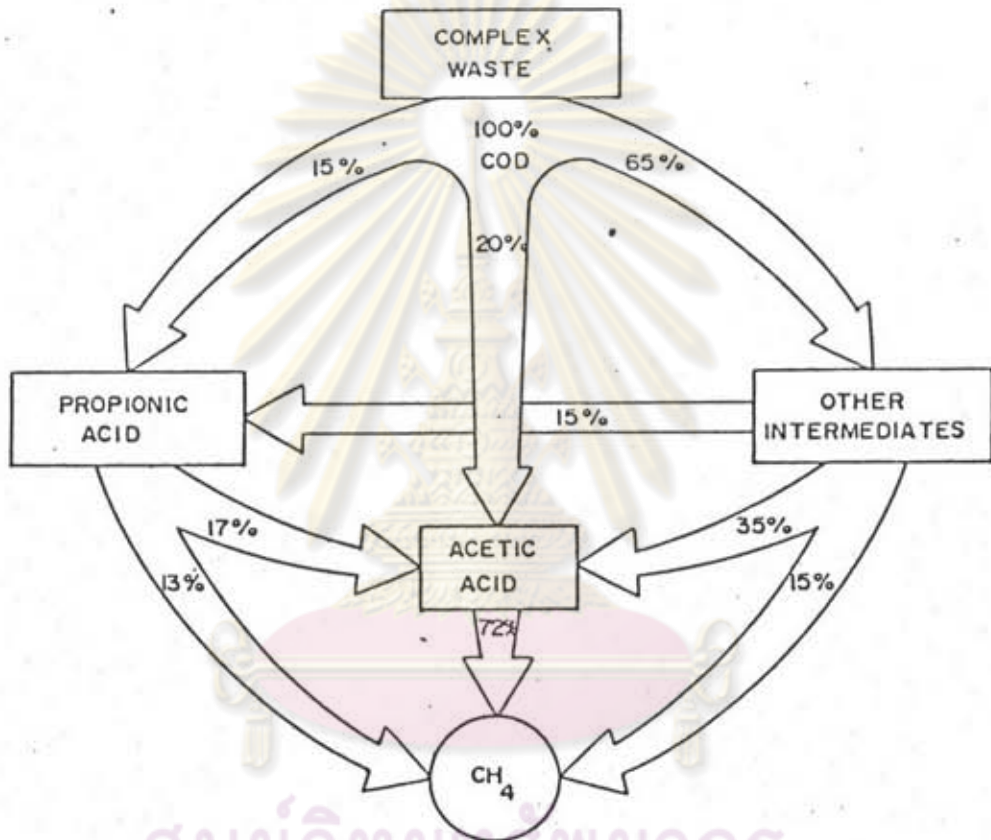
สมการที่ 3.3 และ 3.4 แสดงการสร้างมีเทนจากแบคทีเรียทั้ง 2 ประเภท สมการที่ 3.3 แสดงการสร้างมีเทนจากการ ดีคาร์โบซิเรทของกรดอะซิติก (Acetate Decarboxidation) และสมการที่ 3.4 แสดงการสร้างมีเทนจากการรีดักชันคาร์บอนไดออกไซด์ (Carbondioxide Reduction)



ตารางที่ 3.2 แสดงการจัดหมู่ของแบคทีเรียที่สร้างมีเทนที่เป็นเชิอบริสุทธิ์โดย Balch และคณะ (7)

	Type strain	Former designation	Substrates for growth and CH ₄ production
Order I. <i>Methanobacteriales</i> (type order)			
Family I. <i>Methanobacteriaceae</i>			
Genus I. <i>Methanobacterium</i> (type genus)			
1. <i>Methanobacterium formicicum</i> (neotype species)	MF	<i>Methanobacterium formicicum</i>	H ₂ , formate
2. <i>Methanobacterium bryantii</i>	M.o.H.	<i>Methanobacterium</i> sp. strain M.o.H.	H ₂
<i>Methanobacterium bryantii</i> strain M.o.H.G.		<i>Methanobacterium</i> sp. strain M.o.H.G.	H ₂
3. <i>Methanobacterium thermoautotrophicum</i>	ΔH	<i>Methanobacterium thermoautotrophicum</i>	H ₂
Genus II. <i>Methanobrevibacter</i>			
1. <i>Methanobrevibacter ruminantium</i> (type species)	MI	<i>Methanobacterium ruminantium</i> strain MI	H ₂ , formate
2. <i>Methanobrevibacter arboriphilus</i>	DHI	<i>Methanobacterium arboriphilicum</i>	H ₂
<i>Methanobrevibacter arboriphilus</i> strain AZ		<i>Methanobacterium</i> sp. strain AZ	H ₂
<i>Methanobrevibacter arboriphilus</i> strain DC		<i>Methanobacterium</i> strain DC	H ₂
3. <i>Methanobrevibacter smithii</i>	PS	<i>Methanobacterium ruminantium</i> strain PS	H ₂ , formate
Order II. <i>Methanococcales</i>			
Family I. <i>Methanococcaceae</i>			
Genus I. <i>Methanococcus</i>			
1. <i>Methanococcus omannilii</i> (neotype species)	SB	<i>Methanococcus omannilii</i>	H ₂ , formate
2. <i>Methanococcus onitor</i>	PS	<i>Methanococcus</i> sp. strain PS	H ₂ , formate
Order III. <i>Methanomicrobiales</i>			
Family I. <i>Methanomicrobiaceae</i> (type family)			
Genus I. <i>Methanomicrobium</i> (type genus)			
1. <i>Methanomicrobium mobile</i> (type species)	BP	<i>Methanobacterium mobile</i>	H ₂ , formate
Genus II. <i>Methanogenium</i>			
1. <i>Methanogenium cariaci</i> (type species)	JR1	Cariaco isolate JR1	H ₂ , formate
2. <i>Methanogenium marisnigri</i>	JR1	Black Sea isolate JR1	H ₂ , formate
Genus III. <i>Methanospirillum</i>			
1. <i>Methanospirillum hungatii</i>	JF1	<i>Methanospirillum hungatii</i>	H ₂ , formate
Family II. <i>Methanosarcinaceae</i>			
Genus II. <i>Methanosarcina</i> (type genus)			
1. <i>Methanosarcina barkeri</i> (type species)	MS	<i>Methanosarcina barkeri</i>	H ₂ , CH ₃ OH, CH ₃ NH ₂ , acetate
<i>Methanosarcina barkeri</i> strain 227		<i>Methanosarcina barkeri</i> strain 227	H ₂ , CH ₃ OH, CH ₃ NH ₂ , acetate
<i>Methanosarcina barkeri</i> strain W		<i>Methanosarcina barkeri</i> strain W	H ₂ , CH ₃ OH, CH ₃ NH ₂ , acetate

