

บทที่ 4

ผลการทดลอง

จากการทดสอบลักษณะทั้งหมดจำนวน 170 ลำดับการทดสอบ ปรากฏว่ามีลักษณะที่ให้ผลบวกและ ผลลบต่อทุกสายพันธุ์รวมทั้งสิ้น 7 ลำดับการทดสอบ ใน 7 กลุ่มลักษณะ ดังแสดงไว้ในตารางที่ 3 ซึ่งทั้ง 7 ลำดับการทดสอบนี้จะไม่นำมาใช้คำนวณหาค่าเปอร์เซ็นต์ความคล้ำยคลึง ดังนั้นจึงเหลือลักษณะที่ใช้หาค่าเปอร์เซ็นต์ความคล้ำยคลึง จำนวน 163 ลำดับการทดสอบ

ตารางที่ 3 ลำดับการทดสอบในกลุ่มลักษณะที่ให้ผลการทดสอบเป็นบวกทั้งหมด หรือลบทั้งหมดในทุกสายพันธุ์ของเชื้อที่นำมาทดสอบ

ผลการทดสอบที่เป็นบวกทั้งหมด	
กลุ่มลักษณะ	ลำดับการทดสอบที่
Motility test	28 Motility
Citrate utilization test (Simmon)	31 Citrate
Growth on MacConkey agar	56 MacConkey
pH tolerance	66 Growth at pH7

ตารางที่ 3 (ต่อ)

ผลการทดสอบที่เป็นลบทั้งหมด	
กลุ่มลักษณะ	ลำดับการทดสอบที่
Oxidative & Fermentative	30 Fermentative test
Hydrogen Sulfide test	33 Black in TSI
Indole test	42 Indole

ผลวิเคราะห์ด้วยเครื่องคอมพิวเตอร์ และแบ่งกลุ่ม โดยวิธี Unweight Pair Group Method with Arithmetic Average Linkage technique (UPGMA) จากการคำนวณค่าเปอร์เซ็นต์ ความคล้ายคลึง โดยวิธี Simple matching coefficient (S_{sm}) ที่ระดับความคล้ายคลึง 73 เปอร์เซ็นต์ พบว่ามีจำนวน 12 กลุ่ม และ Jaccard coefficient (S_j) ที่ระดับความคล้ายคลึง 56 เปอร์เซ็นต์มีจำนวน 13 กลุ่มรายละเอียดได้แสดงในเดนโดแกรม (Dendrogram) รูปที่ 2,3 และซิมพลิฟายด์เดนโดแกรม (Simplified dendrogram) รูปที่ 4,5 ตามลำดับ ในตารางที่ 4 เปรียบเทียบจำนวนกลุ่ม (Cluster) และจำนวนเชื้อที่อยู่ในแต่ละกลุ่ม ซึ่งได้จากการวิเคราะห์แบบ S_j /UPGMA และ S_{sm} /UPGMA

เนื่องจากผลการจำแนกกลุ่มของเชื้อ ที่คำนวณหาค่าเปอร์เซ็นต์ความคล้ายคลึงโดยวิธี S_{sm} และ S_j มีความคล้ายคลึงกัน ดังนั้นจึงนำผลของการศึกษาแบบ S_j /UPGMA มาวิเคราะห์โดยละเอียด ดังนี้คือ

กลุ่มที่ 1 (Cluster 1) ประกอบด้วยเชื้อจำนวน 43 สายพันธุ์ เป็นเชื้อที่แยกได้จากผู้ป่วย จำนวน 37 สายพันธุ์ แยกได้จากสิ่งแวดล้อม จำนวน 2 สายพันธุ์ แยกได้จากสัตว์ จำนวน 1 สายพันธุ์ และเป็นสายพันธุ์อ้างอิงอีก 3 สายพันธุ์ คือ P. pseudomallei NCTC 4845 P. pseudomallei NCTC 7431, P. pseudomallei DMS 0732 รวมเข้าเป็นกลุ่มเดียวกันที่ระดับความคล้ายคลึง 68 เปอร์เซ็นต์ ให้เป็นกลุ่มของ Pseudomonas pseudomallei มีลักษณะสำคัญแสดงไว้ในตารางที่ 6 ลักษณะของโคโลนี คือ กลมมน ขอบเรียบ และเป็ยกขึ้นเล็กน้อย ให้ α -hemolysis บน blood agar plate เมื่อตั้งทิ้งไว้เกิน 48 ชั่วโมง โคโลนีจะใหญ่ขึ้น และเปลี่ยนเป็น β -hemolysis ลักษณะโคโลนีจะเริ่มเหี่ยวย่น (wrinkled) มีลักษณะเป็นเส้นนูนแผ่เป็นรัศมีออกจากจุดกลางโคโลนี สีของโคโลนีมีสีตั้งแต่ขาวครีมสีเหลืองอ่อนและสีส้ม เมื่อนำเชื้อบนโคโลนีมาข้อมด้วย สีกัมจะติดสีหัวท้าย (bipolar) ลักษณะการติดสีจะติดสีเข้มมากบริเวณหัวท้าย ส่วนขอบ ๆ เชื้อด้านข้างจะเห็นเป็นเส้นแสดงขอบเขตของเชื้อตรงกลางไม่ติดสีเลย และลักษณะตัวเชื้อจะออกไปทาง coccobacilli ให้ผลบวกต่อการทดสอบ oxidase ปฏิกริยาบน TSI agar ให้ผล alkaline slant , no change butt ใน 24 ชั่วโมงแรก และเมื่อตั้งทิ้งไว้เกิน 48 ชั่วโมงจะเปลี่ยนเป็น acid slant, acid butt เชื้อนี้

เคลื่อนที่ได้โดยแฟลเจลลา มากกว่า 1 เส้นที่ด้าน
ปลายของเชื้อ สามารถเจริญเติบโตได้ใน KCN
broth และที่ 42 ถึง 45 องศาเซลเซียส ให้ผล
บวกกับการทดสอบ nitrate reduction test
และ denitrification มีความสามารถสร้าง
เอนไซม์ arginine dihydrolase, การทดสอบ
gelatin liquefaction ให้ผลบวก มีความทน
ทานต่อน้ำดี (bile) ตั้งแต่ 5 - 40 เปอร์เซ็นต์
มีความสามารถในการ peptonization litmus
milk ผลิตกรดได้จาก สารประกอบคาร์โบไฮเดรต
ด้วยวิธี oxidation ดังนี้ Arabinose,
Fructose, Galactose, Glucose, Lactose
Mannose, Mannitol, Maltose, Saccharose
Xylose, และ 10 % Lactose (PAB) สามารถ
ใช้ สารประกอบ คาร์โบไฮเดรต และสารประกอบ
อินทรีย์ เป็นแหล่งของคาร์บอนและไนโตรเจน ดังนี้
Arabinose, Cellobiose, Erythriol,
Fructose, Glucose, Glycerol, Inositol,
Lactose, Mannose, Mannitol, Maltose,
Trehalose, Caproate, Malonate, Methy-
lamine, Formate, L-alanine, L-gluta-
mate, L-histidine, L-arginine,
L-serine รายละเอียดแสดงไว้ในตารางที่ 5

กลุ่มที่ 2 (Cluster 2) ประกอบด้วยเชื้อจำนวน 5 สายพันธุ์ แยกได้จากผู้
ป่วย จำนวน 2 สายพันธุ์ สิ่งแวดล้อม จำนวน 2
สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง จำนวน 1 สายพันธุ์