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

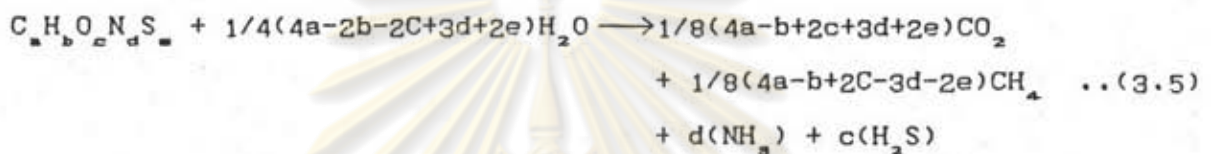


ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

รูปที่ 3.4 การเปลี่ยนแปลงสารอินทรีย์ไปเป็นก๊าซมีเทน ด้วยปฏิกิริยาชีวเคมีแบบไม่ใช้ออกซิเจน แสดงโดยค่าซีโอดี(23)

ก๊าซมีเทนที่เกิดจากการย่อยสลายสารอินทรีย์ประมาณร้อยละ 72 ได้มาจากกรดอะซิติก และอีกร้อยละ 28 ได้มาจากกรดไพรูวอิกและกรดโวลลาไทล์อื่น ๆ ดังแสดงในรูปที่ 3.4

เนื่องจากการเกิดก๊าซมีเทนจากการย่อยสลายสารอินทรีย์โดยขบวนการบำบัดน้ำเสียแบบไร้ออกซิเจนมีความซับซ้อนยากต่อการเข้าใจ ดังนั้นจากการศึกษาของ A.M. Buswell และคณะ (9) ทำให้สามารถเขียนสมการทั่วไปที่ง่ายต่อการเข้าใจถึงสมดุลของมวลระหว่างสารอาหารที่ถูกย่อยสลาย และ ก๊าซที่เกิดขึ้นได้ ดังสมการที่ 3.5



3.2 ปัจจัยที่มีผลต่อกระบวนการหมักแบบไร้ออกซิเจน

3.2.1 อุณหภูมิ (Temperature)

อุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการหมักแบบไร้ออกซิเจนจะอยู่ในสองช่วง คือ

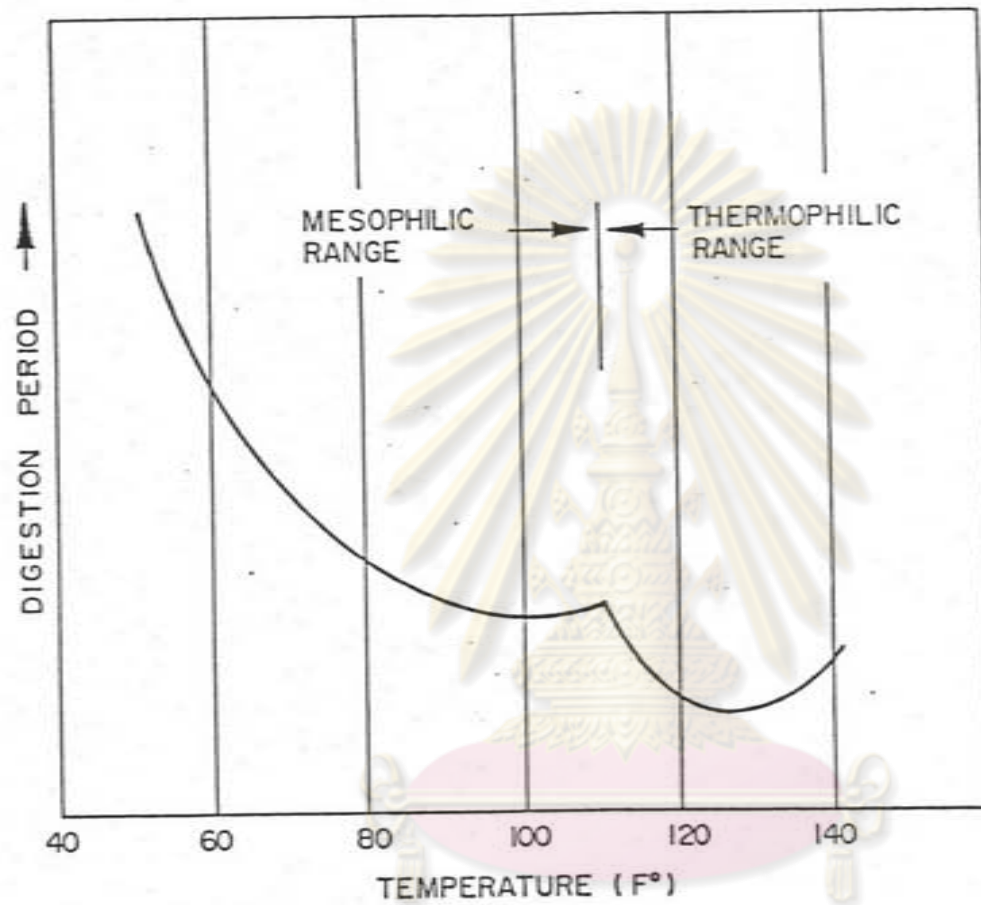
- Mesophilic Temperature อุณหภูมิจะอยู่ในช่วง 21-40 °C ส่วนอุณหภูมิที่เหมาะสมในช่วงนี้จะอยู่ระหว่าง 35-40 °C

- Thermophilic Temperature อุณหภูมิจะอยู่ระหว่าง 40-60 °C ส่วนอุณหภูมิที่เหมาะสมในช่วงนี้จะอยู่ระหว่าง 53 -60 °C

อุณหภูมิมิผลต่อการผลิตก๊าซของแบคทีเรียเป็นอย่างมากการเพิ่มหรือลดอุณหภูมิแม้เพียง 2-3 °C จะมีผลต่อการเปลี่ยนแปลงของก๊าซมีเทนเป็นอย่างมาก (16)

Lawrence และ McCarty (19) แสดงให้เห็นถึงผลของอุณหภูมิ และระยะเวลาการกักเก็บตะกอน (SRT) ต่อประสิทธิภาพการบำบัดน้ำทิ้งด้วยวิธีการทางชีววิทยาแบบไม่ใช้ออกซิเจน ดังรูป 3.5 พบว่าเมื่ออุณหภูมิเพิ่มขึ้นระยะเวลาของการกักเก็บตะกอนจะสามารถลดลงได้โดยที่ประสิทธิภาพการกำจัดซีโอดียังคงเดิม หรือถ้าอุณหภูมิลดลงระยะเวลาการกักเก็บตะกอนก็จะต้องเพิ่มขึ้น เพื่อที่จะทำให้ประสิทธิภาพของการกำจัดซีโอดีคงเดิม แสดงว่าระบบสามารถทำงานได้อย่างมีประสิทธิภาพถึงแม้ในที่ที่มีอุณหภูมิต่ำ ๆ

Pfeffer และ Leiter พบว่าสำหรับที่ SRT สูง ๆ แล้วการเพิ่มอุณหภูมิจะไม่มีผลต่อประสิทธิภาพ และเสถียรภาพของระบบ Pfeffer และ Lieman พบว่าการเพิ่มอุณหภูมิจะไม่เป็นการช่วยให้ระบบมีเสถียรภาพเพิ่มขึ้นเพียงแต่เป็นการช่วยลดเวลาในการบำบัดลงเท่านั้น



รูปที่ 3.5 ผลของอุณหภูมิที่มีผลต่อระยะเวลาการย่อยสลายสารอินทรีย์ (10)

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

3.2.2 พีเอช กรดโวลาทิล และสภาพความเป็นด่าง

(pH, Volatile Acids, Alkalinity)

ค่าพีเอชเป็นตัวที่จะใช้บ่งชี้ถึงสภาพภายในของระบบการหมักแบบไร้ออกซิเจนได้ แต่จะมีค่าการเปลี่ยนแปลงช้ามากเมื่อค่าของกรดโวลาทิลมีการเปลี่ยนแปลง ดังนั้นค่าพีเอชจึงเป็นตัวบ่งชี้ที่แสดงผลออกมาได้ช้า สำหรับการแก้ไขสภาวะในระบบหมักแบบไร้ออกซิเจน เมื่อเปรียบเทียบกับค่าของกรดโวลาทิล แต่อย่างไรก็ตามค่าพีเอชยังเป็นสิ่งสำคัญในการควบคุมระบบการหมักแบบไร้ออกซิเจน ค่าพีเอชที่เหมาะสมสำหรับระบบการหมักแบบไร้ออกซิเจนจะอยู่ในช่วงระหว่าง 6.7 - 7.2 ประสิทธิภาพของระบบจะลดลงอย่างรวดเร็วถ้าพีเอชต่ำกว่า 6.2 ซึ่ง McCarty & McKinney (22) ได้จัด H^+ ไว้อยู่ในพวก Toxic Cation