คือ P. cepacia ATCC 17759 รวมเป็นกลุ่ม เดียวกันที่ระดับความคล้ายคลึง 74.5 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้เป็นเชื้อ P. cepacia โดยจะไปเชื่อม กับกลุ่มที่ 1 ที่ระดับความคล้ายคลึง 61 เปอร์เซ็นต์ มีลักษณะที่สำคัญ ดังแสดงไว้ในตารางที่ 6 ลักษณะ ที่ทั่วไปคือโคโลนิกลมหนูนขอบเรียบ เมื่อย้อมเชื้อด้วยสี กรั่มจะติดสีหัวท้าย (bipolar) ลักษณะของเชื้อจะ ยาวกว่าเชื้อใน กลุ่มที่ 1 และตรงกลางตัวเชื้อติดสี แดงได้บ้าง เคลื่อนที่ได้ด้วย แฟลกเจลลามากกว่า 1 เส้นที่ปลายด้านหนึ่งของเชื้อ ลักษณะเชื้อบน TSI agar ให้ผล alkaline slant no change butt เมื่อตั้งทิ้งไว้เกิน 24 ชั่วโมง โคโลนิบน TSI agar จะเปลี่ยนเป็นสีส้ม เชื้อส่วนใหญ่ สามารถสร้างรงควัตถุ ชนิดละลายน้ำได้เมื่อเลี้ยง เชื้อบน nutrient agar ให้สีน้ำตาล บางสาย-พันธุ์ให้สีเขียว เชื้อนี้ไม่สามารถ denitrify, ส่วนใหญ่ไม่สามารถ hydrolyse gelatin (gelatin liquefaction ให้ผลลบ) สามารถ สร้างเอนไซม์ β -galactosidase, เชื้อส่วนใหญ่ ผลิตเอนไซม์ lysine decarboxylase, hydro- lyse polysorbate (Tween) 80 เจริญเติบโต ได้ดีในอุณหภูมิระหว่าง 37 ถึง 42 องศาเซลเซียส องศาเซลเซียสและไม่สามารถเจริญเติบโตในอุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส ผลิตรวดจากสารประกอบคาร์โบไฮเดรต ได้หลายชนิด คือ Arabinose, Cellobiose, Dextrin, Fructose, Galac-

tose, Glucose, Lactose, Mannose, Mannitol, Maltose, Ribose, Saccharose, Trehalose, Xylose, 10% Lactose, และสามารถให้ สารประกอบคาร์โบไฮเดรตและสารประกอบอินทรีย์ได้หลายชนิด เพื่อใช้เป็นแหล่งคาร์บอนและไนโตรเจน รายละเอียดดังแสดงในตารางที่ 5

กลุ่มที่ 3 (Cluster 3) ประกอบด้วยเชื้อจำนวน 5 สายพันธุ์ ที่แยกได้จากผู้ป่วย 2 สายพันธุ์ สิ่งแวดล้อม 2 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ P. putida ATCC 12633 (type strain) โดยรวมเข้าเป็นกลุ่มเดียวกันที่ระดับความคล้ายคลึง 57 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้คือ P. putida มีลักษณะสำคัญดังแสดงไว้ในตารางที่ 6 เชื้อในสปีชีส์นี้ไม่ hydrolyse gelatin สามารถสร้างรงควัตถุชนิดละลายน้ำได้ เรียก fluorescein ไม่มีปฏิกิริยากับ egg-yolk, ไม่ denitrify, ไม่เจริญในอุณหภูมิ 42 องศาเซลเซียส แต่สามารถเจริญได้ในอุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส ยกเว้นใน P. putida biotype A ไม่เจริญในอุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส, ไม่ hydrolyse polysorbate (Tween) 80 ยกเว้น P. putida biotype A สามารถผลิตกรดจากสารประกอบ คาร์โบไฮเดรต ได้หลายชนิด คือ Arabinse, Fructose, Galactose, Glucose, Ribose, Sorbose, Starch, Sorbitol, และสามารถให้สารประกอบคาร์โบไฮเดรต และ สาร

ประกอบอินทรีย์ได้หลายชนิด เพื่อเป็นแหล่งคาร์บอน และไนโตรเจน รายละเอียดได้แสดงไว้ในตารางที่ 5

กลุ่มที่ 4 (cluster 4) ประกอบด้วยเชื้อ 5 สายพันธุ์ ซึ่งแยกได้จากผู้ป่วย จำนวน 2 สายพันธุ์ สิ่งแวดล้อม 2 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ P. fluorescens ATCC 13525 โดยรวมเป็นกลุ่มเดียวกันที่ ระดับความคล้ายคลึง 61.5 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้ เป็นเชื้อ P. fluorescens พบว่าทั้ง 5 สายพันธุ์ ที่นำมาศึกษาประกอบด้วยเชื้อ P. fluorescens biotype I จำนวน 3 สายพันธุ์ คือ P81, P82, P83 P. fluorescens biotype III จำนวน 1 สายพันธุ์ คือ P. fluorescens ATCC 13525 P. fluorescens biotype IV จำนวน 1 สายพันธุ์ คือ P80 สำหรับลักษณะที่เหมือนกัน ของเชื้อในกลุ่มนี้คือ สามารถสร้างรงควัตถุชนิดละลายน้ำได้เรียก fluorescein มีปฏิกิริยากับ egg yolk สามารถเจริญเติบโตในอุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส, hydrolyse gelatin, สามารถสร้างเอ็นไซม์ arginine dihydrolase ผลิตกรดจากสารประกอบคาร์โบไฮเดรต ได้หลายชนิดดังนี้ Arabinose, Cellobiose, Fructose, Galactose, Glucose, Inositol, Mannose, Ribose, Trehalose, Xylose, และสามารถ ใช้สารประกอบคาร์โบไฮเดรตและสารประกอบอินทรีย์ เพื่อเป็นแหล่งคาร์บอน และไนโตรเจนได้หลาย

ชนิด รายละเอียดแสดงไว้ในตารางที่ 5

กลุ่มที่ 5 (Cluster 5) ประกอบด้วยเชื้อจำนวน 5 สายพันธุ์ แยกได้จาก
 ผู้ป่วย จำนวน 2 สายพันธุ์ จากสิ่งแวดล้อมจำนวน
 2 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ
P.aeruginosa ATCC 10145 โดยรวมเป็นกลุ่ม
 เดียวกันที่ระควมคล้ายคลึง 73.5 เปอร์เซ็นต์
 เชื้อในกลุ่มนี้ คือเชื้อ P. aeruginosa สามารถ
 สร้างรงควัตถุ ชนิดสามารถละลายน้ำได้ เรียก
 pyocyanin เคลื่อนที่ได้ด้วย แพลกเจลลา จำนวน
 มากกว่า 1 เส้น ที่ปลายหัวของเชื้อสามารถเจริญ
 เติบโตในอุณหภูมิตั้งที่ 42 องศาเซลเซียสและไม่สามารถ
 เจริญในอุณหภูมิตั้งที่ 4 องศาเซลเซียส แยกจากเชื้อใน
 กลุ่ม 3 และ กลุ่ม 4 โดยปฏิกิริยาการทดสอบ ดังนี้
 acetamide hydrolysis เชื้อในกลุ่มนี้ให้ผลบวก,
 เชื้อในกลุ่ม 3 และกลุ่ม 4 ไม่สามารถเจริญในอุณหภูมิตั้งที่
 42 องศาเซลเซียส เชื้อในกลุ่มนี้ ไม่สามารถผลิต
 กรดจากสารประกอบคาร์โบไฮเดรตชนิด inositol
 และ trehalose ขณะที่ กลุ่ม 4 ให้กรดจาก
 สารประกอบดังกล่าว เชื้อในกลุ่มนี้ สามารถผลิต
 กรดจากคาร์โบไฮเดรต ดังนี้ คือ Arabinose,
 Adonitol, Galactose, Mannose, Mannitol,
 Starch และ Xylose ลักษณะที่สำคัญได้แสดงไว้
 ในตารางที่ 6 นอกจากนี้ยังสามารถใช้สารประกอบ
 คาร์โบไฮเดรตและสารประกอบอินทรีย์เป็นแหล่งของ
 คาร์บอน และไนโตรเจนได้หลายชนิด ดังแสดงไว้
 ในตารางที่ 5

กลุ่มที่ 6 (Cluster 6) ประกอบด้วยเชื้อ Pseudomonas sp. จำนวน 2 สายพันธุ์ ซึ่งแยกได้จากผู้ป่วยทั้งหมด เชื้อนี้ได้แยกพิสูจน์แล้วว่าเป็น Unclassified Pseudomonas โดย คุณสุรางค์ เดชศิริเลิศ แห่งกองพยาธิวิทยาคลินิก สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุขแห่งชาติ จังหวัดนนทบุรี เมื่อนำมาทดสอบเชื้อทั้งสองสายพันธุ์ รวมกันเป็นกลุ่มเดียวกันที่ ระดับความคล้ายคลึง 56.5 เปอร์เซ็นต์ และ รวมกับกลุ่มที่ 1 ถึง 5 ที่ 46.5 เปอร์เซ็นต์ มีลักษณะทั่วไป แสดงไว้ในตารางที่ 5 และลักษณะที่สำคัญแสดงไว้ในตารางที่ 6