การควบคุมพีเอชในระบบการหมักแบบไร้ออกซิเจนสามารถทำได้โดยการควบคุมปริมาณกรดโวลาทิลและสภาพความเป็นด่าง (Volatile Acid, Alkalinity) โดยปกติกรดโวลาทิลควรมีค่าประมาณ 50-500 มก./ล. เมื่อคิดในรูปของกรดอะซิติก หากปริมาณของกรดโวลาทิลมีมากกว่า 2000 มก./ล. ($asCH_3COOH$) จะทำให้ประสิทธิภาพการกำจัดลดลง อัตราส่วนระหว่างกรดโวลาทิลและสภาพความเป็นด่างจะต้องไม่เกิน 0.3-0.4 (40) Pohland (31) ได้เสนอวิธีการควบคุมพีเอชโดยอาศัยความเป็นด่าง เพื่อให้เกิดสภาวะที่เหมาะสมกับการทำงานของจุลินทรีย์ที่ไม่ใช้ออกซิเจน โดยเรียกรวีกนี้ว่า "Acid-Base Equilibrium Control" ซึ่งสามารถบอกให้ทราบว่า สภาพความเป็นด่างเพียงพอสำหรับการควบคุมพีเอชหรือไม่ ดังสมการที่ 3.6

$$BA = TA - 8.33 (0.85) TVA \dots\dots\dots (3.6)$$

BA = ปริมาณความเป็นด่างไปคาร์บอเนตที่มากเกินไปหรือขาดไป (มก./ล. ของ $CaCO_3$)

TA = ปริมาณความเป็นด่างรวม (มก./ล. ของ $CaCO_3$)

TVA = ปริมาณกรดโวลาทิลที่มีอยู่ (มก./ล. ของ CH_3COOH)

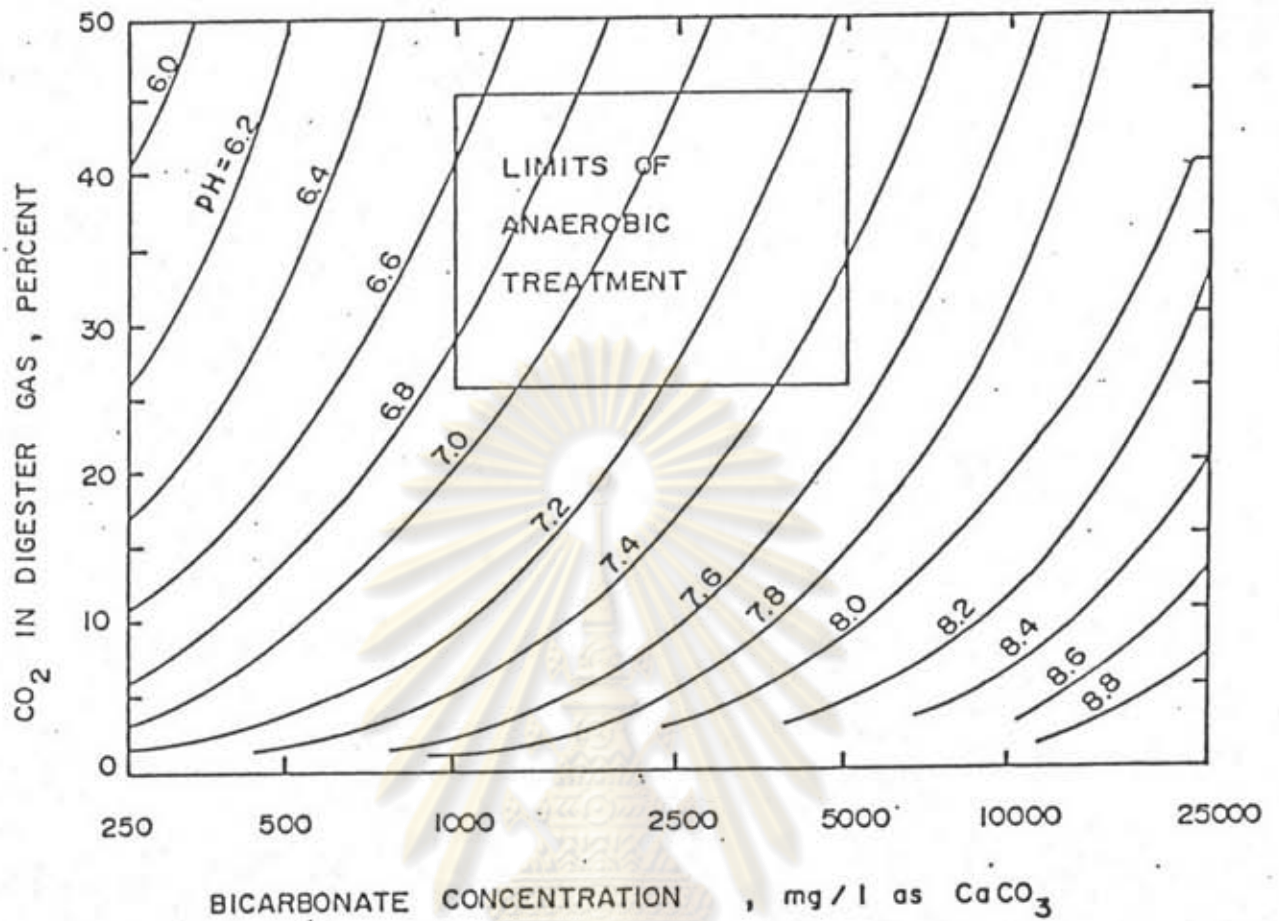
8.33 = น้ำหนักสมมูลของ $CaCO_3$ / น้ำหนักสมมูลของ CH_3COOH