กลุ่มที่ 7 (Cluster 7) ประกอบด้วยเชื้อ จำนวน 5 สายพันธุ์ ซึ่งแยกได้จากผู้ป่วยจำนวน 2 สายพันธุ์ จากสิ่งแวดล้อม 2 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ P. pickettii ATCC 27511 โดยรวมเป็นกลุ่มเดียวกันที่ระดับความคล้ายคลึง 64.5 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้ คือ P. pickettii มีลักษณะโคโลนีหยิกไม่เรียบ โดยโคโลนีจะฝังในเนื้อวุ้น ผลิตรวดจาก Glucose, Galactose, Fructose, Mannose, Sorbose, และ Xylose ไม่สามารถผลิตรวดจาก Lactose และ Maltose เชื้อนี้สามารถ denitrify และ สามารถสร้างเอ็นไซม์ Urease ให้ผลบวกต่อการทดสอบ malonate test สามารถเจริญได้ใน ระดับความเข้มข้นของเกลือ 0-2.5 เปอร์เซ็นต์ และบางสปีชีส์เจริญได้ในระดับความเข้มข้นของเกลือ 5.0-6.5 เปอร์เซ็นต์ ทุก

สปิชีส์ไม่สามารถเจริญ ในระดับความเข้มข้นของ
 เกลือ 8.0 เปอร์เซ็นต์ รายละเอียดแสดงไว้ใน
 ตารางที่ 5 และลักษณะสำคัญแสดงไว้ในตารางที่ 6

กลุ่มที่ 8 (Cluster 8) ประกอบด้วยเชื้อ จำนวน 5 สายพันธุ์ แยกได้จาก
 ผู้ป่วยจำนวน 2 สายพันธุ์ จากสิ่งแวดล้อม จำนวน
 2 สายพันธุ์และสายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ
P. species group VE-2 JCM 2952 โดยรวม
 เป็นกลุ่มเดียวกัน ที่ระดับความคล้ายคลึง 63.5
 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้ คือ Pseudomonas
species group VE-2 มีลักษณะที่สำคัญ คือ มี
 แฟลกเจลลา 1 เส้น ที่ปลายขั้วของเชื้อไม่
 สามารถ hydrolyse aesculin, ลักษณะโคโลนี
 เมื่อเจริญเติบโตบน nutrient agar กลมมน
 ขอบเรียบ มีสีเหลือง และโคโลนีเมื่อเจริญเติบโต
 บน blood agar plate ส่วนใหญ่ไม่สามารถ
 hemolysis เม็ดเลือดแดง เชื้อในกลุ่มนี้เจริญเติบโต
 ได้ดีในความเข้มข้นของเกลือ 0-2.5 เปอร์เซ็นต์,
 ไม่เจริญในอุณหภูมิ 4 และ 45 องศา-
 เซลเซียส สามารถผลิตกรดจาก Aesculin,
 Cellobiose, Dulcitol, Dextrin,
 Erythriol, Fructose, Galactose,
 Glucose, Mannose, Mannitol, Melizitose,
 Maltose, Ribose, Sorbose, Starch,
 Sorbitol, Trehalose, และ Xylose
 ไม่สามารถผลิตกรดจาก Ethanol, Lactose
 รายละเอียด ได้แสดงไว้ในตารางที่ 5 และ

ลักษณะสำคัญแสดงไว้ในตารางที่ 6

กลุ่มที่ 9 (Cluster 9) ประกอบด้วยเชื้อ จำนวน 5 สายพันธุ์ แยกได้จาก
 ผู้ป่วย จำนวน 2 สายพันธุ์ สิ่งแวดล้อม จำนวน 2
 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ
P. stutzeri ATCC 17588 โดยรวมเป็นกลุ่ม
 เดียวกันที่ระดับความคล้ายคลึง 60.5 เปอร์เซ็นต์
 เชื้อในกลุ่มนี้ คือ P. stutzeri ซึ่งมีลักษณะที่
 สำคัญคือ เคลื่อนที่ได้โดยด้วยแฟลกเจลลา จำนวน
 1 เส้น ที่ปลายหัวของเชื้อ ลักษณะโคโลนี เมื่อ
 เจริญบน nutrient agar แห้งและหยิก
 (Wrinkled) เมื่อเพาะเลี้ยงเชื้อไว้ 24 ชั่วโมง
 มีสีน้ำตาลแดง เมื่อใช้ปลายเข็ม (Needle) ยก
 โคโลนี จะสามารถยกโคโลนีออกจากเนื้อวุ้นบริเวณ
 ที่เชื้อขึ้นได้โดยง่าย เชื้อในกลุ่มนี้ไม่ละลายตัวในน้ำ
 สามารถ denitrify ให้ผลบวกต่อการทดสอบ
 malonate test สามารถ deaminate
 phenylalanine, ไม่ให้ปฏิกิริยาต่อ egg yolk,
 เป็นเชื้อกลุ่มเดียวจากทั้งหมด 13 กลุ่ม ที่สามารถ
 hydrolyse starch สามารถเจริญเติบโตได้ใน
 ระดับความเข้มข้นของเกลือ ตั้งแต่ 2.5 - 8.0
 เปอร์เซ็นต์ และไม่สามารถเจริญเติบโตถ้าปราศ-
 จากเกลือ (NaCl) สามารถผลิตกรดจากสาร
 ประกอบคาร์โบไฮเดรต ดังนี้ Glucose, Maltose
 และ Xylose และ เชื้อส่วนใหญ่ให้กรดจาก
 Fructose, Galactose, Mannose, Starch
 เชื้อในกลุ่มนี้มีความสามารถใช้ สารประกอบคาร์

โบไฮเดรท และสารประกอบอินทรีย์ได้หลายชนิด เพื่อเป็นแหล่งคาร์บอนและไนโตรเจน รายละเอียด ได้แสดงไว้ในตารางที่ 5

กลุ่มที่ 10 (Cluster 10) ประกอบด้วยเชื้อ จำนวน 5 สายพันธุ์ แยกได้จากผู้ป่วย จำนวน 2 สายพันธุ์ สิ่งแวดล้อม จำนวน 2 สายพันธุ์ และ สายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ P. diminuta ATCC 11568 รวมเป็นกลุ่มเดียวกัน ที่ระดับความคล้ายคลึง 68.5 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้คือ P. diminuta มีลักษณะดังนี้ คือ ลักษณะโคโลนี เมื่อเจริญบน Muller-Hinton agar กลมมนูน ขอบเรียบ โคโลนีให้สีน้ำตาล และมีรังควัตถุสีน้ำตาลรอบ ๆ โคโลนีไม่ให้เกิดเมือกทดสอบ Hugh & Leifson's oxidative test แต่ให้ต่างในทุกสายพันธุ์ ที่นำมาทดสอบ เชื้อในกลุ่มนี้ไม่สามารถผลิตกรดจากสารประกอบคาร์โบไฮเดรท เคลื่อนที่ได้ด้วยแฟลกเจลลา 1 เส้นที่ปลายขั้วของเชื้อ ไม่สามารถ denitrify เชื้อโดยส่วนใหญ่ให้ ผลบวกต่อการทดสอบ malonate test ไม่ให้ปฏิกิริยาต่อ egg yolk เชื้อส่วนใหญ่สามารถ hydrolyse DNAase และ gelatin ไม่สามารถเติบโตในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีปริมาณเกลือ NaCl มากกว่า 6.5 เปอร์เซ็นต์ ไม่สามารถเจริญเติบโตในอุณหภูมิ 42 และ 45 องศาเซลเซียส มีความต้องการใช้สารประกอบคาร์โบไฮเดรทและสารประกอบอินทรีย์หลายชนิด เพื่อเป็นแหล่งคาร์บอนและไนโตรเจน

รายละเอียดดังแสดงไว้ในตารางที่ 5

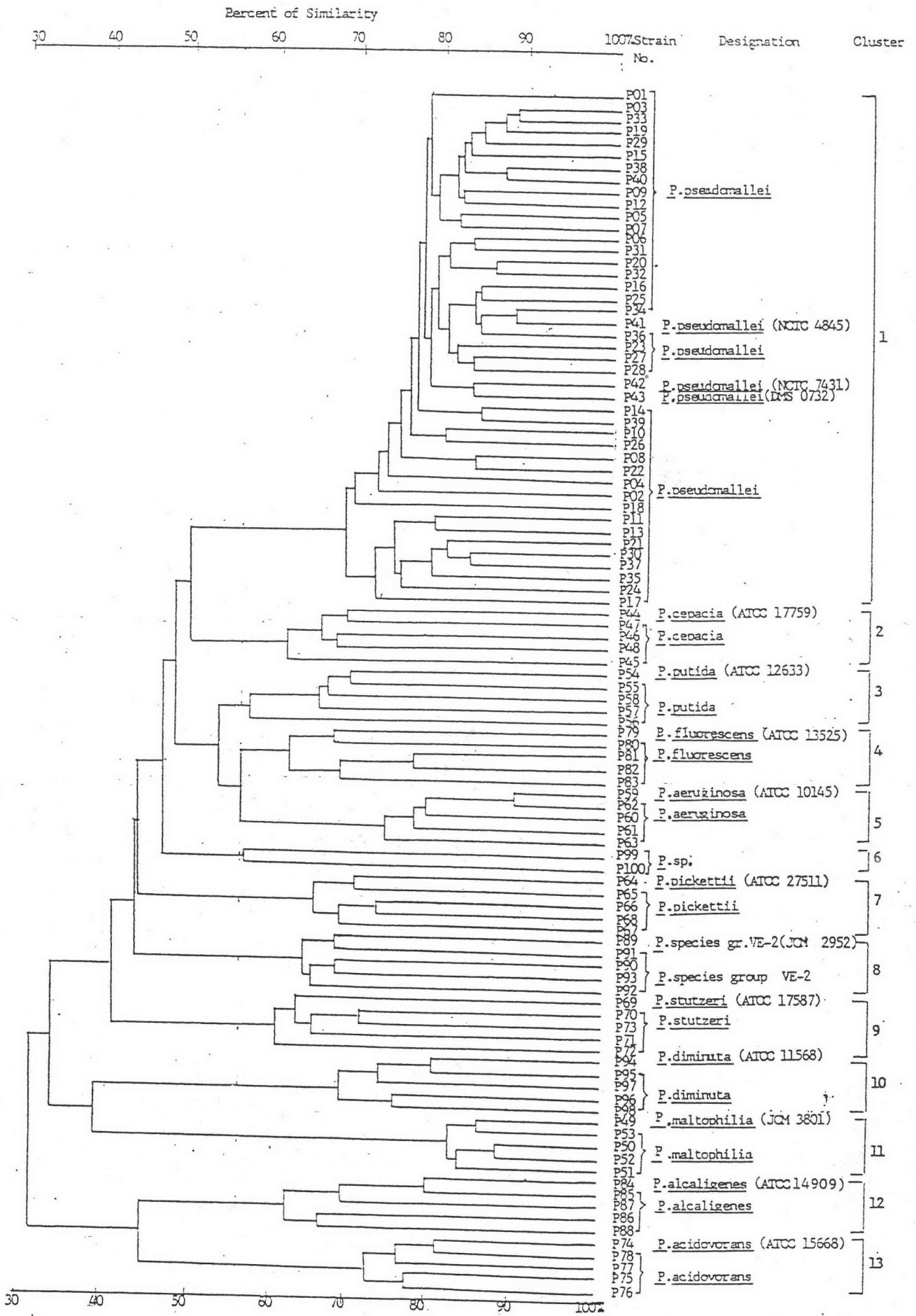
กลุ่มที่ 11 (cluster 11) ประกอบด้วยเชื้อ จำนวน 5 สายพันธุ์ เป็นเชื้อที่แยกได้จากผู้ป่วยจำนวน 2 สายพันธุ์ สิ่งแวดล้อมจำนวน 2 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง จำนวน 1 สายพันธุ์ คือ Pseudomonas maltophilia JCM 3801 รวมเป็นกลุ่มเดียวกันที่ระดับความคล้ายคลึง 81.5 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้ คือ P. maltophilia มีลักษณะที่สำคัญ คือ ให้ผลบวกต่อการทดสอบ Indophenol oxidase ลักษณะโคโลนีมีสีเหลือง และสีน้ำตาล เคลื่อนที่ได้ด้วยแฟลกเจลลา มากกว่า 1 เส้นที่ปลายขั้วของเชื้อ ลักษณะโคโลนี เมื่อเจริญเติบโตบน blood agar plate จะมีสีเขียวอมเหลือง และมีกลิ่นคล้ายแอมโมเนีย สามารถ hydrolyse Polysorbate (Tween) 80 นอกจากนี้ยังสามารถ hydrolyse aesculin, gelatin, DNAase สามารถสร้างเอ็นไซม์ lysine decarboxylase เจริญเติบโตได้ไม่ดี ในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีความเข้มข้นของเกลือ มากกว่า 2.5 เปอร์เซ็นต์ ไม่เจริญเติบโตในอุณหภูมิตั้งแต่ 4 และ 42 องศาเซลเซียส สามารถผลิตกรดจากสารประกอบคาร์โบไฮเดรต ดังนี้ คือ Cellobiose, Glucose, Trehalose ลักษณะการผลิตกรดให้ผลช้ากว่าคือ ใน 48 ชั่วโมงแรกให้ผลเป็นด่าง แต่ถ้าทิ้งไว้ 72 ชั่วโมง ขึ้นไปจะเปลี่ยนเป็น กรด, ส่วนใน Maltose เชื้อในกลุ่มนี้สามารถผลิตกรดได้ อย่างรวดเร็วใน 24 ชั่วโมง

แรก นอกจากนี้เชื้อในกลุ่ม P. maltophilia ยังสามารถใช้ สารประกอบคาร์โบไฮเดรต และ สารประกอบอินทรีย์ บางชนิดเป็นแหล่งคาร์บอน และไนโตรเจน รายละเอียดแสดงไว้ในตารางที่ 5