0.85 = กรดโวลาทิลมี acetate 85% เมื่อตีเทรทจนถึงพีเอช 4

การเปลี่ยนแปลงพีเอช ยังขึ้นอยู่กับปริมาณก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ที่เกิดขึ้นอีกด้วย โดยมีความสัมพันธ์ระหว่างพีเอช ไบคาร์บอเนต สภาพความเป็นด่างและร้อยละของก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ ดังสมการ

$$pH = 5.14 - \log (\% Co_2) + \log (HCO_3 \text{ as mg/l } CaCO_3) \dots (3.7)$$

McCarty ได้แสดงความสัมพันธ์ระหว่างพีเอช และ ปริมาณไบคาร์บอเนตที่เหมาะสม (ดังรูป 3.6) และชี้ให้เห็นว่าสภาพความเป็นด่างไม่ควรต่ำกว่า 1000 มก./ล. เมื่อคิดในรูปแคลเซียมคาร์บอเนต เพื่อมิให้ค่าพีเอชลดต่ำลงจนเป็นอันตรายต่อจุลินทรีย์ในระบบ



รูปที่ 3.6 ความสัมพันธ์ระหว่าง pH กับปริมาณความเข้มข้นของ bicarbonate alkalinity (23)

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

3.2.3 สารอาหารที่จำเป็น

อาหารที่จำเป็นสำหรับจุลชีพที่อยู่ในระบบบำบัดน้ำเสียแบบไร้ออกซิเจน ได้แก่ ธาตุคาร์บอน ไนโตรเจน ฟอสฟอรัส ดังนั้นเพื่อการเจริญเติบโตและการดำรงชีพของจุลชีพจึงต้องมีสารอาหารที่เพียงพอ ระบบบำบัดน้ำเสียแบบไร้ออกซิเจนต้องการธาตุไนโตรเจนและฟอสฟอรัส ในอัตราส่วน $BOD_5 : N : P$ อย่างน้อยที่สุดเท่ากับ $100 : 1.1 : 0.2$ (27) Speege and McCarty ได้แสดงให้เห็นว่า แบคทีเรียที่ไม่ใช้ออกซิเจนต้องการธาตุไนโตรเจน เมื่อเทียบกับน้ำหนักเซลล์เท่ากับ 9.4 ($Cell\ Weight/N = 9.4$) Sander and Bloodgood(35) ได้ทำการศึกษพบว่า จุลชีพชนิดไม่ต้องการออกซิเจนอิสระต้องการธาตุฟอสฟอรัสในอัตราส่วนกับธาตุไนโตรเจนที่ประกอบเป็นเซลล์เท่ากับ $1/7$ ($N/P = 7$) และได้กล่าวถึงความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณธาตุไนโตรเจนกับคาร์บอนที่มีอยู่ในสารอาหาร ที่ป้อนเข้าสู่ถังหมักแบบไร้ออกซิเจน พบว่าอัตราส่วนระหว่างปริมาณธาตุคาร์บอน และไนโตรเจนในสารอาหารเท่ากับ 16 ระบบจะทำงานได้อย่างมีประสิทธิภาพ ตารางที่ 3.3 แสดงปริมาณธาตุไนโตรเจนและอัตราส่วนปริมาณธาตุคาร์บอนและไนโตรเจนโดยน้ำหนักที่มีอยู่ในสารอาหารชนิดต่าง ๆ (26)

3.2.4 สารพิษ

สารพิษในระบบบำบัดน้ำเสียแบบไร้ออกซิเจนอาจจะเป็นพิษโดยตรงหรือยับยั้งการทำงานของจุลินทรีย์ซึ่งขึ้นอยู่กับชนิดและปริมาณความเข้มข้นของสารพิษนั้น ๆ McCarty(23) พบว่าสารพิษบางชนิดจะเป็นพิษโดยตรง (TOXIC) ซึ่งยับยั้งการทำงานของจุลชีพ สารพิษบางชนิดหากมีปริมาณความเข้มข้นที่พอเหมาะจะช่วยให้จุลินทรีย์ทำงานได้อย่างมีประสิทธิภาพเพิ่มขึ้น สารพิษเหล่านี้เช่น กรดโวลลาไทล์ เกลืออนินทรีย์ โลหะหนัก แอมโมเนีย ซัลไฟด์ เป็นต้น

สารพิษบางชนิดอาจไม่เป็นอันตรายต่อแบคทีเรียในระบบถ้าทำให้ระบบมีความคุ้นเคย (Acclimatize) กับสารเหล่านั้นเสียก่อน สำหรับวิธีการป้องกันและยับยั้งไม่ให้เกิดพิษขึ้นในระบบ สามารถทำได้ดังนี้

1. กำจัดสารเหล่านี้ออกก่อนเข้าสู่ระบบ หรืออาจทำให้สารนั้นหมดความเป็นพิษลงด้วยการตกตะกอน
2. ทำการเจือจางจนถึงระดับไม่เป็นพิษ
3. เติมสารที่ทำลายความเป็นพิษของสารนั้น ๆ (Antagonistic)