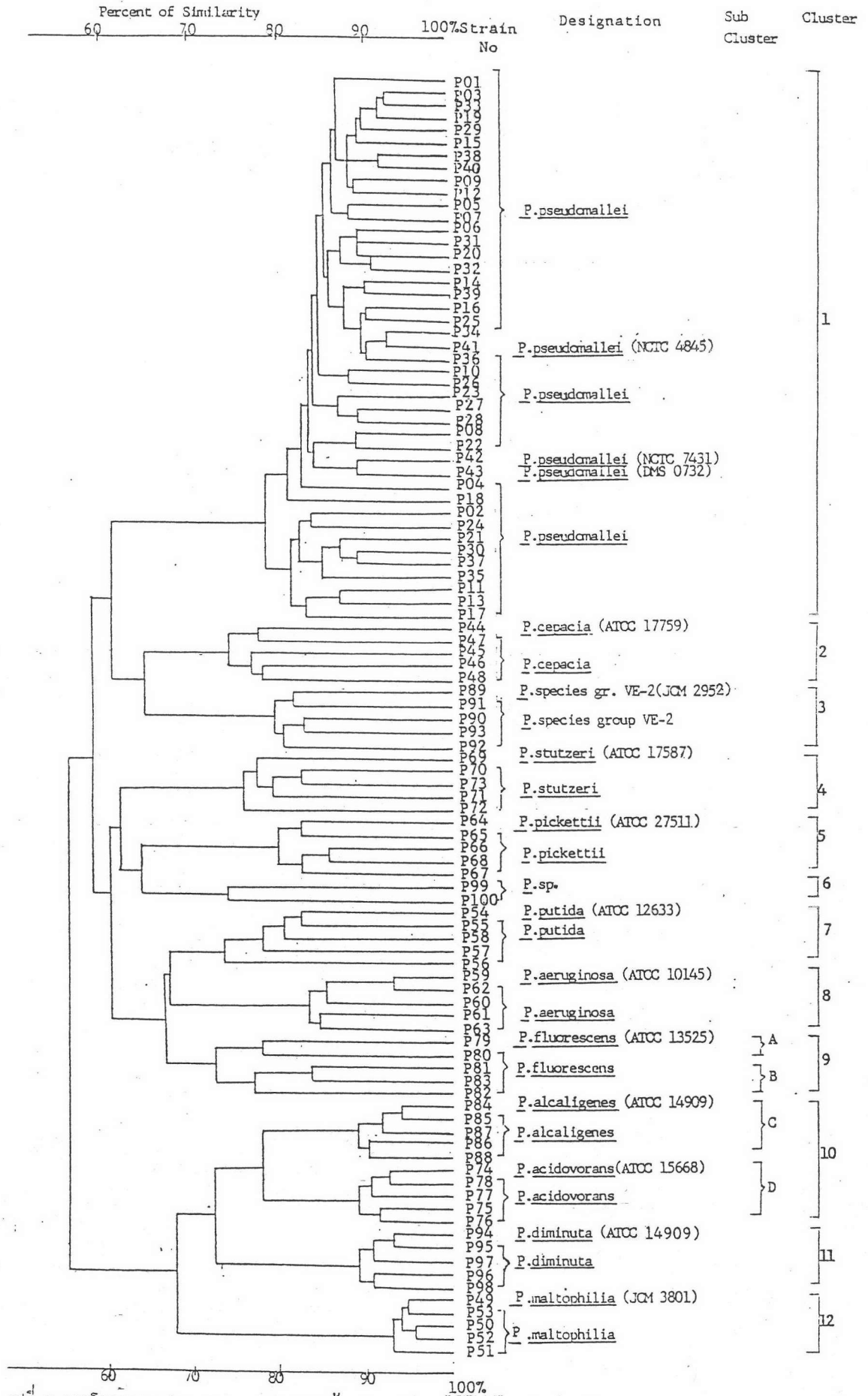
กลุ่มที่ 12 (Cluster 12) ประกอบด้วยเชื้อ 5 พันธุ์ แยกเป็นเชื้อจากผู้ป่วย จำนวน 2 สายพันธุ์ แยกจากสิ่งแวดล้อม จำนวน 2 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง 1 สายพันธุ์ คือ P. alcaligenes ATCC 15668 รวมเป็นกลุ่ม เดียวกัน ที่ระดับความคล้ายคลึง 62 เปอร์เซ็นต์ เชื้อในกลุ่มนี้คือ P. alcaligenes ลักษณะที่สำคัญ คือ สามารถเคลื่อนที่ได้ด้วยแฟลกเจลลาจำนวน 1 เส้นที่ปลายขั้วของเชื้อ ให้ผลบวกต่อการ ทดสอบ Indophenol oxidase ลักษณะโคโลนีเมื่อเลี้ยง บน nutrient agar ให้สีน้ำตาลอ่อน การทดสอบ Hugh & Leifson's Oxidative test ให้ผล เป็นต่าง บนผิวของมีเดียที่ใช้ทดสอบ เชื้อกลุ่มนี้ สามารถ reduce nitrate ให้ nitrite เชื้อ ส่วนใหญ่ให้ผลบวกต่อการทดสอบ malonate test ไม่สามารถผลิตเอ็นไซม์ decarboxylase ไม่มี ปฏิกริยาต่อ egg yolk เชื้อในกลุ่มนี้ไม่สามารถ เจริญในอุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส แต่สามารถ เจริญในอุณหภูมิ 42 องศาเซลเซียส ไม่สามารถ ผลิตกรด จากสารประกอบคาร์โบไฮเดรต ทุกชนิด ปฏิกริยา oxidative ที่ใช้ OF basal medium ให้ผลเป็นต่างบนผิวของมีเดีย เชื้อในกลุ่มนี้ไม่ สามารถใช้สารประกอบคาร์โบไฮเดรต เป็นแหล่ง

คาร์บอน ส่วนสารประกอบอินทรีย์ สามารถใช้
ได้เพียงบางชนิดเท่านั้น รายละเอียดได้แสดงไว้ใน
ตารางที่ 5

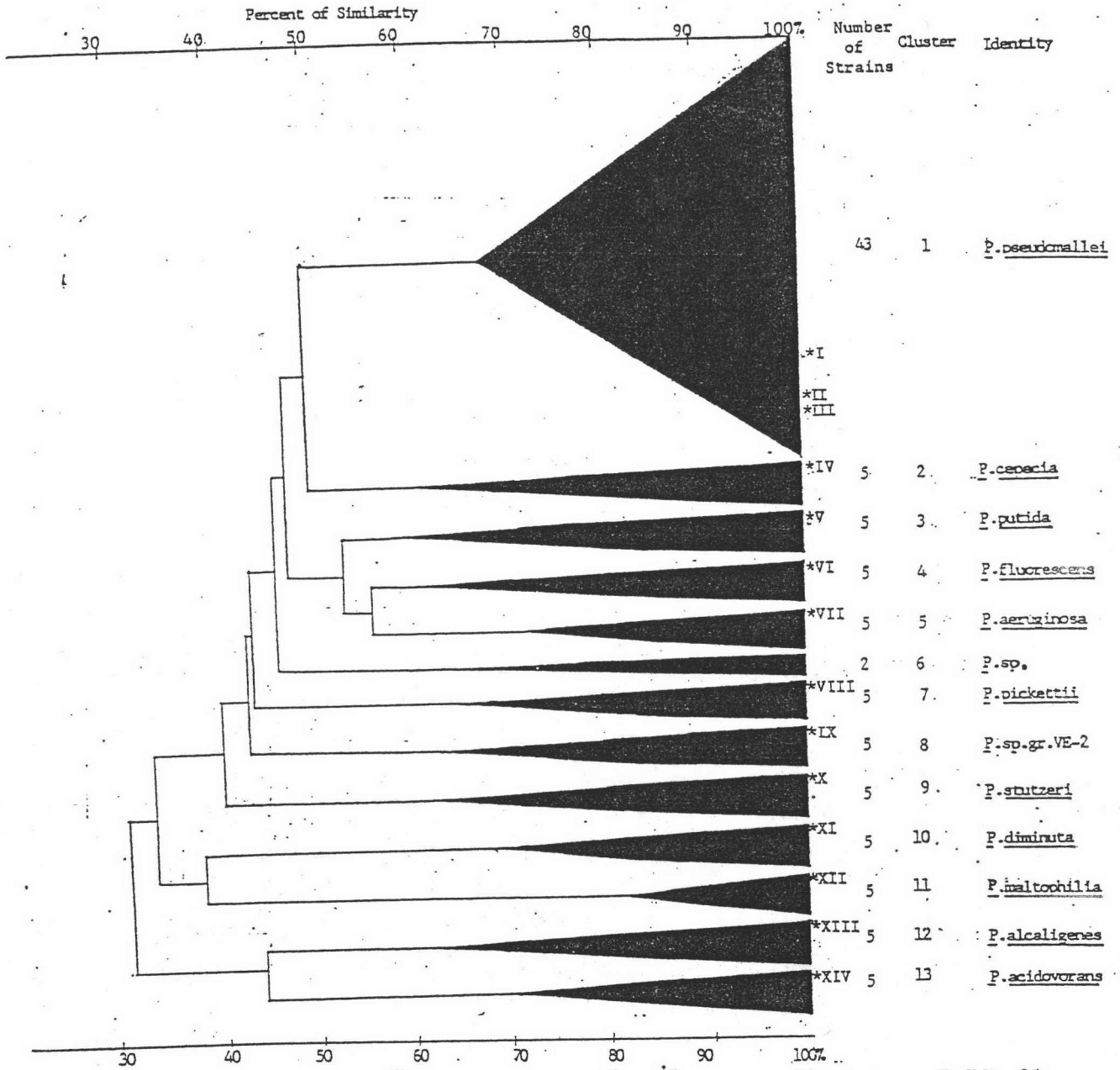
กลุ่มที่ 13 (cluster 13) ประกอบด้วยเชื้อ จำนวน 5 สายพันธุ์ แยกเป็น
เชื้อจากผู้ป่วย จำนวน 2 สายพันธุ์ สิ่งแวดล้อม
จำนวน 2 สายพันธุ์ และสายพันธุ์อ้างอิง จำนวน
1 สายพันธุ์ คือ P. acidovorans ATCC
15668 รวมเป็นกลุ่มเดียวกัน ที่ระดับความคล้าย
คลึง 72 เปอร์เซ็นต์ ลักษณะที่สำคัญของเชื้อใน
กลุ่มนี้ คือ P. acidovorans เกิดสภาวะความ
เป็นต่างบนผิวของ Hugh & Leifson's
oxidative test เคลื่อนที่ได้ด้วยแฟลกเจลลา
จำนวน 1 เส้น บางสายพันธุ์มากกว่า 1 เส้นให้
ผลบวกต่อการทดสอบ Indophenol oxidase
สามารถ reduce nitrate ให้เป็น nitrite
มีความสามารถในการ hydrolyse arginine
ไม่สามารถเจริญในอุณหภูมิ 4, 42, 45 องศา-
เซลเซียส เชื้อโดยส่วนใหญ่ไม่สามารถผลิตกรด
จากสารประกอบคาร์โบไฮเดรต ยกเว้น Fruc-
tose, Mannitol รายละเอียดความสามารถ
ในการใช้สารประกอบคาร์โบไฮเดรต และสาร
ประกอบอินทรีย์เป็นแหล่งคาร์บอน และไนโตรเจน
ได้แสดงไว้ในตารางที่ 5



รูปที่ 2 แผนโคโรแกรม (Dendrogram) ของเชื้อ pseudomonas spp. โดยการศึกษาความสัมพันธ์กันแบบ S_j และจัดกลุ่มโดยวิธี Unweight Pair Group Method with Arithmetic Average Linkage Technique



รูปที่ 3 เตนโดแกรม (Dendrogram) ของเชื้อ *Pseudomonas* spp. โดยการศึกษาความสัมพันธ์กันแบบ SSM และจัดกลุ่มโดยวิธี Unweight Pair Group Method with Arithmetic Average Linkage Technique

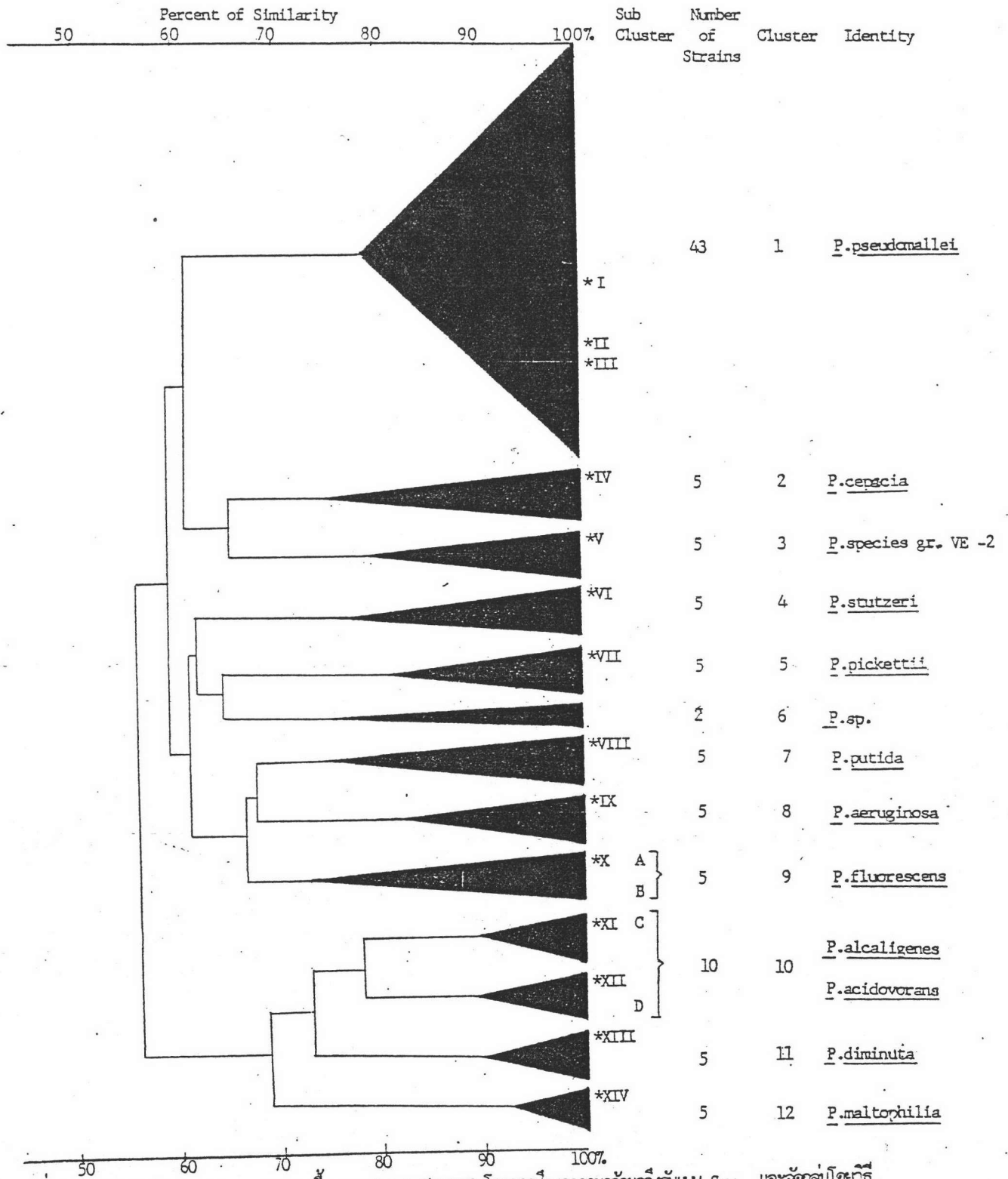


รูปที่ 4 Simplified dendrogram ของเชื้อ Pseudomonas spp. โดยการศึกษาความสัมพันธ์กันแบบ รัง และจัดกลุ่มโดยวิธี Unweight Pair Group Method with Arithmetic Average Linkage Technique

* ตำแหน่งของเชื้ออ้างอิง

- I = P. pseudomallei NCTC 4845
- II = P. pseudomallei NCTC 7431
- III = P. pseudomallei DMS.0732
- IV = P. cepacia ATCC 17759
- V = P. putida ATCC 12633
- VI = P. fluorescens ATCC 13525
- VII = P. aeruginosa ATCC 10145

- VIII = P. pickettii ATCC 27511
- IX = P. species group VE-2 JCM 2952
- X = P. stutzeri ATCC 17587
- XI = P. diminuta ATCC 11568
- XII = P. maltophilia JCM 3801
- XIII = P. alcaligenes ATCC 14909
- XIV = P. acidovorans ATCC 15668



รูปที่ 5 Simplified dendrogram ของ Pseudomonas spp. โดยการใช้เทคนิคการคำนวณค่าความสัมพันธ์แบบ SSM และจัดกลุ่มโดยวิธี Unweight Pair Group Method with Arithmetic Average Linkage Technique

* ตำแหน่งของเชื้ออ้างอิง

- I = P. pseudomallei NCIC 4845
- II = P. pseudomallei NCIC 7431
- III = P. pseudomallei DMS 0732
- IV = P. cepacia ATCC 17759
- V = P. species group VE-2 JCM 2952
- VI = P. stutzeri ATCC 17587
- VII = P. pickettii ATCC 27511

- VIII = P. putida ATCC 12633
- IX = P. aeruginosa ATCC 10145
- X = P. fluorescens ATCC 13525
- XI = P. alcaligenes ATCC 14909
- XII = P. acidovorans ATCC 15668
- XIII = P. diminuta ATCC 11568
- XIV = P. maltophilia JCM 3801

ตารางที่ 4 เปรียบเทียบจำนวนกลุ่ม (Cluster) และจำนวนเชื้อที่อยู่ในแต่ละกลุ่ม ซึ่งได้จากการวิเคราะห์แบบ S_n /UPGMA และ S_{sm} /UPGMA

S_n /UPGMA		สายพันธุ์	S_{sm} /UPGMA	
cluster	No.		No.	cluster
1	43	P01, P03, P19, P29, P15, P38, P40, P09 P12, P05, P07, P06, P31, P20, P32, P14 P39, P16, P25, P34, <u>P. pseudomallei</u> NCTC 4845, P36, P10, P26, P23, P27, P28, P08, P22, <u>P. pseudomallei</u> NCTC 7431, <u>P. pseudomallei</u> DMS 0732, P04, P18, P02, P24, P21, P30, P37, P35, P11, P13, P17	43	1
2	5	<u>P. cepacia</u> ATCC 17759, P47, P45, P46, P48	5	2
3	5	<u>P. putida</u> ATCC 12633, P55, P58, P57 P56	5	7
4	5	<u>P. fluorescens</u> ATCC 13525, P80, P81, P83, P82	5	9 A 9 B
5	5	<u>P. aeruginosa</u> ATCC 10145, P62, P60 P61, P63	5	8