3.2.4.1 พิษของกรดโวลลาไทล์

กรดโวลลาไทล์ซึ่งเป็นอาหารของจุลชีพที่ทำให้เกิดก๊าซมีเทน แต่อาจทำให้เกิดพิษกับจุลชีพได้ถ้ามีปริมาณกรดโวลลาไทล์มากเกินไป ทำให้ระบบล้มเหลวเนื่องจากเสียสมดุล ซึ่งทำให้ค่าพีเอชในระบบลดต่ำลงจนแบคทีเรียที่ทำให้เกิดก๊าซมีเทนไม่สามารถทนอยู่ได้ การแก้พิษของกรดโวลลาไทล์จะทำได้โดยลดปริมาณ Organic loading การเติมสารปรับ

ตารางที่ 3.3 ปริมาณร้อยละของธาตุไนโตรเจนและอัตราส่วน ปริมาณธาตุคาร์บอนและไนโตรเจน
โดยน้ำหนักที่มีอยู่ในสารอาหารชนิดต่าง ๆ (26)

Material	N (%) (Total N)	C/N
Animal Wastes		
Urine	15-18	0.8
Blood	10-14	3
Fish scraps	6.5-10	5.1
		(nonlignin carbon)
Mixed slaughterhouse wastes	7-10	2
Poultry manure	6.3	-
Sheep manure	3.8	-
Pig manure	3.8	-
Horse manure	2.3	25
Cow manure	1.7	18
Farmyard manure (average)	2.15	14
Nightsoil	5.5-6.5	6-10
Plant Wastes		
Young grass clippings (hay)	4.0	12
Grass clippings (average mixed)	2.4	19
Purslane	4.5	8
Amaranthus	3.6	11
Cocksfoot	2.6	19
Lucerne	2.4-3.0	16-20
Seaweed	1.9	19
Cut straw	1.1	48
Flax waste (phormium)	1.0	58
Wheat straw	0.3	128
Rotted sawdust	0.25	208
Raw sawdust	0.1	511
Household Wastes		
Raw garbage	2.2	25
Bread	2.1	-
Potato tops	1.5	25
Paper	nil	-

สภาพความเป็นกรด

3.2.4.2 พิษของอออน และ โลหะหนัก

ระดับความเป็นพิษของอออนหรือโลหะหนัก ถ้ามีมากเกินไปจนหนึ่งก็จะทำให้เกิดการเป็นพิษต่อจุลชีพในระบบได้ อออนที่สำคัญได้แก่ Na^+ K^+ Mg^{2+} Ca^{2+} และ S^{2-} โดยปรกติอออนพวกจะมีความเป็นพิษมากกว่าอออนลบ ทั้งนี้ขึ้นอยู่กับปริมาณอออนพวกด้วยว่ามีปริมาณมากน้อยเพียงใด McCarty และ McKinney (22), Kugelman และ McCarty (18) ได้สรุปผลของปริมาณอออนพวกที่มีผลต่อระบบการย่อยสลายสารอินทรีย์แบบไร้ออกซิเจน ดังแสดงไว้ในตาราง 3.4 ซึ่งจะเห็นว่าความเป็นพิษของอออนพวกแต่ละชนิดจะไม่เท่ากัน ขึ้นอยู่กับจำนวนวาเลนซ์ (Valency) และน้ำหนักอะตอมของอออน พิษของอออนพวกที่มีวาเลนซ์เท่ากับ 2 จะมีพิษมากกว่าอออนพวกที่มีวาเลนซ์ 1 ถึง 10 เท่า ซึ่งพิษของ Ca^{2+} และ Mg^{2+} จะมากกว่า Na^+ และ K^+ อออนพวกบางชนิดเมื่ออยู่รวมกันในปริมาณความเข้มข้นที่พอเหมาะ จะสามารถลดความเป็นพิษของอออนพวกอีกชนิดหนึ่งได้ เช่นพิษของ Na^+ เข้มข้น 3500 มก./ล. สามารถถูกทำให้หมดไปได้ถ้ามี Ca^{2+} และ Mg^{2+} ที่มีความเข้มข้นอยู่ระหว่าง 50-1000 มก./ล. (22) ซึ่งเรียกรูปแบบนี้ว่าวิธแอนทาโกนิซึม (Antagonism) แต่ในทางตรงข้าม อออนพวกบางชนิดอาจไปเพิ่มความเป็นพิษของอออนอีกชนิดหนึ่งที่อยู่ร่วมกันได้ ซึ่งเรียกปรากฏการณ์นี้ว่า ซินเนอร์ยิซึม (Synergism)

พิษของโลหะหนักที่เป็นพิษต่อจุลินทรีย์ในระบบบำบัดน้ำเสียแบบไร้ออกซิเจนได้แก่ สังกะสี ปรอท ตะกั่ว แคดเมียม นิเกิล โคบอลต์ ทองแดง และโครเมียม เป็นต้น ความเป็นพิษของโลหะหนักเหล่านี้จะยับยั้งการเจริญเติบโตของระบบหรืออาจจะทำให้จุลชีพตายได้ ความเป็นพิษของโลหะหนักจะต้องอยู่ในรูปสารละลาย ซึ่งโลหะจะแตกตัวเป็นอออนเท่านั้น ความเป็นพิษของโลหะที่มีวาเลนซ์สูงจะเป็นพิษมากกว่าโลหะที่มีวาเลนซ์ต่ำ (23) และพิษของโลหะหนักจะมากหรือน้อยเพียงใด ยังขึ้นอยู่กับปริมาณไฮโดรเจนซัลไฟด์ (H_2S) ที่มีอยู่ในน้ำทิ้ง เพราะไฮโดรเจนซัลไฟด์สามารถรวมกับโลหะหนักเกิดเป็นเกลือของโลหะหนักซึ่งละลายน้ำได้ ปริมาณของโลหะหนักที่ทำให้ระบบบำบัดน้ำเสียแบบไม่ใช้ออกซิเจนอิสระหมดประสิทธิภาพ แสดงไว้ในตารางที่ 3.5