ตารางที่ 4 (ต่อ)

S ₁ /UPGMA		Strains	S _{sm} /UPGMA	
cluster	No.		No.	cluster
6	2	P99,P100 (<u>Pseudomonas</u> sp.)	2	6
7	5	<u>P.pickettii</u> ATCC 27511,P65,P66, P68,P67	5	5
8	5	<u>P.species</u> group VE-2 JCM 2952, P91,P90,P93,P92	5	3
9	5	<u>P.stutzeri</u> ATCC 17588,P70,P73, P71,P72	5	4
10	5	<u>P.diminuta</u> ATCC 11568,P95,P97, P96,P98	5	11
11	5	<u>P.maltophilia</u> JCM 3801,P53,P50, P52,P51	5	12
12	5	<u>P.alcaligenes</u> ATCC 14909,P85, P87,P86,P88	5	10 C
13	5	<u>P.acidovorans</u> ATCC 15668,P78, P77,P75,P76	5	10 D

ตารางที่ 5 ลักษณะของเชื้อ *Pseudomonas* spp. ทั้ง 13 กลุ่ม

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
		จำนวนสายพันธุ์												
กลุ่มลักษณะ		43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
Colonial Morphology														
1	Flat	0 ¹	0	20	60	100	50	0	20	80	0	0	20	0
2	Convex	100	100	80	40	0	50	100	80	20	100	100	80	100
3	Irregular	0	0	40	60	100	0	0	0	100	0	0	40	0
4	Entire	100	100	60	40	0	100	100	100	0	100	100	60	100
5	Wrinkle	92	0	0	0	0	0	0	0	100	0	0	20	0
Hemolysis on blood agar plate														
6	Complete	72	0	0	100	100	100	60	20	0	60	0	40	40
7	partial	18	40	60	0	0	0	0	0	80	40	20	40	20
Emulsification of colonies														
8	Easy	84	80	100	60	20	100	0	80	0	100	100	40	60
9	Difficult	16	20	0	40	80	0	100	20	100	0	0	60	40
Cell Morphology														
10	Coccobacilli	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
11	Short rod	0	60	80	20	0	50	40	80	0	40	60	60	0

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์	กลุ่มลักษณะ												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
		43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
12	Long rod	0	20	0	60	40	100	60	0	80	20	40	0	60
13	Pleomorphism	0	20	20	20	40	0	0	20	20	40	0	0	40
14	Bipolar	100	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	Flagella Numbers													
15	1	0	0	0	0	100	50	100	100	100	100	0	100	20
16	>1	100	100	100	100	0	50	0	0	0	0	100	0	80
	Indophenol oxidase													
17	Oxidase test	100	100	100	100	100	100	100	60	100	100	0	100	100
	Catalase production													
18	Catalase test	95	40	100	100	100	100	40	40	0	60	100	100	80
	Reaction on TSI agar													
19	No change butt/Alkaline slant	5	100	100	100	100	50	100	40	60	80	60	100	100
20	Alkaline butt/Alkaline slant	44	0	0	0	0	50	0	60	40	20	40	0	0
21	Acid butt/Acid slant	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	Diffusible pigment													
22	Diffusible	0	100	100	80	100	0	40	0	0	100	0	0	20

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์ กลุ่มลักษณะ	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
		43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
42	Gluconate Indole test	19	100	100	60	80	0	0	0	0	0	0	0	0
43	Indole Malonate utilization	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
44	Malonate test Phenylalanine deamination	23	80	60	60	100	0	100	80	100	80	100	80	40
45	P.D. test Decarboxylase reaction	0	20	20	40	0	0	40	60	100	0	0	0	0
46	Arginine dihydrolase	100	0	80	100	100	0	0	0	20	0	0	0	0
47	Lysine decarboxylase	0	80	0	0	0	0	0	20	0	0	100	0	0
48	Ornithine decarboxylase Lecithinase(Egg Yolk) opacity test	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
49	Lecithinase Hydrolysis on:	67	60	0	100	80	0	20	0	0	0	0	0	0
50	Aesculin	67	60	0	60	40	100	0	0	0	20	100	0	0
51	Polysorbate(Tween)80	44	100	20	80	100	50	80	60	80	40	100	40	20

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์ กลุ่มลักษณะ	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
		43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
52	Starch	0	0	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0
53	DNase	0	0	20	0	0	0	0	0	20	80	100	0	0
54	Gelatin liquefaction	100	20	0	100	100	50	80	60	20	80	100	20	0
55	Acetamide	70	80	0	20	100	100	0	0	40	0	0	0	80
56	Arginine	100	40	80	60	100	100	40	40	40	20	0	60	100
	Growth on:													
57	MacConkey agar	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
58	SS agar	88	0	80	80	100	100	40	0	80	0	20	0	40
59	1% TTC ²	0	80	60	60	100	0	0	0	20	20	0	0	0
	Salt tolerance													
60	0%	100	100	100	100	100	50	100	100	20	100	100	80	80
61	2.5%	100	100	100	80	100	100	100	100	100	100	100	20	0
62	5.0%	100	60	0	100	20	50	60	60	100	100	40	0	0
63	6.5%	0	0	0	0	0	50	20	20	100	0	20	0	0
64	8.0%	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0
	pH tolerance													
65	pH 3	2	0	0	40	0	50	40	0	0	40	60	40	0



ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับการทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์	กลุ่มลักษณะ												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
66	pH 5	100	100	100	100	80	100	100	100	0	100	80	100	0
67	pH 7	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
68	pH 9	100	100	100	100	100	50	20	80	100	80	0	40	100
Temperature growth														
69	4°C	33	0	80	100	0	0	40	0	0	40	0	0	0
70	42°C	100	100	0	0	100	0	60	20	80	0	0	100	0
71	45°C	93	20	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0
Bile tolerance														
72	5 %	100	100	100	100	100	100	100	60	100	100	100	80	100
73	10 %	100	60	100	80	100	100	80	60	100	100	0	40	100
74	20 %	100	20	20	80	100	100	20	0	0	100	0	60	40
75	40 %	100	0	0	60	100	50	40	0	0	80	0	20	0
Acid production from carbohydrate and sugar derivative (OFBM)³														
76	Aesculin	5	80	60	40	20	0	0	100	0	0	0	0	0
77	Arabinose	100	100	100	100	100	50	60	60	0	0	0	0	0

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์	กลุ่มลักษณะ												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
		43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
78	Adonitol	40	60	80	80	100	50	40	80	0	0	80	0	0
79	Cellobiose	84	100	20	100	0	50	0	100	0	0	100	0	0
80	Dulcitol	79	60	20	60	40	50	60	100	0	0	40	0	0
81	Dextrin	77	100	60	60	40	0	60	100	0	0	0	0	0
82	Ethanol	33	20	60	20	80	50	40	0	40	0	0	0	0
83	Erythriol	72	0	80	80	0	50	60	100	0	0	0	0	0
84	Fructose	100	100	100	100	60	100	100	100	80	0	60	0	100
85	Galactose	98	100	100	100	100	50	100	100	80	0	0	0	0
86	Glucose	100	100	100	100	100	100	100	100	100	0	100	0	0
87	Inositol	74	80	40	100	20	0	60	80	20	0	0	0	20
88	Inulin	2	80	40	80	60	0	20	80	0	0	0	0	60
89	Lactose	100	100	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
90	Melibiose	9	20	60	60	60	50	60	80	0	0	0	0	0
91	Mannose	100	100	80	100	100	50	100	100	80	0	60	0	0
92	Mannitol	100	100	40	80	100	100	0	100	60	0	0	0	100
93	Melizitose	2	80	40	40	0	50	60	100	60	0	0	0	0
94	Maltoes	100	100	20	80	0	100	0	100	100	0	100	0	0

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์	กลุ่มลักษณะ												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
		43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
95	Rhamnose	21	0	60	80	20	0	0	60	0	0	0	0	0
96	Raffinose	0	60	40	80	40	0	60	80	60	0	0	0	0
97	Ribose	60	100	100	100	40	50	20	100	40	0	0	0	0
98	Sorbose	2	60	100	80	60	50	100	100	60	0	0	0	0
99	Salicin	20	0	60	20	40	0	60	60	0	0	0	0	0
100	Starch	67	0	100	80	100	0	0	100	80	0	0	0	0
101	Sorbitol	86	80	100	80	60	0	40	100	60	0	0	0	0
102	Saccharose	93	100	20	60	20	100	0	40	0	0	0	0	0
103	Trehalose	84	100	20	100	0	50	40	100	0	0	100	0	0
104	Xylose	93	100	80	100	100	100	100	100	100	0	0	0	0
105	Lactose, 10 % (FAB) ⁴	100	100	40	40	20	0	0	80	0	0	0	0	0
	Utilization of carbohydrate and sugar derivative as the carbon source													
106	Aesculin	4	0	0	40	0	0	0	0	60	0	0	0	0
107	Arabinose	93	80	40	100	0	100	0	60	0	0	0	0	0
108	Adonitol	40	100	0	80	20	50	80	40	40	0	0	0	0

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์	กลุ่มลักษณะ												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
109	Cellobiose	100	60	40	80	100	50	80	0	0	0	100	0	0
110	Dulcitol	84	60	60	20	20	100	100	40	40	0	0	0	20
111	Dextrin	79	0	0	20	0	0	100	0	40	0	0	0	40
112	Ethanol	53	0	80	0	100	0	20	0	80	20	0	0	100
113	Erythriol	91	0	0	80	100	0	100	60	60	0	0	0	100
114	Fructose	100	100	60	80	80	100	100	100	100	0	40	0	100
115	Glucose	93	100	100	100	100	100	100	100	100	0	100	0	0
116	Galactose	81	100	80	60	100	100	100	100	0	0	100	0	0
117	Gluconate	35	60	100	100	100	100	0	60	60	0	0	0	100
118	Glycerol	100	20	80	100	80	100	80	0	0	0	0	0	60
119	Inositol	91	80	0	20	20	50	60	100	100	0	0	0	80
120	Inulin	7	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	20
121	Lactose	98	40	0	0	0	0	0	0	0	0	100	0	0
122	Melibiose	53	100	100	60	60	50	80	100	60	0	0	0	0
123	Mannose	98	20	80	60	100	50	100	0	20	0	100	0	20
124	Mannitol	100	100	0	60	100	50	0	0	20	0	0	0	100
125	Melzitose	44	60	40	20	0	0	100	0	60	0	0	0	0

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ	กลุ่มที่	จำนวนสายพันธุ์												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
การทดสอบ	กลุ่มลักษณะ	43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
126	Maltose	100	0	0	0	0	100	60	0	100	0	100	0	0
127	Rhamnose	12	20	60	40	80	100	60	40	0	0	100	0	0
128	Raffinose	60	60	40	0	20	100	100	100	40	0	0	0	40
129	Ribose	88	60	100	100	100	100	40	40	0	0	0	0	0
130	Sorbose	49	40	40	40	80	0	40	40	0	0	0	0	0
131	Salicin	44	40	40	0	60	0	60	80	20	0	100	0	20
132	Starch	65	20	80	60	60	0	0	40	100	0	0	0	0
133	Sorbitol	77	60	0	80	100	50	40	60	0	0	0	0	0
134	Saccharose	53	100	0	80	0	100	0	80	20	0	100	0	0
135	Trehalose	100	100	0	80	0	100	20	100	0	0	100	0	0
136	Xylose	9	80	80	80	0	100	100	20	20	0	20	0	0
	Utilization of organic compound as the sole carbon & nitrogen source													
137	Acetate	98	100	100	100	100	100	100	100	100	0	0	60	100
138	Caproate	95	60	100	100	100	100	60	100	100	80	20	60	100
139	n-valerate	7	60	100	0	100	100	0	100	60	100	100	80	100



ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์	กลุ่มลักษณะ												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
140	Butyrate	23	100	100	80	80	100	0	0	100	100	40	100	100
141	Malonate	100	100	80	80	100	100	100	100	100	100	100	0	100
142	Succinate	65	100	100	100	100	100	60	80	100	0	100	100	100
143	Fumarate	2	60	100	100	100	0	0	100	100	20	100	100	100
144	Oxalate	0	20	20	0	40	0	0	0	0	0	0	100	60
145	D-malate	86	60	100	100	100	50	100	100	100	0	100	0	100
146	Tartrate	0	20	60	0	60	100	100	60	40	0	0	100	60
147	Lactate	65	80	100	100	100	50	100	40	80	100	100	100	100
148	Pyruvate	63	60	100	100	100	50	0	100	100	40	100	100	100
149	Methylamine	91	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	60	0
150	Ethanolamine	70	0	0	20	0	0	0	60	60	0	0	80	40
151	Formate	100	60	60	60	100	50	0	40	0	0	0	0	80
152	Phenol	0	0	60	60	60	50	60	40	40	100	0	0	0
153	Benzoate	14	0	40	20	80	100	0	0	100	0	0	0	0
154	m-hydroxybenzoate	0	100	60	60	100	0	60	40	0	0	0	0	100
155	L-alanine	100	100	80	100	100	50	100	100	0	100	100	100	100
156	L-valine	33	60	60	100	80	50	100	0	100	0	0	0	0

ตารางที่ 5 (ต่อ)

ลำดับ การ ทดสอบ	กลุ่มที่ จำนวนสายพันธุ์	กลุ่มลักษณะ												
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
		43	5	5	5	5	2	5	5	5	5	5	5	5
157	L-glutamate	98	60	100	100	100	100	100	60	100	0	100	60	100
158	L-isoleucine	26	60	80	80	60	0	100	0	100	0	0	0	100
159	n-dodecane	0	40	0	0	0	0	0	0	80	0	0	0	0
160	Hippurate	49	60	0	60	0	50	100	0	80	0	100	0	0
161	Acetamide	0	60	0	0	80	100	0	0	100	0	0	0	100
162	L-histidine	100	80	100	80	80	100	0	0	0	0	100	0	100
163	L-proline	65	0	80	80	80	100	100	0	100	0	100	0	100
164	L-tyrosine	16	60	100	100	40	100	40	40	100	0	0	40	100
165	L-arginine	100	0	100	100	100	0	80	60	100	0	0	40	0
166	L-threonine	44	40	80	0	100	0	0	0	60	0	0	0	60
167	L-tryptophan	58	100	20	100	40	50	100	0	100	0	0	0	80
168	L-serine	98	80	40	60	20	0	100	0	80	0	0	0	0
169	L-lysine	7	100	60	20	80	0	0	40	100	0	100	0	0
170	L-ornithine	21	60	100	60	100	0	0	0	60	0	0	0	0

1 = Percent of positive test

2 = Triphenyl tetrazolium chloride

3 = O/F basal medium (Difco)

4 = Purple agar base

กลุ่ม 1 = P. pseudomallei

กลุ่ม 2 = P. cepacia

กลุ่ม 3 = P. putida

กลุ่ม 4 = P. fluorescens

กลุ่ม 5 = P. aeruginosa

กลุ่ม 6 = P. sp.

กลุ่ม 7 = P. pickettii

กลุ่ม 8 = P. species group VE-2

กลุ่ม 9 = P. stutzeri

กลุ่ม 10 = P. diminuta

กลุ่ม 11 = P. maltophilia

กลุ่ม 12 = P. alcaligenes

กลุ่ม 13 = P. acidovorans

ตารางที่ 6 (ต่อ)

ลักษณะ	จำนวนสายพันธุ์		กลุ่มที่												
	สปอร์	สปอร์	(1)	(2)	(3)	(4)	(5)	(6)	(7)	(8)	(9)	(10)	(11)	(12)	(13)
ONPG	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Denitrification	+	-	-	-	+	+	-	+	-	-	+	-	-	-	-
Growth at 42°C	+	+	-	-	+	+	-	+	-	+	+	-	-	+	-
Gelatin liquefaction	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-
Starch hydrolysis	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-
Colony pigmentation															
Green	-	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	+
Brown	-	+	+	+	-	-	-	+	-	+	+	+	+	+	+
Yellow	+	-	-	-	-	-	-	-	-	+	-	-	+	-	-

* - = 0-16 %, + = 17-50 %, ± = 51-84 %, + = 85-100 %

ตัวเลขในวงเล็บ = Cluster

OFBM = OF basal medium

ONPG = o-nitrophenyl-β-D-galactopyranoside