3.2.4.3 พิษของแอมโมเนีย (Ammonia Toxicity)

แอมโมเนียที่เกิดขึ้นในระบบบำบัดน้ำทิ้ง โดยวิธีการชีววิทยาแบบไม่ใช้ออกซิเจนจะมาจากการย่อยสลายสารอินทรีย์ที่มีไนโตรเจนประกอบอยู่ด้วย คือ โปรตีนหรือยูเรีย (Urea) แอมโมเนียจะอยู่ในรูปก๊าซแอมโมเนีย (NH_3) หรือ แอมโมเนียมอออน (NH_4^+) ทั้งนี้ขึ้นอยู่กับสภาพภายในถังปฏิกรณ์ฯ ดังสมการ 3.8

ตารางที่ 3.4 ปริมาณไอออนบวกที่มีผลต่อการทำงานของรูลินทรีย์ในกระบวนการย่อยสลายสารอินทรีย์
แบบไร้อากาศ (23)

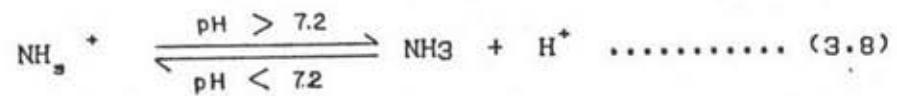
Cation	Unit	Stimulatory	Moderately Inhibitory	Strongly Inhibitory
Sodium (Na^+)	mg/l	100 - 200	3,500-5,500	8,000
Potassium (K^+)	mg/l	200 - 400	2,500-4,500	12,000
Calcium (Ca^{2+})	mg/l	100 - 200	2,500-4,500	8,000
Magnesium (Mg^{2+})	mg/l	75 - 150	1,000-1,500	3,000

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 3.5 ปริมาณของโลหะหนักที่ทำให้กระบวนการย่อยสลายสารอินทรีย์แบบไร้อากาศหมดประสิทธิภาพ

Heavy Metals	Unit	Concentration	Reference
Zinc (Zn^{2+})	mg/l	163	Hosey & Hughes (1975)
Cadmium (Cd^{2+})	"	180	"
Copper (Cu^{2+})	"	170	"
Ferrous (Fe^{2+})	"	1,750	"
Chromium (Cr^{3+})	"	530	"
Chromium (Cr^{6+})	"	450	"
Mercury (Hg^{2+})	"	1,365	"

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



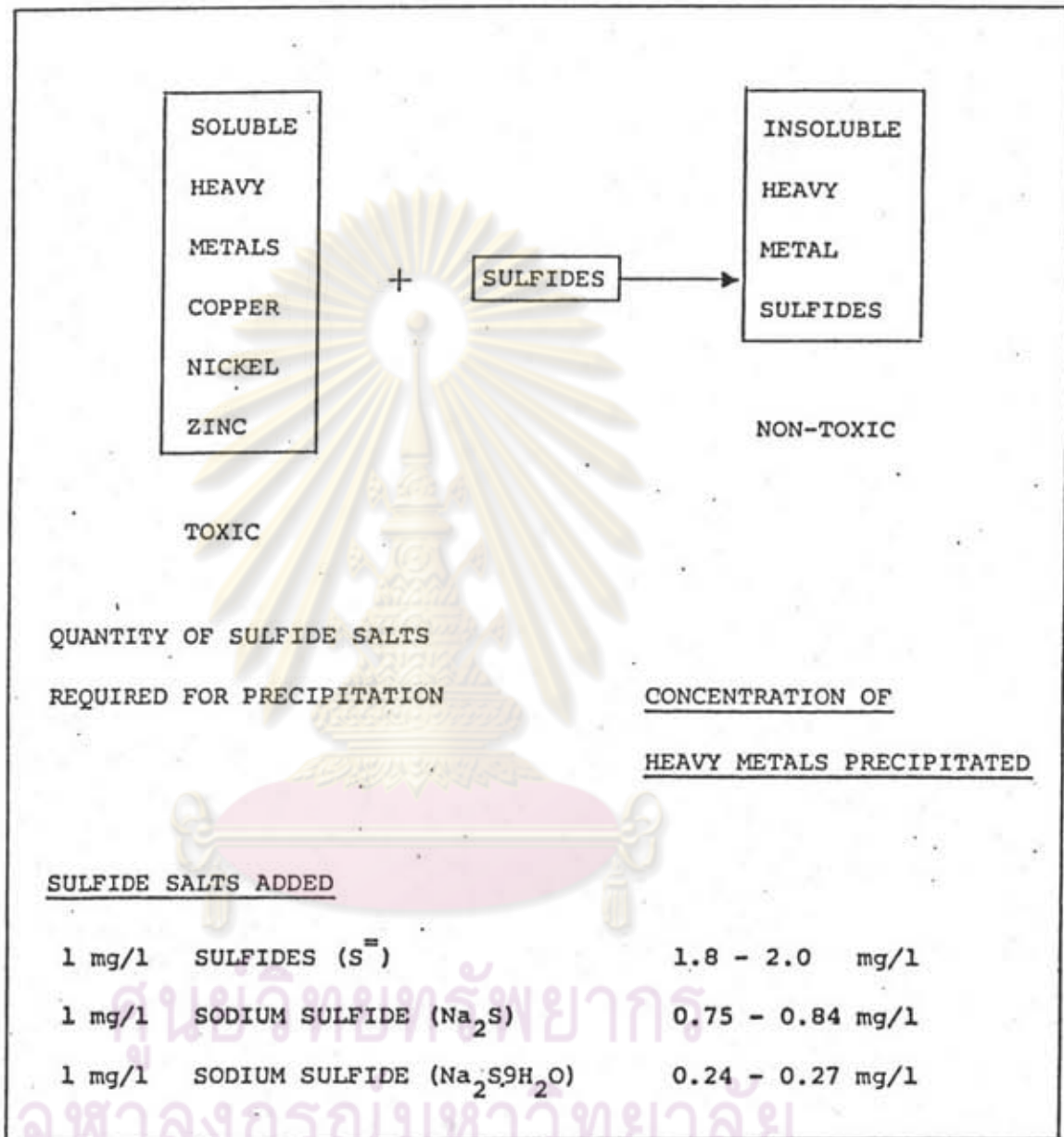
ถ้า pH สูงกว่า 7.2 ปฏิกิริยาจะดำเนินไปทางขวา แต่ถ้า pH ต่ำกว่า 7.2 ปฏิกิริยาจะดำเนินไปทางซ้าย การเกิดก๊าซแอมโมเนียจะยับยั้งการทำงานและเป็นพิษต่อแบคทีเรียชนิดที่ไม่ใช้ออกซิเจนมากกว่าแอมโมเนียไอออน ตารางที่ 3.6 แสดงปริมาณของแอมโมเนียไนโตรเจนที่มีผลต่อระบบบำบัดน้ำทิ้งแบบไม่ใช้ออกซิเจน

ตารางที่ 3.6 ปริมาณแอมโมเนีย-ไนโตรเจนที่มีผลต่อกระบวนการย่อยสลายสารอินทรีย์แบบไร้ออกซิเจน (23)

Ammonia Nitrogen	Unit	Affect on Anaerobic Treatment
100 - 200	mg/l	Beneficial
200 - 1,000	"	No Adverse Effect
1,500 - 3,000	"	Inhibitory at High pH Value
>3,000	"	Toxic

3.2.4.4 พิษของซัลไฟด์ (Sulfide Toxicity)

ซัลไฟด์ในระบบบำบัดน้ำทิ้งทางชีววิทยา แบบไม่ใช้ออกซิเจน อาจจะอยู่ในน้ำทิ้งที่เข้าสู่ระบบ หรืออาจเกิดจากการย่อยสลายซัลเฟต (SO_4^{2-}) ที่มีอยู่ในน้ำเสีย หรือเกิดจากการย่อยสลายสารพวกโปรตีน ซัลไฟด์ที่เกิดขึ้นในระบบอาจจะอยู่ในรูปที่ละลายน้ำหรือไม่ละลายน้ำ ซึ่งขึ้นอยู่กับอุณหภูมิที่รวมอยู่ ถ้ารวมอยู่กับโลหะหนักก็จะตกตะกอนลงมา ดังแสดงในรูปที่ 3.7 ส่วนที่ละลายน้ำจะอยู่ในรูปไฮโดรเจนซัลไฟด์ (H_2S) แบคทีเรียชนิดที่ไม่ใช้ออกซิเจนอิสระสามารถทนต่อซัลไฟด์ที่ละลายน้ำที่มีความเข้มข้นได้ 50-100 มก./ล. ได้ แต่ที่ความเข้มข้นมากกว่า 200 มก./ล. จะเป็นพิษต่อจุลินทรีย์ในระบบ (23)



รูปที่ 3.7 ปฏิกิริยาการทำลายพิษของโลหะหนัก โดยซัลไฟด์ (S^{2-}) ในสภาวะไร้ออกซิเจน(23)

3.2.4.5 พิษของสารอินทรีย์

สารอินทรีย์บางชนิดจะยับยั้งการทำงานของแบคทีเรียชนิดไม่ใช้ออกซิเจน สารเหล่านี้ได้แก่แอลกอฮอล์ (Alcohol) และกรดไขมันที่มีโมเลกุลยาว (Long Chain Fatty Acid) เช่น แอลกอฮอล์เมทานอล (Methanol) ความเป็นพิษของสารอินทรีย์เหล่านี้สามารถทำลายได้โดยการนำน้ำทิ้งที่มีสารอินทรีย์เข้าสู่ระบบอย่างสม่ำเสมอ (Continuous Feed) เพื่อให้แบคทีเรียมีความคุ้นเคยและปรับตัวได้ หรืออาจแก้ไขโดยการเติมสารเคมีเพื่อทำให้เกิดการตกตะกอนของสารอินทรีย์ที่เป็นพิษ



ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย