

REFERENCES

1. Curzon, M.E.J. 1983. Epidemiology of trace elements and dental caries. *In* A.F. Gardner (ed.), **Trace elements and dental disease**, pp.11-30. Postgraduate dental handbook series. Littleton, Mass: John Wright PSG.
2. Adkins, B.L., and Losee, F.L. 1970. A study of the covariation of dental caries prevalence and multiple trace element content of water supplies. **N Y State Dent J** 36:618-622.
3. Glass, R.L., Rothman, K.J., Espinal, F., Velez, H., and Smith, N.J. 1973. The prevalence of human dental caries and water-borne trace metals. **Arch Oral Biol** 18:1099-1104.
4. Beighton, D. 1982. The influence of manganese on carbohydrate metabolism and caries induction by *Streptococcus mutans* strain Ingbritt. **Caries Res** 16:189-192.
5. Jakubovics, N.S., and Jenkinson, H.F. 2001. Out of the Iron Age: new insights into the critical role of manganese homeostasis in bacteria. **Microbiology** 147:1709-1718.
6. Whittaker, M.M., Barynin, V.V., Antonyuk, S.V., and Whittaker, J.W. 1999. The oxidized (3,3) state of manganese catalase. Comparison of enzymes from *Thermus thermophilus* and *Lactobacillus plantarum*. **Biochemistry** 38:9126-9136.
7. Robbe-Saule, V., Coynault, C., Ibanez-Ruiz, M., Hermant, D., and Norel, F. 2001. Identification of a non-haem catalase in Salmonella and its regulation by RpoS (sigmaS). **Mol Microbiol** 39:1533-1545.
8. Archibald, F. 1986. Manganese: its acquisition by and function in the lactic acid bacteria. **Crit Rev Microbiol** 13:63-109.
9. Raccach, M. 1981. **Method and bacterial compositions for fermented meats**. US Patent 679.
10. Raccach, M. 1983. **Fermentation method using a selected *Lactobacillus***. US Patent, 383.

11. Doyle, R.J. 1989. How cell walls of Gram-positive bacteria interact with metal ions., p.275-293. In T.J. Beveridge and R.J. Doyle (ed.), **Metal Ions and Bacteria**. Wiley, New York.
12. Posey, J.E., Hardham, J.M., Norris, S.J., and Gherardini, F.C. 1999. Characterization of a manganese-dependent regulatory protein, TroR, from *Treponema pallidum*. **Proc Natl Acad Sci U S A**. 96:10887-10892.
13. Jakubovics, N.S., Smith, A.W., and Jenkinson, H.F. 2000. Expression of the virulence-related Sca (Mn²⁺) permease in *Streptococcus gordonii* is regulated by a diphtheria toxin metallopressor-like protein ScaR. **Mol Microbiol**. 38:140-153.
14. Que, Q. and Helmann, J.D. 2000. Manganese homeostasis in *Bacillus subtilis* is regulated by MntR, a bifunctional regulator related to the diphtheria toxin repressor family of proteins. **Mol Microbiol**. 35:1454-1468.
15. Bowen, W.H. 1968. The trace element requirements of cariogenic and non-cariogenic streptococci. **Arch Oral Biol**. 13:713-714.
16. Drake, D., Taylor, K.G., and Doyle, R.J. 1988. Expression of the glucan-binding lectin of *Streptococcus cricetus* requires manganese ion. **Infect Immun**. 56:2205-2207.
17. Kuramitsu, H.K. 1993. Virulence factors of mutans streptococci: role of molecular genetics. **Crit Rev Oral Biol Med**. 4:159-176.
18. Miller, W.D. 1890. **The micro-organisms of the human mouth**. Philadelphia: The S.S. White Manufacturing Co.
19. Clarke, J.K. 1924. On the bacterial factor in the aetiology of dental caries. **Br. J Exp Pathol**. 5:141-146.
20. Loesche, W.J. 1986. Role of *Streptococcus mutans* in human dental decay. **Microbiol Re**. 50:353-380.
21. Hamada, S., and Slade, H.D. 1980. Biology, immunology, and cariogenicity of *Streptococcus mutans*. **Microbiol Re** 44:331-384.
22. Fitzgerald, R.J., Jordan, H.V., and Stanley, H.R. 1960. Experimental caries and gingival pathologic changes in the gnotobiotic rat. **J Dent Res** 39:923-935.

23. Orland, F.J., Blayney, J.R., Harrison, R.W., Reyniers, J.A., Trexler, P.C., Ervin, R.F., Gordon, H.A., and Wagner, M. 1955. Experimental caries in germfree rats inoculated with enterococci. **J Am Dent Assoc** 50:259-272.
24. Holt, J.G., Krieg, N.R., Sneath, P.H.A., Staley, J.T., and Williams, S.T. 1994. **Bergey's manual of determinative bacteriology**. 9th ed. Baltimore, Maryland: Williams & Wilkins.
25. Russell, R.R. 2000. Pathogenesis of oral streptococci. *In* V.A. Fischetti, R.P. Novick, J.J. Ferretti, D.A. Portnoy, J.I. Rood (ed.), **Gram-positive pathogens**, pp. 272-279 Washington, D.C.: ASM Press.
26. Whiley, R.A., and Beighton, D. 1998. Current classification of the oral streptococci. **Oral Microbiol Immunol** 13:195-216.
27. Holt, J.G., Sneath, P.H.A., Mair, N.S., and Sharpe, M.E. 1986. **Bergey's Manual of Systematic Bacteriology**, volume 2. Baltimore: Williams & Wilkins.
28. Van der Mei, H.C., de Soet, J.J., de Graaff, J., Rouxhet, P.G., and Busscher, H.J. 1991. Comparison of the physicochemical surface properties of *Streptococcus rattus* with those of other mutans streptococcal species. **Caries Res** 25:415-423.
29. Maiden, M.F.J., Lai, C-H., and Tanner, A. 1992. Characteristics of oral gram-positive bacteria. *In* J. Slots, and M.A. Taubman (ed.), **Contemporary Oral Microbiology and Immunology**, p. 342-372. St Louis, MI: Mosby,.
30. Bratthall, D. 1970. Demonstration of five serological groups of streptococcal strains resembling *Streptococcus mutans*. **Odontol Revy** 21:143-152.
31. Perch, B., Kjems, E., and Ravn, T. 1974. Biochemical and serological properties of *Streptococcus mutans* from various human and animal sources. **Acta Pathol Microbiol Scand [B] Microbiol Immunol** 82:357-370.
32. Coykendall, A.L., Bratthall, D., O'Connor, K., and Dvarskas, R.A. 1976. Serological and genetic examination of some nontypical *Streptococcus mutans* strains. **Infect Immun** 1976, 14:667-670.
33. Beighton, D., Russell, R.R., and Whiley, R.A. 1991. A simple biochemical scheme for the differentiation of *Streptococcus mutans* and *Streptococcus sobrinus*. **Caries Res** 25:174-178.

34. Schleifer, K.H., Kilpper-Balz, R., Kraus, J., and Gehring, F. 1984. Relatedness and classification of *Streptococcus mutans* and "mutans-like" streptococci. **J Dent Res** 63:1047-1050.
35. Gold, O.G., Jordan, H.V., and Van Houte, J. 1973. A selective medium for *Streptococcus mutans*. **Arch Oral Biol** 18:1357-1364.
36. Van Palenstein Helderman, W.H., Ijsseldijk, M., and Huis in 't Veld, J.H. 1983. A selective medium for the two major subgroups of the bacterium *Streptococcus mutans* isolated from human dental plaque and saliva. **Arch Oral Biol** 28:599-603.
37. Tanzer, J.M., Borjesson, A.C., Laskowski, L., Kurasz, A.B., and Testa, M. 1984. Glucose-sucrose-potassium tellurite-bacitracin agar, an alternative to mitis salivarius-bacitracin agar for enumeration of *Streptococcus mutans*. **J Clin Microbiol** 20:653-659.
38. Schaecken, M.J.M., van der Hoeven, J.S., and Franken, H.C.M. 1986. Comparative recovery of *Streptococcus mutans* on five isolation media, including a new simple selective medium. **J Dent Res** 65:906-908.
39. Kimmel, L., and Tinanoff, N. 1991. A modified mitis salivarius medium for a caries diagnostic test. **Oral Microbiol Immunol** 6:275-279.
40. Little, W.A., Korts, D.C., Thomson, L.A., and Bowen, W.H. 1977. Comparative recovery of *Streptococcus mutans* on ten isolation media. **J Clin Microbiol** 5:578-583.
41. Jordan, H.V. 1986. Cultural methods for the identification and quantitation of *Streptococcus mutans* and lactobacilli in oral samples. **Oral Microbiol Immunol** 1:23-30.
42. Dasanayake, A.P., Caufield, P.W., Cutter, G.R., Roseman, J.M., and Kohler, B. 1995. Differences in the detection and enumeration of mutans streptococci due to differences in methods. **Arch Oral Biol** 40:345-351.
43. Alaluusua, S., Kleemola-Kujala, E., Gronroos, L., and Evalahti, M. 1990. Salivary caries-related tests as predictors of future caries increment in teenagers. A three-year longitudinal study. **Oral Microbiol Immunol** 5:77-81.

44. Alaluusua, S., Alaluusua, S.J., Karjalainen, J., Saarela, M., Holttinen, T., Kallio, M., Holtta, P., Torkko, H., Relander, P., and Asikainen, S. The demonstration by ribotyping of the stability of oral *Streptococcus mutans* infection over 5 to 7 years in children. **Arch Oral Biol** 39:467-471.
45. Alaluusua, S., Myllarniemi, S., and Kallio, M. 1989. *Streptococcus mutans* infection level and caries in a group of 5-year-old children. **Caries Res** 23:190-194.
46. Lindquist, B., and Emilson, C.G. Dental location of *Streptococcus mutans* and *Streptococcus sobrinus* in humans harboring both species. **Caries Res** 25:146-152.
47. Kohler, B., Andreen, I., and Jonsson, B. 1988. The earlier the colonization by *mutans* streptococci, the higher the caries prevalence at 4 years of age. **Oral Microbiol Immunol** 3:14-17.
48. Tanzer, J.M. 1995. Dental caries is a transmissible infectious disease: the Keyes and Fitzgerald revolution. **J Dent Res** 74:1536-1542.
49. Keyes, P.H. 1960. The infectious and transmissible nature of experimental dental caries. Findings and implications. **Arch Oral Biol** 1:304-320.
50. Harrington, D.J., and Russell, R.R. 1994. Identification and characterisation of two extracellular proteases of *Streptococcus mutans*. **FEMS Microbiol Lett** 121:237-241.
51. Homer, K.A., Whiley, R.A., and Beighton, D. 1990. Proteolytic activity of oral streptococci. **FEMS Microbiol Lett** 55:257-260.
52. Jackson, R.J., Lim, D.V., and Dao, M.L. 1997. Identification and analysis of a collagenolytic activity in *Streptococcus mutans*. **Curr Microbiol** 34:49-54.
53. Babu, J.P., and Dabbous, M.K. 1986. Interaction of salivary fibronectin with oral streptococci. **J Dent Res** 65:1094-1100.
54. Douglas, C.W., and Russell, R.R. 1984. The adsorption of human salivary components to strains of the bacterium *Streptococcus mutans*. **Arch Oral Biol** 29:751-757.
55. Gibbons, R.J., and Hay, D.I. 1989. Adsorbed salivary acidic proline-rich proteins contribute to the adhesion of *Streptococcus mutans* JBP to apatitic surfaces. **J Dent Res** 68:1303-1307.

56. Kishimoto, E., Hay, D.I., and Gibbons, R.J. 1989. A human salivary protein which promotes adhesion of *Streptococcus mutans* serotype c strains to hydroxyapatite. **Infect Immun** 57:3702-3707.
57. MacKay, B.J., Denepitiya, L., Iacono, V.J., Krost, S.B., and Pollock, J.J. 1984. Growth-inhibitory and bactericidal effects of human parotid salivary histidine-rich polypeptides on *Streptococcus mutans*. **Infect Immun** 44:695-701.
58. Lee, S.F., Progulske-Fox, A., Erdos, G.W., Piacentini, D.A., Ayakawa, G.Y., Crowley, P.J., and Bleiweis, A.S. 1989. Construction and characterization of isogenic mutants of *Streptococcus mutans* deficient in major surface protein antigen P1 (I/II). **Infect Immun** 57:3306-3313.
59. Russell, R.R. 1994. The application of molecular genetics to the microbiology of dental caries. **Caries Res** 28:69-82.
60. Sato, S., and Kuramitsu, H.K. 1986. Isolation and characterization of a fructosyltransferase gene from *Streptococcus mutans* GS-5. **Infect Immun** 52:166-170.
61. Fujiwara, T., Terao, Y., Hoshino, T., Kawabata, S., Ooshima, T., Sobue, S., Kimura, S., and Hamada, S. 1998. Molecular analyses of glucosyltransferase genes among strains of *Streptococcus mutans*. **FEMS Microbiol Lett** 161:331-336.
62. Colby, S.M., and Russell, R.R. 1997. Sugar metabolism by mutans streptococci. **Soc Appl Bacteriol Symp Ser** 26:80S-88S.
63. Hanada, N., Kuramitsu, H.K. 1989. Isolation and characterization of the *Streptococcus mutans gtfD* gene, coding for primer-dependent soluble glucan synthesis. **Infect Immun** 57:2079-2085.
64. Hanada, N., and Kuramitsu, H.K. 1988. Isolation and characterization of the *Streptococcus mutans gtfC* gene, coding for synthesis of both soluble and insoluble glucans. **Infect Immun** 56:1999-2005.
65. Aoki, H., Shiroza, T., Hayakawa, M., Sato, S., and Kuramitsu, H.K. 1986. Cloning of a *Streptococcus mutans* glucosyltransferase gene coding for insoluble glucan synthesis. **Infect Immun** 53:587-594.

66. McCabe, M.M. 1985. Purification and characterization of a primer-independent glucosyltransferase from *Streptococcus mutans* 6715-13 mutant 27. **Infect Immun** 50:771-777.
67. Burne, R.A. 1998. Oral streptococci... products of their environment. **J Dent Res** 77:445-452.
68. Sato, Y., Yamamoto, Y., and Kizaki, H. 1997. Cloning and sequence analysis of the *gbpC* gene encoding a novel glucan-binding protein of *Streptococcus mutans*. **Infect Immun** 65:668-675.
69. Smith, D.J., Akita, H., King, W.F., and Taubman, M.A. 1994. Purification and antigenicity of a novel glucan-binding protein of *Streptococcus mutans*. **Infect Immun** 62:2545-2552.
70. Russell, R.R., Coleman, D., and Dougan, G. 1985. Expression of a gene for glucan-binding protein from *Streptococcus mutans* in *Escherichia coli*. **J Gen Microbiol** 131:295-299.
71. Shah, D.S., and Russell, R.R. 2004. A novel glucan-binding protein with lipase activity from the oral pathogen *Streptococcus mutans*. **Microbiology** 150:1947-1956.
72. Banas, J.A., and Vickerman, M.M. 2003. Glucan-binding proteins of the oral streptococci. **Crit Rev Oral Biol Med** 14:89-99.
73. Banas, J.A., Hazlett, K.R., and Mazurkiewicz, J.E. 2001. An *in vitro* model for studying the contributions of the *Streptococcus mutans* glucan-binding protein A to biofilm structure. **Methods Enzymol** 337:425-433.
74. Hazlett, K.R., Michalek, S.M., and Banas, J.A. 1998. Inactivation of the *gbpA* gene of *Streptococcus mutans* increases virulence and promotes *in vivo* accumulation of recombinations between the glucosyltransferase B and C genes. **Infect Immun** 66:2180-2185.
75. Hazlett, K.R., Mazurkiewicz, J.E., and Banas, J.A. 1999. Inactivation of the *gbpA* gene of *Streptococcus mutans* alters structural and functional aspects of plaque biofilm which are compensated by recombination of the *gtfB* and *gtfC* genes. **Infect Immun** 67:3909-3914.

76. Matsumura, M., Izumi, T., Matsumoto, M., Tsuji, M., Fujiwara, T., and Ooshima, T. 2003. The role of glucan-binding proteins in the cariogenicity of *Streptococcus mutans*. **Microbiol Immunol** 47:213-215.
77. Ma, Y., Lassiter, M.O., Banas, J.A., Galperin, M.Y., Taylor, K.G., and Doyle, R.J. 1996. Multiple glucan-binding proteins of *Streptococcus sobrinus*. **J Bacteriol** 178:1572-1577.
78. Scannapieco, F.A. 1994. Saliva-bacterium interactions in oral microbial ecology. **Crit Rev Oral Biol Med** 5:203-248.
79. Gibbons, R.J., Cohen, L., and Hay, D.I. 1986. Strains of *Streptococcus mutans* and *Streptococcus sobrinus* attach to different pellicle receptors. **Infect Immun** 52:555-561.
80. Love, R.M., McMillan, M.D., and Jenkinson, H.F. 1997. Invasion of dentinal tubules by oral streptococci is associated with collagen recognition mediated by the antigen I/II family of polypeptides. **Infect Immun** 65:5157-5164.
81. Love, R.M., McMillan, M.D., Park, Y., and Jenkinson, H.F. 2000. Coinvasion of dentinal tubules by *Porphyromonas gingivalis* and *Streptococcus gordonii* depends upon binding specificity of streptococcal antigen I/II adhesin. **Infect Immun** 2000, 68:1359-1365.
82. Demuth, D.R., Lammey, M.S., Huck, M., Lally, E.T., and Malamud, D. 1990. Comparison of *Streptococcus mutans* and *Streptococcus sanguis* receptors for human salivary agglutinin. **Microb Pathog** 9:199-211.
83. Demuth, D.R., Davis, C.A., Corner, A.M., Lamont, R.J., Leboy, P.S., and Malamud, D. 1988. Cloning and expression of a *Streptococcus sanguis* surface antigen that interacts with a human salivary agglutinin. **Infect Immun** 56:2484-2490.
84. Lee, S.F., Progulske-Fox, A., and Bleiweis, A.S. 1988. Molecular cloning and expression of a *Streptococcus mutans* major surface protein antigen, P1 (I/II), in *Escherichia coli*. **Infect Immun** 56:2114-2119.
85. Okahashi, N., Sasakawa, C., Yoshikawa, M., Hamada, S., and Koga, T. 1989. Molecular characterization of a surface protein antigen gene from serotype c

- Streptococcus mutans*, implicated in dental caries. **Mol Microbiol** 3:673-678.
86. Sciotti, M.A., Yamodo, I., Klein, J.P., and Ogier, J.A. 1997. The N-terminal half part of the oral streptococcal antigen I/II contains two distinct binding domains. **FEMS Microbiol Lett** 153:439-445.
87. Chatenay-Rivauday, C., Yamodo, I., Sciotti, M.A., Ogier, J.A., and Klein, J.P. 1998. The A and the extended V N-terminal regions of streptococcal protein I/II mediate the production of tumour necrosis factor alpha in the monocyte cell line THP-1. **Mol Microbiol** 29:39-48.
88. Chatenay-Rivauday, C., Yamodo, I., Sciotti, M.A., Troffer-Charlier, N., Klein, J.P., and Ogier, J.A. 2000. TNF-alpha release by monocytic THP-1 cells through cross-linking of the extended V-region of the oral streptococcal protein I/II. **J Leukoc Biol**, 67:81-89.
89. Munro, G.H., Evans, P., Todryk, S., Buckett, P., Kelly, C.G., and Lehner, T. 1993. A protein fragment of streptococcal cell surface antigen I/II which prevents adhesion of *Streptococcus mutans*. **Infect Immun** 61:4590-4598.
90. Russell, R.R. 1979. Wall-associated protein antigens of *Streptococcus mutans*. **J Gen Microbiol** 114:109-115.
91. Russell, M.W. 1979. Purification and properties of a protein surface antigen of *Streptococcus mutans*. **Microbios** 25:7-18.
92. Douglas, C.W., and Russell, R.R. 1982. Effect of specific antisera on adherence properties of the oral bacterium *Streptococcus mutans*. **Arch Oral Biol** 27:1039-1045.
93. Qian, H., and Dao, M.L. 1993. Inactivation of the *Streptococcus mutans* wall-associated protein A gene (*wapA*) results in a decrease in sucrose-dependent adherence and aggregation. **Infect Immun** 61:5021-5028.
94. Zhu, L., Kreth, J., Cross, S.E., Gimzewski, J.K., Shi, W., and Qi, F. 2006. Functional characterization of cell-wall-associated protein WapA in *Streptococcus mutans*. **Microbiology** 152:2395-2404.
95. Harrington, D.J., and Russell, R.R. 1993. Multiple changes in cell wall antigens of isogenic mutants of *Streptococcus mutans*. **J Bacteriol** 175:5925-5933.

96. Jakubovics, N.S., Stromberg, N., van Dolleweerd, C.J., Kelly, C.G., and Jenkinson, H.F. 2005. Differential binding specificities of oral streptococcal antigen I/II family adhesins for human or bacterial ligands. **Mol Microbiol** 55:1591-1605.
97. Willett, N.P., White, R.R., and Rosen, S. 1991. **Essential Dental Microbiology**, International ed., East Norwalk: Appleton & Lange, Prentice-Hall International.
98. Hamilton, I.R., and Buckley, N.D. 1991. Adaptation by *Streptococcus mutans* to acid tolerance. **Oral Microbiol Immunol** 6:65-71.
99. Birkhed, D., Imfeld, T., and Edwardsson, S. 1993. pH changes in human dental plaque from lactose and milk before and after adaptation. **Caries Res** 27:43-50.
100. Bender, G.R., Sutton, S.V., and Marquis, R.E. 1986. Acid tolerance, proton permeabilities, and membrane ATPases of oral streptococci. **Infect Immun** 53:331-338.
101. Little, M.F., and Barrett, K. 1976. Trace element content of surface and subsurface enamel relative to caries prevalence of the west coast of the United States of America. **Arch Oral Biol** 21:651-657.
102. Little, M.F., and Barrett, K. 1976. Strontium and fluoride content of surface and inner enamel versus caries prevalence in the Atlantic coast of the United States of America. **Caries Res** 10:297-307.
103. Beighton, D. 1983. Manganese. In A.F. Gardner (ed.) Trace elements and dental disease, pp. 237-244. **Postgraduate dental handbook series**. Littleton, Mass: John Wright PSG.
104. Inaoka, T., Matsumura, Y., and Tsuchido, T. 1999. SodA and manganese are essential for resistance to oxidative stress in growing and sporulating cells of *Bacillus subtilis*. **J Bacteriol** 181:1939-1943.
105. Christianson, D.W. 1997. Structural chemistry and biology of manganese metalloenzymes. **Prog Biophys Mol Biol** 67:217-252.
106. Yocum, C.F., and Pecoraro, V.L. 1999. Recent advances in the understanding of the biological chemistry of manganese. **Curr Opin Chem Biol** 3:182-187.

107. Chander, M., Setlow, B., and Setlow, P. 1998. The enzymatic activity of phosphoglycerate mutase from gram-positive endospore-forming bacteria requires Mn²⁺ and is pH sensitive. **Can J Microbiol** 44:759-767.
108. Kuhn, N.J., Setlow, B., Setlow, P., Cammack, R., and Williams, R. 1995. Cooperative manganese (II) activation of 3-phosphoglycerate mutase of *Bacillus megaterium*: a biological pH-sensing mechanism in bacterial spore formation and germination. **Arch Biochem Biophys** 320:35-42.
109. Sekowska, A., Danchin, A., and Risler, J.L. 2000. Phylogeny of related functions: the case of polyamine biosynthetic enzymes. **Microbiology** 146 (Pt 8):1815-1828.
110. Barford, D. 1996. Molecular mechanisms of the protein serine/threonine phosphatases. **Trends Biochem Sci** 21:407-412.
111. Missiakas, D., and Raina, S. 1997. Signal transduction pathways in response to protein misfolding in the extracytoplasmic compartments of *E. coli*: role of two new phosphoprotein phosphatases PrpA and PrpB. **Embo J** 16:1670-1685.
112. Kang, D.H., and Fung, D.Y. 1999. Reduction of *Escherichia coli* O157:H7 by stimulated *Pediococcus acidilactici*. **Lett Appl Microbiol** 29:206-210.
113. Seib, K.L., Tseng, H.J., McEwan, A.G., Apicella, M.A., and Jennings, M.P. 2004. Defenses against oxidative stress in *Neisseria gonorrhoeae* and *Neisseria meningitidis*: distinctive systems for different lifestyles. **J Infect Dis** 190:136-147.
114. Bauer, P.D., Trapp, C., Drake, D., Taylor, K.G., and Doyle, R.J. 1993. Acquisition of manganous ions by mutans group streptococci. **J Bacteriol** 175:819-825.
115. Lu, L., Singh, J.S., Galperin, M.Y., Drake, D., Taylor, K.G., and Doyle, R.J. 1992. Chelating agents inhibit activity and prevent expression of streptococcal glucan-binding lectins. **Infect Immun** 60:3807-3813.
116. Kitten, T., Munro, C.L., Michalek, S.M., and Macrina, F.L. 2000. Genetic characterization of a *Streptococcus mutans* Lral family operon and role in virulence. **Infect Immun** 68:4441-4451.

117. Kolenbrander, P.E., Andersen, R.N., Baker, R.A., and Jenkinson, H.F. 1998. The adhesion-associated *sca* operon in *Streptococcus gordonii* encodes an inducible high-affinity ABC transporter for Mn²⁺ uptake. **J Bacteriol** 180:290-295.
118. Hantke, K. 2001. Iron and metal regulation in bacteria. **Curr Opin Microbiol** 4:172-177.
119. Rattedge, C., and Dover, L.G. 2000. Iron metabolism in pathogenic bacteria. **Annu Rev Microbiol** 54:881-941.
120. Escolar, L., Perez-Martin, J., and de Lorenzo, V. 1999. Opening the iron box: transcriptional metalloregulation by the Fur protein. **J Bacteriol** 181:6223-6229.
121. Schrum, L.W., and Hassan, H.M. 1993. Transcriptional activation of Mn-superoxide dismutase gene (*sodA*) of *Escherichia coli* by MnCl₂. **Biochim Biophys Acta** 1216:186-190.
122. Compan, I., and Touati, D. 1994. Anaerobic activation of *arcA* transcription in *Escherichia coli*: roles of Fnr and ArcA. **Mol Microbiol** 11:955-964.
123. Hamed, M.Y. 1993. Binding of the ferric uptake regulation repressor protein (Fur) to Mn(II), Fe(II), Co(II), and Cu(II) ions as co-repressors: electronic absorption, equilibrium, and 57Fe Mossbauer studies. **J Inorg Biochem** 50:193-210.
124. Neilson, K.H., and Saffarini, D. 1994. Iron and manganese in anaerobic respiration: environmental significance, physiology, and regulation. **Annu Rev Microbiol** 48:311-343.
125. Hall, H.K., and Foster, J.W. 1996. The role of fur in the acid tolerance response of *Salmonella typhimurium* is physiologically and genetically separable from its role in iron acquisition. **J Bacteriol** 178:5683-5691.
126. Kehres, D.G., Janakiraman, A., Slauch, J.M., and Maguire, M.E. 2002. Regulation of *Salmonella enterica* serovar *Typhimurium* *mntH* transcription by H₂O₂, Fe(2+), and Mn(2+). **J Bacteriol** 184:3151-3158.
127. Kehres, D.G., Maguire, M.E. 2003. Emerging themes in manganese transport, biochemistry and pathogenesis in bacteria. **FEMS Microbiol Rev** 27:263-290.

128. Patzer, S.I., and Hantke, K. 2001. Dual repression by Fe(2+)-Fur and Mn(2+)-MntR of the *mntH* gene, encoding an NRAMP-like Mn(2+) transporter in *Escherichia coli*. **J Bacteriol** 183:4806-4813.
129. Peirs, P., De Wit, L., Braibant, M., Huygen, K., and Content, J. 1997. A serine/threonine protein kinase from *Mycobacterium tuberculosis*. **Eur J Biochem** 244:604-612.
130. Chaba, R., Raju, M., and Chakraborti, P.K. 2002. Evidence that a eukaryotic-type serine/threonine protein kinase from *Mycobacterium tuberculosis* regulates morphological changes associated with cell division. **Eur J Biochem** 269:1078-1085.
131. Terleckyj, B., Willett, N.P., and Shockman, G.D. 1975. Growth of several cariogenic strains of oral streptococci in a chemically defined medium. **Infect Immun** 11:649-655.
132. Luengpailin, S. 2002. **Manganese regulation of glucan-binding protein C and growth of *Streptococcus mutans* in biofilm and planktonic conditions.** Louisville, KY: University of Louisville.
133. Terleckyj, B., and Shockman, G.D. 1975a. Amino acid requirements of *Streptococcus mutans* and other oral streptococci. **Infect Immun** 11:656-664.
134. Todryk, S.M., Kelly, C.G., Munro, G.H., and Lehner, T. 1996. Induction of immune responses to functional determinants of a cell surface streptococcal antigen. **Immunology** 87:55-63.
135. Aranha, H., Strachan, R.C., Arceneaux, J.E., and Byers, B.R. 1982. Effect of trace metals on growth of *Streptococcus mutans* in a teflon chemostat. **Infect Immun** 35:456-460.
136. Aranha, H., Evans, S.L., Arceneaux, J.E., and Byers, B.R. 1986. Calcium modulation of growth of *Streptococcus mutans*. **J Gen Microbiol** 132 (Pt 9):2661-2663.
137. Landa, A.S., Van der Mei, H.C., and Busscher, H.J. 1997. Detachment of linking film bacteria from enamel surfaces by oral rinses and penetration of sodium lauryl sulphate through an artificial oral biofilm. **Adv Dent Res** 11:528-538.

138. Russell, C., and Coulter, W.A. 1975. Continuous monitoring of pH and Eh in bacterial plaque grown on a tooth in an artificial mouth. **Appl Microbiol** 29:141-144.
139. Heydorn, A., Nielsen, A.T., Hentzer, M., Sternberg, C., Givskov, M., Ersboll, B.K., and Molin, S. 2000. Quantification of biofilm structures by the novel computer program COMSTAT. **Microbiology** 146 (Pt 10):2395-2407.
140. Bradford, M.M. 1976. A rapid and sensitive method for the quantitation of microgram quantities of protein utilizing the principle of protein-dye binding. **Anal Biochem** 72:248-254.
141. Sambrook, J., and Russell, D.W. 2001. **Molecular Cloning: A laboratory manual**, 3rd ed. New York: Cold Spring Harbor.
142. Vickerman, M.M., and Jones, G.W. 1995. Sucrose-dependent accumulation of oral streptococci and their adhesion-defective mutants on saliva-coated hydroxyapatite. **Oral Microbiol Immunol** 10:175-182.
143. Shiroza, T., and Kuramitsu, H.K. 1988. Sequence analysis of the *Streptococcus mutans* fructosyltransferase gene and flanking regions. **J Bacteriol** 170:810-816.
144. Thomas, E.L., and Pera, K.A. 1983. Oxygen metabolism of *Streptococcus mutans*: uptake of oxygen and release of superoxide and hydrogen peroxide. **J Bacteriol** 154:1236-1244.
145. Higuchi, M. 1984. The effect of oxygen on the growth and mannitol fermentation of *Streptococcus* mutants. **J Gen Microbiol** 130:1819-1826.
146. Howe, P.D., Malcolm, H.M., and Dobson, S. 2004. **Manganese and its compounds: Environmental aspects**. Geneva: United Nations Environment Programme, the International Labour Organization, and the World Health Organization,
147. Pugh, S.Y., DiGuseppi, J.L., and Fridovich, I. 1984. Induction of superoxide dismutases in *Escherichia coli* by manganese and iron. **J Bacteriol** 160:137-142.
148. Hao, Z., Chen, S., and Wilson, D.B. 1999. Cloning, expression, and characterization of cadmium and manganese uptake genes from *Lactobacillus plantarum*. **Appl Environ Microbiol** 65:4746-4752.

149. Su, T., Suzui, M., Wang, L., Lin, C.S., Xing, W.Q., and Weinstein, I.B. 2003. Deletion of histidine triad nucleotide-binding protein 1/PKC-interacting protein in mice enhances cell growth and carcinogenesis. **Proc Natl Acad Sci U S A** 100:7824-7829.
150. Lima, C.D., Klein, M.G., and Hendrickson, W.A. 1997. Structure-based analysis of catalysis and substrate definition in the HIT protein family. **Science**, 278:286-290.
151. Kehres, D.G., Janakiraman, A., Slauch, J.M., and Maguire, M.E. 2002. SitABCD is the alkaline Mn(2+) transporter of *Salmonella enterica serovar Typhimurium*. **J Bacteriol** 184:3159-3166.
152. Jenkinson, H.F. 1994. Cell surface protein receptors in oral streptococci. **FEMS Microbiol Lett** 121:133-140.
153. Costerton, J.W., Lewandowski, Z., Caldwell, D.E., Korber, D.R., and Lappin-Scott H.M. 1995. Microbial biofilms. **Annu Rev Microbiol** 49:711-745.
154. Davies, D.G., Parsek, M.R., Pearson, J.P., Iglewski, B.H., Costerton, J.W., and Greenberg, E.P. 1998. The involvement of cell-to-cell signals in the development of a bacterial biofilm. **Science** 280:295-298.
155. Kleerebezem, M., Quadri, L.E., Kuipers, O.P., and de Vos, W.M. 1997. Quorum sensing by peptide pheromones and two-component signal-transduction systems in Gram-positive bacteria. **Mol Microbiol** 24:895-904.
156. Cvitkovitch, D.G., Li, Y.H., and Ellen, R.P. 2003. Quorum sensing and biofilm formation in Streptococcal infections. **J Clin Invest** 112:1626-1632.
157. Merritt, J., Qi, F., Goodman, S.D., Anderson, M.H., and Shi, W. 2003. Mutation of *luxS* affects biofilm formation in *Streptococcus mutans*. **Infect Immun** 71:1972-1979.
158. Surette, M.G., and Bassler, B.L. 1998. Quorum sensing in *Escherichia coli* and *Salmonella typhimurium*. **Proc Natl Acad Sci U S A** 95:7046-7050.
159. Hilgers, M.T., and Ludwig, M.L. 2001. Crystal structure of the quorum-sensing protein LuxS reveals a catalytic metal site. **Proc Natl Acad Sci U S A** 98:11169-11174.

160. Yoshida, A., Ansai, T., Takehara, T., and Kuramitsu, H.K. 2005. LuxS-based signaling affects *Streptococcus mutans* biofilm formation. **Appl Environ Microbiol** 71:2372-2380.
161. Vickerman, M.M., Sulavik, M.C., and Clewell, D.B. 1995. Oral streptococci with genetic determinants similar to the glucosyltransferase regulatory gene, *rgg*. **Infect Immun** 63:4524-4527.
162. Ajdic, D., McShan, W.M., McLaughlin, R.E., Savic, G., Chang, J., Carson, M.B., Primeaux, C., Tian, R., Kenton, S., Jia, H., Lin, S., Qian, Y., Li, S., Zhu, H., Najar, F., Lai, H., White, J., Roe, B.A., and Ferretti, J.J. 2002. Genome sequence of *Streptococcus mutans* UA159, a cariogenic dental pathogen. **Proc Natl Acad Sci U S A** 99:14434-14439.

APPENDIX

Microarray results

all genes

S mutans expt experimental

control

Treatment type (*) Mn

Mn-deprived

Systematic	Normalized	inverse of B	Min Normalized	Max Normalized	StdErr Norm	StdDev Norm	t-test P-value	Normalized	Min Normalized	Max Normalized	StdErr Norm	StdDev Norm	t-test P-value
SMU_202c_at	8.21		4.69	11.83	1.70	2.95	4.72E-04	1.50	0.99	3.40	0.50	0.87	0.26581755
SMU_194c_at	7.73		3.82	13.13	2.12	3.67	0.001414754	1.39	0.83	3.23	0.49	0.85	0.37031123
SMU_205c_at	7.09		4.07	10.92	1.51	2.62	6.91E-04	1.49	0.93	3.57	0.54	0.93	0.2921804
SMU_204c_at	7.02		4.33	11.24	1.41	2.44	5.65E-04	1.38	0.79	3.32	0.51	0.89	0.40130547
SMU_195c_at	6.43		3.23	11.19	1.75	3.04	0.001988439	1.40	0.97	2.86	0.41	0.72	0.2885456
SMU_199c_at	6.35		3.65	10.53	1.44	2.49	0.001057279	1.21	0.64	2.75	0.45	0.77	0.6050678
SMU_200c_at	6.27		3.64	8.58	1.25	2.16	6.87E-04	1.27	0.80	2.58	0.39	0.67	0.4480536
SMU_210c_at	5.78		3.49	7.99	1.07	1.86	6.38E-04	1.37	0.81	3.15	0.48	0.83	0.39239973
SMU_207c_at	4.84		2.85	6.42	0.94	1.62	0.001120955	1.19	0.71	2.36	0.37	0.63	0.5864533
SMU_206c_at	4.76		2.78	6.68	0.95	1.64	0.001292463	1.21	0.72	2.45	0.38	0.66	0.55540323
SMU_211c_at	4.53		2.89	7.28	0.89	1.54	0.001359793	1.20	0.71	2.43	0.38	0.65	0.5636938
SMU_196c_at	4.49		2.50	7.26	1.04	1.80	0.002515996	1.09	0.74	1.75	0.26	0.44	0.71447194
SMU_212c_at	4.49		2.82	7.90	1.00	1.73	0.002198226	1.25	0.87	2.25	0.32	0.55	0.41461048
SMU_193c_at	4.25		2.23	5.98	1.01	1.76	0.003232084	1.00	0.54	1.83	0.32	0.55	0.99917585
SMU_1395c_at	4.25		2.08	6.29	1.14	1.97	0.004761939	0.92	0.32	2.40	0.51	0.89	0.8646786
SMU_525_at	4.16		2.68	7.28	0.90	1.56	0.002468417	1.06	0.88	1.33	0.17	0.30	0.7525023
SMU_197c_at	4.05		2.18	6.89	1.01	1.74	0.004217508	0.88	0.48	1.43	0.27	0.47	0.69181204
SMU_524_at	4.01		2.83	6.17	0.67	1.16	0.001052617	0.99	0.92	1.06	0.14	0.25	0.946857
SMU_1987c_at	3.90		3.45	4.40	0.21	0.37	1.59E-05	1.24	0.96	2.01	0.27	0.46	0.3522847
SMU_1343c_at	3.66		2.91	4.35	0.33	0.56	1.24E-04	1.39	0.97	2.77	0.40	0.69	0.29124856
SMU_213c_at	3.64		2.41	5.96	0.71	1.23	0.002424393	1.27	0.88	2.30	0.33	0.57	0.38965338
SMU_437c_s_at	3.54		2.87	4.16	0.29	0.51	1.03E-04	0.93	0.81	1.00	0.15	0.26	0.677104
SMU_216c_at	3.52		2.40	6.26	0.76	1.32	0.003855507	1.23	0.74	2.53	0.39	0.67	0.5117304
SMU_1342c_at	3.50		2.79	4.09	0.30	0.52	1.27E-04	1.27	0.82	2.51	0.37	0.64	0.42767954
SMU_215c_at	3.47		2.33	5.10	0.58	1.00	0.001566801	1.28	0.96	2.18	0.30	0.52	0.331616
SMU_1117c_at	3.10		2.43	3.93	0.32	0.56	3.96E-04	0.81	0.50	1.07	0.21	0.37	0.45320642
SMU_1167c_at	2.96		2.03	4.36	0.48	0.84	0.00247593	1.06	0.79	1.51	0.21	0.36	0.7786527

SMU_2005c_at	2.92		2.87	2.95	0.09	0.16	4.59E-06	1.10	0.46	2.85	0.52	0.90	0.83705294
SMU_1286c_at	2.77		2.30	3.13	0.21	0.36	1.64E-04	1.20	0.87	1.99	0.28	0.48	0.44984215
SMU_1590c_at	2.75		2.23	4.11	0.41	0.71	0.002286211	0.90	0.70	1.04	0.17	0.29	0.5847966
SMU_21_at	2.74		2.40	3.48	0.25	0.43	3.75E-04	1.27	0.79	2.59	0.39	0.68	0.45127556
SMU_20_at	2.74		2.39	3.07	0.17	0.30	8.51E-05	1.21	0.78	2.28	0.34	0.59	0.50286674
SMU_1913c_at	2.73		2.55	2.94	0.12	0.21	2.25E-05	1.01	0.62	1.67	0.27	0.47	0.9604345
SMU_214c_at	2.66		1.96	3.97	0.41	0.71	0.00299436	1.14	0.84	1.78	0.24	0.42	0.5587967
SMU_tRNA51_at	2.66		1.86	3.19	0.35	0.61	0.001736171	0.97	0.74	1.22	0.18	0.31	0.8569406
SMU_545_at	2.66		2.29	3.23	0.22	0.37	2.65E-04	0.96	0.58	1.54	0.26	0.45	0.8914686
SMU_tRNA12_at	2.63		1.94	3.44	0.33	0.57	0.001419847	1.35	0.88	2.76	0.41	0.70	0.35213047
SMU_725c_at	2.60		1.94	3.46	0.33	0.56	0.001544348	1.29	0.93	2.32	0.33	0.56	0.34683782
SMU_1284c_at	2.59		2.11	3.05	0.22	0.39	3.69E-04	1.17	0.76	2.13	0.32	0.55	0.5670236
SMU_1552c_at	2.53		2.34	2.75	0.12	0.21	4.52E-05	1.09	0.76	1.70	0.24	0.42	0.71365607
SMU_1985c_at	2.51		1.92	2.91	0.26	0.44	8.20E-04	1.09	0.96	1.36	0.17	0.29	0.5908672
SMU_2141c_at	2.49		1.94	3.24	0.28	0.49	0.001226065	1.00	0.59	1.68	0.28	0.48	0.99642247
SMU_2076c_at	2.44		2.28	2.78	0.15	0.25	1.17E-04	1.14	0.89	1.65	0.22	0.37	0.52951765
SMU_1554c_at	2.44		2.19	2.62	0.13	0.23	7.66E-05	1.04	0.76	1.50	0.21	0.37	0.84086275
SMU_680_at	2.42		1.97	2.91	0.22	0.38	5.78E-04	1.15	0.73	2.09	0.32	0.55	0.61710316
SMU_1337c_at	2.37		1.85	3.01	0.26	0.44	0.001282343	1.13	0.81	1.76	0.25	0.43	0.60554224
SMU_102_at	2.33		2.11	2.60	0.14	0.24	1.30E-04	1.46	0.82	3.78	0.58	1.01	0.35584363
SMU_1553c_at	2.32		1.98	3.06	0.25	0.43	0.001374152	1.08	0.92	1.36	0.17	0.30	0.65493935
SMU_1341c_at	2.31		1.81	3.24	0.31	0.53	0.003000448	0.89	0.50	1.43	0.27	0.46	0.70979387
SMU_1237c_at	2.31		2.08	2.58	0.14	0.24	1.45E-04	1.12	0.83	1.71	0.23	0.40	0.59383285
SMU_1344c_at	2.30		1.82	2.71	0.22	0.38	9.29E-04	1.09	0.76	1.73	0.25	0.43	0.7009036
SMU_679_at	2.27		1.62	2.85	0.30	0.51	0.003067323	1.11	0.73	1.85	0.27	0.47	0.6934271
SMU_1912c_at	2.25		2.09	2.39	0.11	0.19	7.77E-05	0.96	0.61	1.46	0.24	0.41	0.88186115
SMU_1340c_at	2.21		1.76	2.82	0.24	0.41	0.001675617	1.00	0.67	1.49	0.23	0.40	0.9940503
SMU_238c_at	2.20		1.77	2.69	0.21	0.37	0.001178254	1.10	0.88	1.51	0.20	0.34	0.61813724
SMU_tRNA5_s_at	2.18		1.60	2.60	0.26	0.45	0.002677081	1.00	0.46	2.15	0.40	0.69	0.9978739
SMU_638_at	2.18		1.68	2.71	0.24	0.41	0.00200275	1.00	0.84	1.19	0.16	0.28	0.99619895
SMU_1055c_at	2.17		1.74	2.46	0.19	0.34	9.74E-04	1.24	0.79	2.39	0.36	0.62	0.4811261
SMU_2000c_at	2.16		1.89	2.45	0.15	0.26	3.55E-04	1.03	0.55	1.97	0.34	0.59	0.93321395
SMU_tRNA54_s_at	2.16		1.57	2.54	0.26	0.46	0.003163905	1.00	0.46	2.18	0.41	0.70	0.99947256
SMU_625_at	2.15		1.93	2.62	0.18	0.31	7.56E-04	1.13	0.88	1.63	0.21	0.37	0.5531511

SMU_803c_at	2.15		1.55	2.76	0.28	0.48	0.004036797	1.27	0.87	2.37	0.34	0.59	0.39337626
SMU_1056_at	2.14		1.97	2.52	0.16	0.27	4.77E-04	1.23	0.94	1.96	0.26	0.45	0.37901697
SMU_1551c_at	2.13		1.76	2.96	0.27	0.47	0.003837586	1.08	0.90	1.38	0.18	0.30	0.66913694
SMU_451_at	2.12		2.00	2.29	0.11	0.19	1.29E-04	0.93	0.55	1.49	0.26	0.45	0.8123486
SMU_541_at	2.12		2.01	2.26	0.10	0.18	1.06E-04	1.04	0.94	1.21	0.15	0.26	0.7831377
SMU_1116c_at	2.11		1.70	2.56	0.20	0.35	0.001417183	0.99	0.69	1.41	0.21	0.37	0.9562465
SMU_1914c_at	2.11		1.77	2.61	0.20	0.34	0.001257329	1.09	0.94	1.37	0.17	0.29	0.6169903
SMU_1915_at	2.10		1.76	2.85	0.25	0.43	0.003120011	1.17	0.93	1.74	0.23	0.39	0.44406816
SMU_1816c_at	2.10		1.53	2.89	0.29	0.51	0.005725835	1.07	0.90	1.35	0.17	0.30	0.7041809
SMU_1345c_at	2.10		1.66	2.52	0.21	0.36	0.001653167	1.13	0.84	1.72	0.24	0.41	0.5749269
SMU_2043c_at	2.08		1.59	2.73	0.25	0.44	0.003552744	1.07	0.99	1.24	0.15	0.26	0.6432194
SMU_678_at	2.08		1.36	3.10	0.37	0.64	0.013680855	1.05	0.80	1.44	0.20	0.34	0.8210628
SMU_tRNA46_s_at	2.06		1.52	2.40	0.24	0.42	0.003532357	0.96	0.43	2.07	0.40	0.69	0.9178797
SMU_677_at	2.05		1.70	2.54	0.19	0.34	0.001591394	1.02	0.79	1.36	0.19	0.32	0.9037463
SMU_1463c_at	2.05		1.63	2.45	0.20	0.34	0.001694295	1.16	0.92	1.69	0.22	0.38	0.4760958
SMU_1302c_at	2.04		1.61	2.79	0.26	0.44	0.004485944	1.60	0.96	4.27	0.65	1.13	0.26722336
SMU_644_at	2.03		1.37	3.12	0.36	0.63	0.015642397	0.89	0.54	1.29	0.23	0.40	0.65632594
SMU_100_at	2.02		1.72	2.46	0.18	0.31	0.001291725	1.56	0.95	4.02	0.61	1.06	0.27705428
SMU_264_at	2.01		1.44	3.27	0.38	0.65	0.018836202	1.06	0.95	1.24	0.15	0.27	0.71642506
SMU_457_at	2.01		1.80	2.22	0.13	0.22	3.72E-04	1.16	1.00	1.54	0.19	0.33	0.42010236
SMU_76_at	2.00		1.74	2.40	0.16	0.28	0.001024439	0.91	0.60	1.27	0.21	0.37	0.709404
SMU_632_at	1.99		1.76	2.36	0.15	0.27	8.89E-04	1.05	0.97	1.20	0.15	0.26	0.7312249
SMU_639_at	1.99		1.65	2.26	0.16	0.28	0.001101357	0.97	0.75	1.22	0.18	0.31	0.8806377
SMU_1236c_at	1.98		1.52	2.88	0.29	0.50	0.009087333	1.02	0.86	1.24	0.16	0.28	0.8939961
SMU_tRNA41_s_at	1.98		1.67	2.51	0.20	0.34	0.002265934	1.17	0.89	1.81	0.24	0.42	0.4677233
SMU_252_at	1.97		1.70	2.52	0.20	0.34	0.002364361	1.06	0.99	1.21	0.15	0.26	0.68462825
SMU_1166c_at	1.97		1.35	2.83	0.32	0.55	0.01298694	0.98	0.69	1.34	0.20	0.35	0.90852296
SMU_262_at	1.95		1.27	3.39	0.43	0.74	0.035064537	0.95	0.79	1.09	0.16	0.27	0.7765626
SMU_346_at	1.93		1.50	2.49	0.22	0.38	0.004361963	1.07	0.90	1.38	0.18	0.30	0.6786725
SMU_1336c_at	1.93		1.53	2.35	0.19	0.34	0.002831438	1.00	0.72	1.38	0.20	0.35	0.9993083
SMU_956c_at	1.93		1.67	2.36	0.17	0.29	0.001713317	1.06	0.92	1.30	0.16	0.28	0.70370674
SMU_1338c_at	1.92		1.57	2.18	0.17	0.29	0.001671976	0.92	0.62	1.27	0.21	0.36	0.7360254
SMU_1464c_at	1.92		1.43	2.50	0.24	0.42	0.006334054	1.06	0.89	1.35	0.17	0.30	0.71522534
SMU_1339c_at	1.92		1.51	2.29	0.19	0.33	0.002831179	0.95	0.62	1.35	0.22	0.38	0.81442297

SMU_641_at	1.92		1.42	2.48	0.24	0.42	0.00649324	1.00	0.73	1.36	0.20	0.34	0.9847785
SMU_1523c_at	1.91		1.38	2.72	0.29	0.50	0.011806513	0.98	0.80	1.19	0.17	0.29	0.9246566
SMU_265_at	1.91		1.23	3.32	0.42	0.73	0.039206877	0.98	0.80	1.18	0.16	0.28	0.9218033
SMU_681_at	1.88		1.49	2.51	0.23	0.39	0.00628735	1.15	0.96	1.59	0.20	0.35	0.45153674
SMU_1346c_at	1.87		1.49	2.42	0.21	0.37	0.005046561	1.04	0.74	1.49	0.22	0.37	0.8711825
SMU_tRNA10_s_at	1.86		1.53	2.32	0.19	0.32	0.003267532	1.11	0.83	1.67	0.23	0.39	0.61281145
SMU_1397c_at	1.84		1.73	1.92	0.10	0.17	3.53E-04	1.26	0.71	2.79	0.44	0.76	0.5138937
SMU_104_at	1.84		1.73	1.96	0.10	0.18	4.07E-04	1.18	0.56	2.91	0.49	0.85	0.683929
SMU_1815c_at	1.84		1.54	2.07	0.15	0.26	0.001689094	1.12	0.90	1.55	0.20	0.35	0.5579058
SMU_1079c_at	1.83		1.43	2.24	0.20	0.34	0.004634557	1.17	0.99	1.63	0.20	0.35	0.40681538
SMU_1425c_at	1.83		1.18	3.44	0.45	0.78	0.06291572	1.01	0.59	1.75	0.29	0.51	0.9669095
SMU_1131c_at	1.80		1.18	3.68	0.50	0.86	0.08693616	1.29	0.48	4.50	0.78	1.36	0.63449943
SMU_668c_at	1.80		1.34	2.37	0.23	0.40	0.010264942	1.24	1.00	1.91	0.25	0.43	0.33042452
SMU_1550c_at	1.78		1.54	2.01	0.14	0.24	0.001593131	1.07	0.86	1.43	0.19	0.32	0.71827716
SMU_1702c_at	1.78		1.29	2.23	0.23	0.40	0.011001245	1.02	0.87	1.21	0.16	0.27	0.9152932
SMU_263_at	1.77		1.14	2.90	0.36	0.63	0.046410456	0.99	0.89	1.11	0.15	0.26	0.9699124
SMU_1818c_at	1.76		1.24	3.04	0.37	0.64	0.049808525	1.03	0.97	1.11	0.14	0.25	0.86241186
SMU_1910c_at	1.76		1.67	1.93	0.11	0.19	7.85E-04	0.95	0.60	1.41	0.23	0.41	0.82493746
SMU_737_at	1.75		1.49	2.27	0.19	0.33	0.006200883	1.02	0.84	1.26	0.17	0.29	0.91492265
SMU_631_at	1.75		1.54	2.08	0.14	0.25	0.00242348	0.97	0.85	1.06	0.15	0.26	0.8272624
SMU_905_at	1.74		1.27	2.16	0.22	0.39	0.012148685	1.06	0.77	1.56	0.22	0.38	0.7697297
SMU_tRNA9_s_at	1.74		1.37	2.00	0.17	0.30	0.005093582	1.28	0.99	2.12	0.28	0.49	0.3130365
SMU_836_at	1.72		1.38	2.51	0.25	0.44	0.019722467	1.02	0.89	1.19	0.16	0.27	0.90619224
SMU_1396c_at	1.72		1.17	2.65	0.31	0.54	0.037809458	0.91	0.42	1.78	0.35	0.61	0.79906136
SMU_16_at	1.72		1.46	2.01	0.15	0.25	0.002984475	0.95	0.79	1.09	0.16	0.27	0.7743543
SMU_1984c_at	1.72		1.25	2.05	0.22	0.37	0.012269392	1.07	0.96	1.28	0.16	0.27	0.66057706
SMU_1359_at	1.71		1.19	2.57	0.29	0.51	0.03313145	0.96	0.77	1.15	0.17	0.29	0.8118739
SMU_1163c_at	1.71		1.53	1.85	0.11	0.20	0.001309211	1.20	0.80	2.16	0.31	0.54	0.50663215
SMU_1078c_at	1.71		1.39	2.04	0.17	0.29	0.005056066	1.09	0.79	1.65	0.23	0.40	0.6910602
SMU_1334c_at	1.70		1.27	2.18	0.21	0.37	0.012973299	0.97	0.75	1.22	0.18	0.31	0.8769657
SMU_1547c_at	1.70		1.23	2.44	0.26	0.45	0.024576748	0.93	0.72	1.11	0.17	0.29	0.68762606
SMU_642_at	1.69		1.49	1.83	0.12	0.21	0.001758459	0.89	0.47	1.48	0.29	0.49	0.7089497
SMU_626_at	1.69		1.15	2.19	0.26	0.45	0.025315385	1.19	0.91	1.86	0.25	0.43	0.43436876
SMU_1243_at	1.69		1.16	2.28	0.26	0.45	0.02600784	0.91	0.60	1.25	0.21	0.37	0.68633425

SMU_78_at	1.69		1.25	2.74	0.32	0.55	0.044784553	1.00	0.92	1.10	0.14	0.25	0.97419
SMU_75_at	1.69		1.40	2.08	0.17	0.29	0.005819418	1.00	1.00	1.00	0.14	0.24	0.993503
SMU_666_at	1.68		0.99	3.56	0.50	0.87	0.14125267	0.87	0.65	1.02	0.17	0.30	0.51060605
SMU_1007_at	1.67		1.59	1.83	0.11	0.18	0.001190106	1.20	0.99	1.72	0.22	0.38	0.37175027
SMU_1814c_at	1.67		1.39	1.93	0.15	0.26	0.004295182	1.08	0.98	1.30	0.16	0.28	0.61117196
SMU_1703c_at	1.67		1.19	2.00	0.23	0.39	0.017974587	1.01	0.84	1.22	0.16	0.28	0.9599075
SMU_1164c_at	1.67		1.45	1.80	0.13	0.22	0.002369381	1.15	0.81	1.89	0.27	0.46	0.5554458
SMU_1093_at	1.67		0.74	4.13	0.67	1.16	0.2289456	1.75	0.98	5.49	0.84	1.46	0.2511093
SMU_1094_at	1.67		0.90	3.52	0.52	0.90	0.15459144	1.59	0.79	5.16	0.81	1.40	0.3464424
SMU_2044c_at	1.66		1.33	2.14	0.19	0.33	0.010736117	0.91	0.76	1.00	0.15	0.27	0.6169084
SMU_1715c_at	1.66		1.32	1.94	0.17	0.29	0.007205771	0.87	0.53	1.25	0.23	0.40	0.6138696
SMU_1462c_at	1.65		1.19	2.26	0.24	0.42	0.025332516	1.03	0.76	1.43	0.20	0.35	0.89159364
SMU_1610c_at	1.65		1.55	1.80	0.11	0.18	0.001418083	1.08	0.87	1.47	0.19	0.33	0.6624264
SMU_103_at	1.64		1.38	1.92	0.14	0.25	0.004867334	1.26	0.62	3.25	0.54	0.93	0.57481724
SMU_tRNA43_s_at	1.64		1.25	1.95	0.19	0.32	0.011641261	1.22	0.82	2.24	0.33	0.56	0.47076976
SMU_1010c_at	1.64		1.32	2.10	0.18	0.32	0.011358636	1.01	0.80	1.30	0.18	0.31	0.95133233
SMU_1983c_at	1.64		1.22	2.05	0.21	0.36	0.016783347	1.01	0.90	1.14	0.15	0.26	0.96585906
SMU_348_at	1.63		1.30	2.08	0.19	0.32	0.011988964	1.01	0.66	1.55	0.24	0.42	0.972841
SMU_1548c_at	1.63		1.33	2.10	0.18	0.32	0.011396993	0.85	0.58	1.05	0.19	0.33	0.49174377
SMU_1299c_at	1.63		1.29	2.44	0.26	0.45	0.034870643	1.43	0.91	3.22	0.48	0.83	0.3139464
SMU_667c_at	1.62		1.12	2.52	0.30	0.52	0.053592276	1.15	0.94	1.60	0.20	0.35	0.475187
SMU_1301c_at	1.62		1.36	2.10	0.18	0.31	0.011631838	1.38	0.90	2.89	0.43	0.74	0.33332863
SMU_54_at	1.62		1.35	2.14	0.19	0.33	0.013808351	1.13	0.96	1.50	0.19	0.32	0.48786938
SMU_tRNA8_s_at	1.62		1.23	1.90	0.19	0.32	0.01295591	1.21	0.79	2.23	0.33	0.57	0.5094869
SMU_1993c_at	1.62		1.23	2.31	0.24	0.41	0.02918122	0.82	0.15	3.53	0.92	1.59	0.7913373
SMU_1235_at	1.62		0.96	2.52	0.35	0.60	0.08208302	1.23	0.62	3.01	0.49	0.86	0.59307
SMU_55_at	1.62		1.45	1.82	0.12	0.20	0.002686442	1.13	0.93	1.54	0.19	0.34	0.5150072
SMU_101_at	1.62		1.60	1.64	0.09	0.16	0.00104706	1.30	0.73	2.98	0.46	0.80	0.47264487
SMU_217c_at	1.61		1.07	2.39	0.29	0.50	0.05297443	0.96	0.83	1.07	0.15	0.26	0.8035399
SMU_704c_at	1.61		1.28	1.91	0.17	0.29	0.009433248	1.15	0.88	1.71	0.23	0.39	0.51335675
SMU_2002c_at	1.61		1.34	1.84	0.14	0.25	0.005740121	1.06	0.82	1.44	0.20	0.34	0.7809937
SMU_71_at	1.60		1.22	2.12	0.21	0.36	0.02103709	1.01	0.93	1.10	0.14	0.25	0.96630096
SMU_1591c_at	1.60		1.46	1.89	0.13	0.23	0.004833651	1.06	0.94	1.28	0.16	0.28	0.69671595
SMU_1692c_at	1.60		1.47	1.76	0.11	0.19	0.002326067	1.05	0.83	1.42	0.19	0.33	0.78133124

SMU_636_at	1.59		1.44	1.73	0.11	0.19	0.002458145	1.03	0.92	1.19	0.15	0.26	0.8576915
SMU_1111c_at	1.59		1.47	1.83	0.12	0.21	0.00346388	1.21	0.85	2.08	0.29	0.51	0.4582213
SMU_1611c_at	1.59		1.20	2.05	0.20	0.35	0.020376142	1.00	0.91	1.10	0.15	0.25	0.99745274
SMU_144c_at	1.59		1.45	1.74	0.11	0.19	0.002587056	1.21	0.98	1.80	0.23	0.40	0.37058172
SMU_261c_at	1.58		1.17	2.08	0.21	0.37	0.02555626	0.97	0.68	1.32	0.20	0.35	0.8729344
SMU_1909c_at	1.58		1.34	1.75	0.13	0.23	0.005350512	1.01	0.82	1.27	0.17	0.30	0.94514567
SMU_1817c_at	1.58		1.15	2.63	0.31	0.54	0.07561188	1.04	0.97	1.17	0.15	0.26	0.7677332
SMU_1982c_at	1.58		1.09	2.02	0.23	0.40	0.03523001	1.08	1.00	1.26	0.15	0.27	0.61860967
SMU_2028c_at	1.58		1.31	1.75	0.14	0.24	0.006709352	1.15	0.95	1.62	0.21	0.36	0.4545294
SMU_1013c_at	1.57		1.13	2.29	0.25	0.44	0.045564465	1.14	0.87	1.70	0.23	0.39	0.5359092
SMU_797_at	1.57		1.31	1.76	0.14	0.24	0.006884559	1.21	0.99	1.76	0.22	0.39	0.35955107
SMU_1392c_at	1.57		1.45	1.68	0.10	0.18	0.002346333	0.99	0.68	1.42	0.22	0.38	0.9545818
SMU_543_at	1.56		1.25	2.09	0.20	0.34	0.022372335	1.05	0.77	1.50	0.21	0.37	0.8079166
SMU_435_at	1.56		1.12	2.08	0.22	0.39	0.034475848	1.11	0.94	1.45	0.18	0.31	0.56490076
SMU_2003c_at	1.56		1.43	1.64	0.10	0.18	0.002549766	1.05	0.80	1.44	0.20	0.34	0.8080675
SMU_1169c_at	1.56		1.23	1.86	0.17	0.29	0.013952093	1.01	0.94	1.12	0.15	0.25	0.9231466
SMU_1300c_at	1.55		1.29	2.13	0.20	0.35	0.025982639	1.42	0.95	3.06	0.45	0.78	0.2967616
SMU_870_at	1.55		1.29	2.05	0.18	0.32	0.020322734	1.09	0.90	1.45	0.19	0.32	0.62077737
SMU_1170c_at	1.54		1.16	1.81	0.18	0.32	0.0214054	1.01	0.96	1.09	0.14	0.25	0.9201223
SMU_1310_at	1.54		1.42	1.79	0.12	0.22	0.005948864	0.96	0.51	1.72	0.31	0.54	0.8904255
SMU_52_at	1.54		1.42	1.60	0.10	0.17	0.002746153	1.10	0.92	1.43	0.18	0.31	0.596985
SMU_881_at	1.53		1.33	1.67	0.12	0.21	0.005298549	1.16	0.76	2.06	0.30	0.53	0.5771141
SMU_350_at	1.53		0.94	2.53	0.34	0.59	0.117682636	0.88	0.45	1.52	0.30	0.52	0.7076607
SMU_1908c_at	1.53		1.38	1.73	0.12	0.20	0.004912957	1.03	0.79	1.36	0.19	0.32	0.8961614
SMU_28_at	1.53		1.35	1.93	0.16	0.27	0.013948579	1.11	0.93	1.49	0.19	0.32	0.5457859
SMU_882_at	1.53		1.29	1.67	0.13	0.22	0.007350268	1.11	0.68	2.02	0.31	0.54	0.7114876
SMU_959c_at	1.53		1.14	2.63	0.32	0.55	0.1054775	1.28	0.94	2.22	0.31	0.53	0.34688035
SMU_1139c_at	1.52		1.19	1.91	0.18	0.31	0.021647077	1.00	0.79	1.27	0.18	0.30	0.9971629
SMU_458_at	1.52		1.20	1.96	0.18	0.31	0.024536699	1.30	0.95	2.31	0.32	0.56	0.332904
SMU_1765c_at	1.52		1.36	1.65	0.11	0.19	0.004541464	0.97	0.68	1.34	0.20	0.36	0.8891786
SMU_1717c_at	1.52		1.23	1.78	0.15	0.26	0.013305757	0.98	0.84	1.11	0.15	0.26	0.8776481
SMU_735_at	1.51		1.28	1.80	0.14	0.24	0.010772663	0.98	0.80	1.17	0.16	0.28	0.90027416
SMU_53_at	1.51		1.28	1.95	0.17	0.29	0.021300964	1.05	0.90	1.28	0.16	0.28	0.7751335
SMU_665_at	1.51		1.05	2.27	0.26	0.46	0.07594768	1.01	0.79	1.28	0.18	0.31	0.9772603

SMU_tRNA2_s_at	1.50		1.38	1.63	0.10	0.18	0.004216127	1.07	0.72	1.69	0.25	0.44	0.7884178
SMU_1335c_at	1.50		1.19	1.73	0.16	0.27	0.016631475	0.92	0.71	1.10	0.17	0.29	0.66941375
SMU_362_at	1.50		1.29	1.93	0.17	0.29	0.02054957	0.94	0.66	1.25	0.20	0.34	0.7683765
SMU_914c_at	1.50		1.27	2.01	0.18	0.32	0.029278737	1.17	0.67	2.39	0.38	0.65	0.63121486
SMU_1393c_at	1.49		1.19	1.74	0.15	0.27	0.018169489	1.08	0.99	1.27	0.15	0.27	0.6210599
SMU_1168_at	1.48		1.27	1.76	0.14	0.24	0.012698421	1.10	0.86	1.53	0.20	0.35	0.63871074
SMU_643_at	1.48		1.24	1.65	0.13	0.23	0.011220687	0.99	0.74	1.31	0.19	0.33	0.9509788
SMU_906_at	1.48		1.13	1.77	0.17	0.30	0.027742155	0.95	0.63	1.37	0.22	0.38	0.8300823
SMU_871_at	1.48		1.09	2.04	0.22	0.37	0.05344352	1.19	0.97	1.74	0.22	0.39	0.3964858
SMU_1160c_at	1.47		1.33	1.61	0.11	0.19	0.006374646	1.04	0.86	1.31	0.17	0.30	0.8095348
SMU_2003a_at	1.47		1.43	1.54	0.09	0.16	0.003744135	1.03	0.74	1.50	0.22	0.37	0.8733612
SMU_542_at	1.47		1.34	1.68	0.12	0.20	0.008083371	1.00	0.87	1.14	0.15	0.26	0.99105936
SMU_834_at	1.47		1.28	1.73	0.13	0.23	0.012177561	1.06	0.93	1.29	0.16	0.28	0.7115684
SMU_1734c_at	1.47		1.38	1.63	0.11	0.18	0.006162077	1.10	0.98	1.38	0.17	0.29	0.545363
SMU_296_at	1.46		1.08	1.99	0.21	0.37	0.05473965	1.06	0.89	1.36	0.17	0.30	0.71428776
SMU_1707c_at	1.46		1.15	1.95	0.19	0.32	0.041380916	1.00	0.86	1.17	0.16	0.27	0.9793849
SMU_1904c_at	1.45		1.11	1.91	0.19	0.32	0.04239708	1.01	0.80	1.29	0.18	0.31	0.95600426
SMU_tRNA37_at	1.45		1.21	1.67	0.14	0.24	0.016653152	1.33	0.93	2.50	0.36	0.62	0.33095542
SMU_1566c_at	1.45		1.26	1.62	0.12	0.21	0.010832766	1.13	0.90	1.61	0.21	0.36	0.5360353
SMU_2135c_at	1.45		1.35	1.54	0.10	0.17	0.005630443	1.07	0.72	1.70	0.25	0.44	0.7740268
SMU_1713c_at	1.45		1.21	1.60	0.13	0.23	0.014623396	0.85	0.48	1.26	0.25	0.43	0.5763875
SMU_1373c_at	1.45		1.21	1.69	0.14	0.24	0.017411478	0.95	0.73	1.18	0.17	0.30	0.7999458
SMU_63c_at	1.45		1.31	1.59	0.11	0.19	0.007924129	1.20	0.98	1.74	0.22	0.38	0.3767655
SMU_1988c_at	1.44		1.29	1.60	0.11	0.20	0.009111753	1.08	0.86	1.49	0.20	0.34	0.6697924
SMU_1480_at	1.44		1.14	1.85	0.17	0.30	0.036105197	0.87	0.58	1.13	0.20	0.35	0.5599095
SMU_1016_at	1.44		1.38	1.53	0.10	0.17	0.005687036	1.07	0.98	1.25	0.15	0.27	0.6638238
SMU_2004c_at	1.44		1.38	1.49	0.09	0.16	0.005093831	1.03	0.78	1.39	0.19	0.33	0.89009905
SMU_168_at	1.43		0.95	1.98	0.24	0.42	0.099492915	1.09	0.97	1.34	0.16	0.28	0.582438
SMU_1718c_at	1.43		1.14	1.64	0.15	0.26	0.026961839	1.00	0.98	1.01	0.14	0.24	0.9884641
SMU_74_at	1.43		1.25	1.59	0.12	0.20	0.011923767	0.98	0.89	1.05	0.14	0.25	0.8956512
SMU_788_at	1.42		1.14	1.90	0.18	0.31	0.047399104	1.01	0.90	1.14	0.15	0.26	0.9488751
SMU_831_at	1.42		1.26	1.56	0.11	0.19	0.01046923	1.03	0.80	1.36	0.18	0.32	0.87623817
SMU_1005_at	1.42		1.25	1.64	0.12	0.21	0.014331858	0.98	0.84	1.13	0.15	0.27	0.9184523
SMU_1716c_at	1.42		1.17	1.62	0.14	0.23	0.020717068	0.90	0.68	1.07	0.17	0.30	0.5980276

SMU_967_at	1.42		1.13	1.66	0.15	0.26	0.030006781	1.05	0.97	1.20	0.15	0.26	0.74665344
SMU_481_at	1.42		1.16	1.74	0.15	0.26	0.029891076	1.01	0.98	1.05	0.14	0.24	0.9543368
SMU_924_at	1.42		1.23	1.61	0.12	0.21	0.015190202	1.06	0.69	1.71	0.26	0.45	0.8249728
SMU_127_at	1.42		1.15	1.80	0.16	0.28	0.0380491	0.97	0.57	1.60	0.27	0.47	0.920573
SMU_951_at	1.41		1.07	1.94	0.20	0.35	0.06887809	0.98	0.88	1.07	0.15	0.25	0.9079416
SMU_2111c_at	1.41		1.14	1.62	0.14	0.25	0.027642164	1.14	0.98	1.52	0.19	0.32	0.4483127
SMU_833_at	1.41		1.35	1.52	0.10	0.17	0.008188617	1.06	0.89	1.35	0.17	0.30	0.7218484
SMU_1011c_at	1.41		1.11	1.84	0.18	0.30	0.04990897	0.97	0.74	1.23	0.18	0.31	0.87560964
SMU_166_at	1.41		0.93	2.06	0.26	0.45	0.12724474	1.14	0.99	1.50	0.18	0.32	0.44785056
SMU_919c_at	1.41		1.17	1.79	0.16	0.27	0.03660288	1.01	0.63	1.64	0.26	0.45	0.9568348
SMU_161_at	1.41		1.18	1.58	0.13	0.23	0.020549193	0.92	0.51	1.53	0.28	0.48	0.78376126
SMU_1012c_at	1.40		1.10	1.75	0.17	0.29	0.045256153	0.92	0.76	1.02	0.16	0.27	0.6343474
SMU_1444c_at	1.40		1.13	1.68	0.15	0.26	0.033861052	1.05	0.87	1.35	0.17	0.30	0.7621167
SMU_2001c_at	1.40		1.29	1.48	0.10	0.17	0.009511767	0.87	0.51	1.30	0.24	0.42	0.6303213
SMU_1867c_at	1.40		1.01	1.93	0.21	0.37	0.09000304	1.02	0.61	1.72	0.28	0.49	0.9572038
SMU_880_at	1.40		1.31	1.47	0.10	0.17	0.008529518	1.09	0.71	1.82	0.27	0.47	0.73541224
SMU_1606c_at	1.39		1.26	1.59	0.11	0.20	0.015061321	0.99	0.83	1.16	0.16	0.27	0.936141
SMU_1905c_at	1.39		0.99	1.97	0.22	0.39	0.10338026	0.88	0.62	1.11	0.19	0.33	0.57797134
SMU_669c_at	1.39		1.35	1.45	0.09	0.16	0.00814815	1.10	0.84	1.60	0.22	0.37	0.6281396
SMU_1903c_at	1.39		1.28	1.62	0.12	0.21	0.018807162	0.91	0.58	1.30	0.22	0.39	0.7111978
SMU_56_at	1.39		1.31	1.49	0.10	0.17	0.009631982	1.03	0.80	1.39	0.19	0.33	0.8597538
SMU_838_at	1.39		1.06	1.66	0.17	0.29	0.05036652	0.94	0.59	1.40	0.23	0.41	0.80898404
SMU_1280c_at	1.38		1.12	1.75	0.16	0.28	0.046808347	0.94	0.79	1.07	0.16	0.27	0.73283744
SMU_1645_at	1.38		1.09	1.71	0.16	0.28	0.04703605	1.07	0.53	2.35	0.41	0.71	0.8486091
SMU_1082c_at	1.38		1.17	1.60	0.13	0.22	0.026132153	1.05	0.91	1.29	0.16	0.28	0.7497785
SMU_1112c_at	1.38		1.26	1.55	0.11	0.19	0.01527678	1.20	0.90	1.92	0.26	0.45	0.4274545
SMU_159_at	1.38		1.18	1.62	0.13	0.22	0.026146555	1.01	0.72	1.43	0.21	0.37	0.96309364
SMU_883_at	1.38		1.05	1.69	0.17	0.29	0.055968992	0.97	0.52	1.74	0.31	0.54	0.921382
SMU_1773c_at	1.38		1.30	1.48	0.10	0.17	0.010657699	0.97	0.84	1.08	0.15	0.26	0.83701795
SMU_260_at	1.38		0.99	2.03	0.23	0.40	0.12215102	1.21	0.64	2.76	0.45	0.78	0.6092186
SMU_160_at	1.38		1.20	1.51	0.12	0.20	0.018479045	0.88	0.43	1.57	0.31	0.55	0.70821255
SMU_802_at	1.38		1.28	1.49	0.10	0.17	0.012022564	0.99	0.94	1.03	0.14	0.24	0.9372438
SMU_1570_at	1.37		1.10	1.79	0.17	0.29	0.058946926	1.14	0.66	2.24	0.36	0.62	0.6838306
SMU_1004_at	1.37		0.75	2.08	0.33	0.57	0.24336955	0.65	0.25	1.07	0.32	0.55	0.36357266

SMU_1579_at	1.37		1.30	1.51	0.10	0.18	0.013392122	1.07	0.91	1.32	0.17	0.29	0.7022915
SMU_1057c_at	1.37		1.14	1.57	0.13	0.23	0.030783074	1.03	0.67	1.63	0.25	0.44	0.91307557
SMU_1381c_at	1.37		1.32	1.44	0.09	0.16	0.010511865	1.19	0.83	2.03	0.29	0.50	0.49848285
SMU_910_at	1.37		1.13	1.52	0.13	0.23	0.029633509	1.04	0.87	1.30	0.17	0.29	0.808071
SMU_1059c_at	1.37		1.16	1.56	0.12	0.22	0.026214978	0.99	0.58	1.69	0.29	0.49	0.9732633
SMU_1297_at	1.36		0.99	1.87	0.21	0.36	0.10481433	1.04	0.51	2.23	0.40	0.69	0.905259
SMU_2046c_at	1.36		1.20	1.51	0.11	0.19	0.01980366	1.02	0.61	1.72	0.28	0.49	0.9554419
SMU_1558c_at	1.36		1.24	1.49	0.10	0.18	0.015797365	1.16	1.00	1.55	0.19	0.33	0.42043167
SMU_1917c_at	1.36		1.04	1.63	0.16	0.28	0.061189212	0.93	0.53	1.54	0.28	0.48	0.8184515
SMU_938_at	1.36		1.06	1.58	0.15	0.27	0.053896565	1.05	0.98	1.18	0.15	0.26	0.7455079
SMU_1538c_at	1.35		1.08	1.91	0.20	0.34	0.102787085	1.09	0.80	1.63	0.23	0.39	0.68665534
SMU_1577c_at	1.35		1.21	1.52	0.11	0.19	0.022266785	1.12	0.86	1.63	0.22	0.38	0.5841964
SMU_1158c_at	1.35		1.09	1.88	0.19	0.33	0.09861226	1.00	0.86	1.16	0.15	0.27	0.9881703
SMU_1712c_at	1.34		1.19	1.45	0.11	0.19	0.021640772	0.83	0.47	1.22	0.25	0.43	0.5366971
SMU_420_at	1.34		1.27	1.46	0.10	0.17	0.016704729	1.10	0.96	1.40	0.17	0.30	0.55928266
SMU_1585c_at	1.34		1.23	1.41	0.10	0.17	0.016631909	1.09	0.88	1.48	0.19	0.33	0.6413196
SMU_349_at	1.33		1.01	1.77	0.18	0.31	0.097501725	0.90	0.56	1.28	0.23	0.39	0.6734024
SMU_1014_at	1.33		1.18	1.58	0.12	0.22	0.035685692	0.98	0.84	1.14	0.16	0.27	0.9208501
SMU_237c_at	1.33		0.94	1.71	0.20	0.34	0.12180528	1.05	0.82	1.42	0.19	0.33	0.789822
SMU_2037c_at	1.33		1.07	1.84	0.19	0.32	0.10696941	0.99	0.81	1.21	0.17	0.29	0.96787447
SMU_1201c_at	1.33		1.05	1.57	0.15	0.26	0.061570004	1.05	0.96	1.22	0.15	0.26	0.7342997
SMU_343_at	1.33		1.06	1.50	0.14	0.25	0.05550658	1.02	0.99	1.07	0.14	0.24	0.8852127
SMU_1995c_at	1.33		0.95	2.27	0.28	0.49	0.24145085	0.81	0.16	3.39	0.88	1.52	0.786015
SMU_1048_at	1.32		1.07	1.49	0.14	0.24	0.053858165	0.93	0.54	1.47	0.26	0.45	0.78925866
SMU_419_at	1.32		1.13	1.59	0.13	0.23	0.048420954	1.06	0.84	1.43	0.19	0.33	0.74588436
SMU_573_at	1.32		0.91	1.98	0.24	0.41	0.18976173	1.00	0.72	1.38	0.20	0.35	0.997579
SMU_841_at	1.32		1.00	1.60	0.16	0.28	0.08700101	0.99	0.78	1.23	0.17	0.30	0.9453302
SMU_58_at	1.32		1.20	1.47	0.11	0.19	0.027983388	1.05	0.85	1.35	0.18	0.31	0.80347985
SMU_1374_at	1.32		0.79	2.09	0.29	0.51	0.2711897	1.21	0.94	1.91	0.25	0.44	0.39309472
SMU_1668c_at	1.31		1.11	1.50	0.12	0.21	0.043434452	0.93	0.79	1.01	0.15	0.26	0.6590494
SMU_tRNA3_s_at	1.31		1.11	1.76	0.17	0.29	0.09709084	0.85	0.49	1.27	0.25	0.43	0.58858365
SMU_1472c_at	1.31		0.97	1.81	0.20	0.34	0.13768014	0.95	0.84	1.00	0.15	0.25	0.73427767
SMU_893_at	1.31		1.24	1.42	0.10	0.17	0.02213584	1.02	0.81	1.32	0.18	0.31	0.90205675
SMU_1845c_at	1.31		1.27	1.33	0.09	0.16	0.018231014	1.01	0.71	1.43	0.21	0.37	0.9741869

SMU_1180c_at	1.31		1.11	1.45	0.12	0.21	0.043945063	0.90	0.54	1.32	0.24	0.41	0.6839607
SMU_830_at	1.31		1.09	1.47	0.13	0.22	0.04994976	0.97	0.70	1.31	0.20	0.34	0.8886505
SMU_1394c_at	1.31		0.98	1.66	0.17	0.30	0.1120482	1.03	0.88	1.23	0.16	0.28	0.8697594
SMU_167_at	1.31		0.89	1.75	0.21	0.37	0.17399839	1.07	0.87	1.42	0.18	0.32	0.7077495
SMU_329_at	1.30		1.03	1.60	0.15	0.27	0.084034964	0.97	0.82	1.10	0.15	0.27	0.83553463
SMU_1159c_at	1.30		1.19	1.45	0.11	0.18	0.031019762	1.01	0.93	1.12	0.15	0.25	0.9252047
SMU_916c_at	1.30		1.13	1.57	0.13	0.22	0.05483667	0.99	0.59	1.61	0.27	0.46	0.95851755
SMU_294_at	1.30		0.92	1.62	0.19	0.33	0.14153415	0.96	0.64	1.36	0.22	0.38	0.84722775
SMU_18_at	1.30		1.19	1.45	0.11	0.18	0.031315867	0.82	0.53	1.03	0.20	0.35	0.43838924
SMU_344_at	1.30		0.95	1.64	0.18	0.31	0.12422051	0.99	0.88	1.09	0.15	0.25	0.9258042
SMU_828_at	1.30		1.15	1.40	0.11	0.19	0.034389466	0.95	0.62	1.35	0.22	0.38	0.8144911
SMU_188c_at	1.30		1.01	1.60	0.16	0.27	0.09420635	1.03	0.65	1.66	0.26	0.45	0.923338
SMU_1994c_at	1.30		1.01	1.79	0.18	0.32	0.13564679	0.79	0.19	2.65	0.68	1.17	0.72872514
SMU_1607c_at	1.30		1.10	1.61	0.14	0.24	0.071247354	1.05	0.93	1.24	0.16	0.27	0.7676408
SMU_140_at	1.30		0.68	2.24	0.35	0.61	0.37136027	1.08	0.58	2.20	0.37	0.64	0.81358117
SMU_939_at	1.30		1.04	1.70	0.16	0.28	0.10607787	0.95	0.73	1.15	0.17	0.30	0.76913667
SMU_287_at	1.30		1.25	1.34	0.09	0.16	0.021757025	1.12	0.94	1.48	0.19	0.32	0.53557193
SMU_630_at	1.30		1.06	1.62	0.15	0.26	0.08536573	0.94	0.74	1.13	0.17	0.29	0.7481279
SMU_482_at	1.29		1.00	1.66	0.17	0.29	0.11488713	1.01	0.99	1.03	0.14	0.24	0.9658139
SMU_1584c_at	1.29		0.90	1.66	0.20	0.34	0.16963243	0.97	0.76	1.19	0.17	0.30	0.8624763
SMU_575c_at	1.29		0.78	2.33	0.32	0.56	0.35239473	1.10	0.62	2.15	0.35	0.60	0.7605936
SMU_1003_at	1.29		1.02	1.84	0.19	0.34	0.16468719	0.97	0.79	1.14	0.16	0.28	0.840829
SMU_1907_at	1.29		0.60	3.15	0.50	0.87	0.5179586	1.03	0.65	1.71	0.27	0.47	0.9011018
SMU_798c_at	1.28		1.01	1.62	0.16	0.27	0.10739685	0.92	0.68	1.16	0.18	0.32	0.693643
SMU_1161c_at	1.28		1.16	1.36	0.10	0.18	0.03605598	0.91	0.69	1.09	0.17	0.30	0.6339181
SMU_1524c_at	1.28		1.17	1.39	0.10	0.18	0.034956086	0.99	0.75	1.29	0.19	0.32	0.95200294
SMU_2142c_at	1.28		1.02	1.60	0.15	0.26	0.10474745	0.99	0.96	1.02	0.14	0.24	0.96562725
SMU_2038c_at	1.28		1.03	1.68	0.16	0.28	0.12030228	1.01	0.86	1.22	0.16	0.28	0.93116087
SMU_925_at	1.28		1.18	1.35	0.10	0.17	0.032543678	0.92	0.60	1.30	0.22	0.38	0.7400514
SMU_577c_at	1.28		1.05	1.82	0.19	0.33	0.16675423	0.98	0.67	1.42	0.22	0.38	0.9431195
SMU_128_at	1.28		0.94	1.76	0.19	0.34	0.17623875	0.85	0.41	1.47	0.31	0.53	0.6405708
SMU_829_at	1.28		1.19	1.33	0.10	0.17	0.03156544	0.91	0.58	1.28	0.22	0.38	0.69336003
SMU_723_at	1.28		1.02	1.59	0.15	0.26	0.104219206	1.01	0.95	1.07	0.14	0.25	0.9673499
SMU_179_at	1.27		1.05	1.87	0.20	0.35	0.19248487	0.98	0.72	1.29	0.19	0.33	0.9064496

SMU_1020_at	1.27		1.13	1.58	0.13	0.23	0.08128017	1.04	0.82	1.36	0.18	0.32	0.8457461
SMU_1906c_at	1.27		1.03	1.56	0.14	0.25	0.095706806	0.96	0.79	1.10	0.16	0.27	0.79512054
SMU_991_at	1.27		1.06	1.49	0.13	0.22	0.07426011	1.13	0.85	1.70	0.23	0.40	0.56034946
SMU_1424c_at	1.27		0.86	1.95	0.24	0.42	0.26511243	1.12	0.99	1.41	0.17	0.30	0.5037969
SMU_1923c_at	1.27		1.20	1.32	0.09	0.16	0.031517558	1.08	0.99	1.27	0.16	0.27	0.62859464
SMU_163c_at	1.26		1.07	1.46	0.12	0.21	0.07131452	1.11	0.94	1.45	0.18	0.31	0.5511716
SMU_187c_at	1.26		0.89	1.67	0.19	0.34	0.19862448	0.95	0.56	1.54	0.27	0.46	0.8597402
SMU_480_at	1.26		1.01	1.56	0.15	0.26	0.11678126	1.01	0.93	1.12	0.15	0.25	0.93075764
SMU_1006_at	1.26		1.13	1.48	0.12	0.21	0.06810064	0.92	0.72	1.09	0.17	0.29	0.6681951
SMU_892_at	1.26		1.14	1.43	0.11	0.19	0.055171184	0.98	0.74	1.26	0.18	0.31	0.9057594
SMU_1021_at	1.26		1.14	1.55	0.13	0.23	0.08707925	1.05	0.83	1.42	0.19	0.33	0.7799375
SMU_1689c_at	1.26		1.11	1.40	0.11	0.19	0.057662662	1.02	0.80	1.33	0.18	0.32	0.9174639
SMU_917c_at	1.26		1.16	1.48	0.12	0.20	0.06691509	0.88	0.55	1.24	0.22	0.39	0.6254888
SMU_2077c_at	1.26		1.19	1.30	0.09	0.16	0.037234508	0.96	0.81	1.10	0.16	0.27	0.82220644
SMU_1537c_at	1.26		1.00	1.62	0.16	0.27	0.13461438	1.08	0.82	1.52	0.21	0.36	0.7094594
SMU_1772c_at	1.26		1.18	1.42	0.11	0.19	0.05356933	0.96	0.79	1.13	0.16	0.28	0.8301394
SMU_158_at	1.26		1.04	1.48	0.13	0.23	0.09099871	0.98	0.76	1.24	0.18	0.31	0.92698556
SMU_466_at	1.25		1.00	1.58	0.15	0.26	0.13179368	1.01	0.93	1.12	0.15	0.25	0.9339192
SMU_1788c_at	1.25		0.97	1.46	0.15	0.26	0.1300714	1.13	0.77	1.89	0.27	0.48	0.6177693
SMU_124_at	1.25		1.03	1.52	0.14	0.24	0.10570535	1.11	0.82	1.67	0.23	0.40	0.6305986
SMU_1058c_at	1.25		1.04	1.41	0.13	0.22	0.087453626	1.02	0.74	1.43	0.21	0.36	0.9193984
SMU_1721c_at	1.25		0.97	1.54	0.15	0.27	0.13985854	1.10	0.96	1.38	0.17	0.29	0.570539
SMU_1515c_at	1.25		1.07	1.45	0.12	0.21	0.08160769	0.95	0.86	1.02	0.15	0.25	0.77134717
SMU_1140c_at	1.25		1.06	1.45	0.12	0.21	0.0869018	0.93	0.80	1.02	0.15	0.26	0.69023305
SMU_1023_at	1.24		1.15	1.46	0.12	0.20	0.07882686	1.13	0.94	1.53	0.19	0.33	0.50664103
SMU_40_at	1.24		0.52	4.64	0.73	1.27	0.67750835	1.84	0.89	6.97	1.08	1.87	0.27775452
SMU_422_at	1.24		1.21	1.28	0.09	0.16	0.042010184	0.94	0.71	1.16	0.18	0.31	0.74483305
SMU_2063c_at	1.24		1.16	1.40	0.11	0.18	0.06196863	1.05	0.94	1.24	0.16	0.27	0.74630034
SMU_180_at	1.24		0.96	1.88	0.21	0.37	0.2686678	1.17	0.82	1.98	0.28	0.49	0.5253295
SMU_1147c_at	1.24		1.01	1.48	0.14	0.23	0.11787509	0.93	0.66	1.21	0.19	0.33	0.73454726
SMU_909_at	1.24		0.94	1.48	0.15	0.27	0.157597	1.00	0.90	1.12	0.15	0.26	0.9913373
SMU_1536c_at	1.24		1.02	1.56	0.15	0.25	0.13838936	1.11	0.94	1.47	0.18	0.32	0.5417113
SMU_1737c_at	1.24		1.23	1.25	0.09	0.16	0.043204855	1.02	0.89	1.20	0.16	0.27	0.8926589
SMU_417_at	1.24		1.21	1.29	0.09	0.16	0.045519944	1.05	0.93	1.23	0.15	0.27	0.7691846

SMU_576c_at	1.24		0.92	1.92	0.22	0.39	0.29328692	1.15	0.85	1.77	0.24	0.42	0.5424537
SMU_1638c_at	1.24		1.00	1.44	0.13	0.23	0.116854295	0.91	0.44	1.70	0.33	0.57	0.7856878
SMU_129_at	1.24		0.75	2.10	0.29	0.51	0.40469462	0.77	0.29	1.57	0.38	0.66	0.57489187
SMU_401c_at	1.23		1.00	1.62	0.16	0.27	0.16952257	1.05	0.94	1.22	0.15	0.27	0.76354873
SMU_1981c_at	1.23		0.80	1.61	0.22	0.39	0.29682243	1.00	0.78	1.28	0.18	0.31	0.99836487
SMU_915c_at	1.23		1.16	1.38	0.10	0.18	0.06589846	0.89	0.53	1.35	0.24	0.42	0.69015676
SMU_1435c_at	1.23		0.96	1.45	0.15	0.26	0.15124829	1.02	0.76	1.40	0.20	0.34	0.9135436
SMU_1141c_at	1.23		1.20	1.27	0.09	0.16	0.048457727	0.91	0.74	1.04	0.16	0.28	0.6266737
SMU_292_at	1.23		1.09	1.53	0.13	0.23	0.12482946	1.08	0.95	1.34	0.17	0.29	0.6254744
SMU_290_at	1.23		0.97	1.49	0.15	0.25	0.15325433	1.07	1.00	1.24	0.15	0.26	0.646677
SMU_1539c_at	1.23		1.03	1.61	0.15	0.27	0.16914314	1.05	0.87	1.33	0.17	0.30	0.78533626
SMU_2136c_at	1.23		1.14	1.36	0.10	0.18	0.067942314	1.09	0.91	1.41	0.18	0.31	0.62816525
SMU_2109_at	1.23		0.77	1.61	0.24	0.41	0.33250988	0.90	0.69	1.08	0.17	0.30	0.61466575
SMU_1516c_at	1.23		1.00	1.46	0.13	0.23	0.13302658	0.98	0.79	1.17	0.16	0.28	0.88869584
SMU_125_at	1.23		0.90	1.72	0.19	0.33	0.25477788	1.13	0.70	2.06	0.32	0.55	0.6725832
SMU_807_at	1.23		0.86	1.82	0.22	0.38	0.3038952	1.26	0.83	2.42	0.36	0.62	0.43223158
SMU_1719c_at	1.23		1.14	1.30	0.10	0.17	0.061530136	1.01	0.99	1.04	0.14	0.24	0.94211936
SMU_827_at	1.22		1.11	1.35	0.10	0.18	0.07384359	1.03	0.83	1.30	0.17	0.30	0.87528634
SMU_1171c_at	1.22		1.08	1.42	0.12	0.20	0.09811543	1.06	0.92	1.31	0.16	0.29	0.709862
SMU_1810c_at	1.22		0.97	1.46	0.14	0.25	0.1547677	1.14	0.96	1.52	0.19	0.33	0.4777939
SMU_646_at	1.22		1.02	1.43	0.13	0.22	0.11966278	1.00	0.94	1.07	0.14	0.25	0.9997163
SMU_464_at	1.22		1.03	1.47	0.13	0.22	0.12616116	1.05	0.93	1.25	0.16	0.27	0.75284094
SMU_tRNA1_s_at	1.22		0.91	1.55	0.17	0.29	0.21174476	0.81	0.52	1.03	0.20	0.35	0.43865904
SMU_2105_at	1.22		1.12	1.31	0.10	0.17	0.06957308	1.10	0.97	1.38	0.17	0.29	0.5563393
SMU_1465c_at	1.22		1.03	1.41	0.12	0.21	0.119222574	1.03	0.90	1.22	0.16	0.27	0.84801346
SMU_403_at	1.22		0.99	1.48	0.14	0.24	0.15484758	0.96	0.75	1.17	0.17	0.29	0.8175166
SMU_1022_at	1.22		1.12	1.41	0.11	0.19	0.10023617	1.06	0.79	1.50	0.21	0.36	0.7807882
SMU_328_at	1.22		1.00	1.41	0.13	0.22	0.13487215	0.97	0.73	1.26	0.18	0.32	0.8838988
SMU_1740c_at	1.21		1.18	1.26	0.09	0.16	0.06226318	1.04	0.95	1.19	0.15	0.26	0.7843711
SMU_453_at	1.21		1.02	1.40	0.12	0.21	0.12491052	1.03	0.90	1.21	0.16	0.27	0.8582013
SMU_418_at	1.21		1.04	1.47	0.13	0.22	0.13745053	0.98	0.88	1.07	0.15	0.25	0.8999399
SMU_1018_at	1.21		1.11	1.29	0.10	0.17	0.07628173	0.94	0.77	1.07	0.16	0.27	0.70710194
SMU_143c_at	1.21		1.04	1.39	0.12	0.21	0.11784343	1.01	0.72	1.41	0.21	0.36	0.9762
SMU_966_at	1.21		0.94	1.43	0.15	0.25	0.1846584	1.02	0.88	1.22	0.16	0.27	0.8803306

SMU_162c_at	1.21		1.07	1.43	0.12	0.21	0.12157291	1.04	0.93	1.19	0.15	0.26	0.82017237
SMU_530c_at	1.21		1.02	1.34	0.12	0.20	0.12041078	1.12	0.98	1.42	0.17	0.30	0.5095814
SMU_1386c_at	1.21		1.11	1.33	0.10	0.18	0.086691864	1.15	0.93	1.61	0.21	0.36	0.47965804
AFFX-r2-Bs-thr-5_s_d	1.21		0.90	2.07	0.26	0.45	0.41812754	1.17	0.87	1.83	0.25	0.43	0.49696353
SMU_832_at	1.21		1.01	1.37	0.12	0.21	0.13554692	0.99	0.87	1.12	0.15	0.26	0.9647546
SMU_1474c_at	1.20		0.95	1.39	0.14	0.24	0.18140551	1.03	0.93	1.17	0.15	0.26	0.8607843
SMU_633_at	1.20		1.14	1.33	0.10	0.18	0.09141961	0.84	0.54	1.08	0.20	0.35	0.48874047
SMU_872_at	1.20		0.83	1.67	0.20	0.35	0.32418945	1.17	0.86	1.87	0.26	0.44	0.501165
SMU_645_at	1.20		0.99	1.34	0.13	0.22	0.15175699	1.04	0.94	1.21	0.15	0.26	0.78350604
SMU_878_at	1.20		1.14	1.28	0.10	0.16	0.07955351	1.14	0.85	1.77	0.24	0.42	0.5489106
SMU_1929c_at	1.20		0.96	1.44	0.14	0.24	0.18185693	1.02	0.78	1.35	0.19	0.33	0.92472863
SMU_tRNA4_s_at	1.20		0.94	1.52	0.15	0.26	0.21581838	0.97	0.47	1.94	0.36	0.63	0.9257537
SMU_1728c_at	1.20		1.12	1.31	0.10	0.17	0.09152173	0.98	0.86	1.10	0.15	0.26	0.9027916
SMU_1593c_at	1.20		1.03	1.37	0.12	0.20	0.12892784	0.93	0.65	1.24	0.20	0.34	0.74819446
SMU_1436c_at	1.20		0.98	1.41	0.13	0.23	0.17007066	0.97	0.68	1.36	0.21	0.36	0.9046531
SMU_97_at	1.20		1.03	1.38	0.12	0.20	0.13472615	0.98	0.78	1.20	0.17	0.29	0.90214723
SMU_495_at	1.20		1.05	1.42	0.12	0.21	0.14042768	1.17	0.88	1.80	0.24	0.42	0.4836541
SMU_470_at	1.20		1.09	1.30	0.10	0.17	0.09657942	1.01	0.77	1.34	0.19	0.33	0.9638056
SMU_664_at	1.20		0.70	2.24	0.32	0.56	0.5239071	0.89	0.63	1.12	0.19	0.33	0.6030566
SMU_454_at	1.20		1.09	1.27	0.10	0.17	0.09666557	1.00	0.83	1.21	0.16	0.28	0.97956073
SMU_1133c_at	1.20		1.16	1.23	0.09	0.16	0.078902334	1.03	0.86	1.26	0.17	0.29	0.8631875
SMU_1017_at	1.20		1.03	1.44	0.13	0.22	0.1614346	1.02	0.77	1.39	0.20	0.34	0.91632855
SMU_1667c_at	1.20		1.08	1.29	0.10	0.18	0.10210158	0.92	0.76	1.03	0.16	0.27	0.6429348
SMU_2127_at	1.20		1.03	1.55	0.15	0.25	0.21133201	1.08	0.94	1.35	0.17	0.29	0.63072526
SMU_888_at	1.19		1.07	1.37	0.11	0.19	0.12517117	1.00	0.96	1.03	0.14	0.24	0.9785207
SMU_1157c_at	1.19		1.11	1.36	0.11	0.19	0.121520266	0.98	0.93	1.02	0.14	0.24	0.8961364
SMU_2101c_at	1.19		0.97	1.44	0.14	0.23	0.19430558	0.99	0.93	1.06	0.14	0.25	0.97305304
SMU_1347c_s_at	1.19		0.97	1.40	0.13	0.23	0.18119873	1.03	0.85	1.29	0.17	0.29	0.86856633
SMU_456_at	1.19		1.02	1.38	0.12	0.20	0.14793462	1.02	0.96	1.12	0.14	0.25	0.869563
SMU_1535c_at	1.19		1.04	1.55	0.15	0.25	0.22667614	1.09	0.89	1.45	0.19	0.32	0.6443455
SMU_249_at	1.19		0.89	1.48	0.16	0.28	0.26109254	0.99	0.70	1.40	0.21	0.36	0.9707165
SMU_975_at	1.19		0.97	1.41	0.13	0.23	0.19239289	1.02	0.95	1.11	0.14	0.25	0.9106175
SMU_455_at	1.19		1.02	1.37	0.12	0.20	0.15437289	0.98	0.93	1.02	0.14	0.24	0.9186164
SMU_1665c_at	1.19		1.05	1.33	0.11	0.19	0.13265869	0.93	0.76	1.05	0.16	0.27	0.6704948

SMU_1083c_at	1.19		1.02	1.28	0.11	0.19	0.14122511	1.04	1.00	1.13	0.14	0.25	0.7811433
SMU_2143c_at	1.18		0.94	1.43	0.14	0.25	0.22799581	0.99	0.94	1.03	0.14	0.24	0.95446825
SMU_1571_at	1.18		0.92	1.61	0.17	0.29	0.29706854	1.05	0.57	2.02	0.34	0.59	0.87938523
SMU_937_at	1.18		0.90	1.44	0.15	0.26	0.25620896	0.99	0.84	1.15	0.16	0.27	0.9430633
SMU_921_at	1.18		1.11	1.28	0.10	0.17	0.11083212	1.00	0.85	1.18	0.16	0.27	0.9982398
SMU_247_at	1.18		0.98	1.35	0.12	0.21	0.18221276	0.97	0.75	1.22	0.18	0.31	0.8687719
SMU_276c_at	1.18		1.01	1.38	0.12	0.21	0.1788861	1.10	0.67	2.00	0.31	0.54	0.7371441
SMU_1666c_at	1.18		1.00	1.33	0.12	0.20	0.16736215	0.97	0.88	1.03	0.14	0.25	0.8251898
SMU_1466c_at	1.18		1.00	1.37	0.12	0.21	0.18046449	1.01	0.80	1.27	0.17	0.30	0.968739
SMU_1502c_at	1.18		1.06	1.25	0.10	0.18	0.12884793	1.06	0.87	1.37	0.18	0.31	0.73865795
SMU_529_at	1.18		0.76	1.69	0.23	0.39	0.4326526	1.19	0.83	2.02	0.29	0.50	0.4944287
SMU_289_at	1.18		0.99	1.42	0.13	0.22	0.20322679	1.08	0.87	1.46	0.19	0.33	0.67333114
SMU_2083c_at	1.18		1.13	1.28	0.10	0.17	0.12047531	0.90	0.66	1.10	0.18	0.31	0.60944384
SMU_1517c_at	1.18		1.06	1.27	0.10	0.18	0.13404715	0.96	0.79	1.10	0.16	0.27	0.7908325
SMU_175_at	1.18		0.86	1.42	0.16	0.28	0.30293253	1.15	0.95	1.61	0.20	0.35	0.4609549
SMU_929c_at	1.18		1.02	1.34	0.11	0.19	0.16286172	0.95	0.58	1.47	0.25	0.43	0.84725875
SMU_620_at	1.18		1.00	1.46	0.13	0.23	0.22210795	1.02	0.62	1.72	0.28	0.48	0.94141835
SMU_1738c_at	1.17		1.06	1.33	0.11	0.19	0.14986642	0.96	0.77	1.17	0.17	0.29	0.84251887
SMU_250_at	1.17		0.87	1.52	0.17	0.29	0.31513128	0.92	0.66	1.17	0.19	0.32	0.6889264
SMU_1916c_at	1.17		1.03	1.29	0.11	0.19	0.15419163	0.84	0.49	1.20	0.24	0.41	0.5445719
SMU_1009_at	1.17		1.00	1.33	0.12	0.20	0.18544467	0.93	0.64	1.27	0.20	0.35	0.751195
SMU_178_at	1.17		0.90	1.54	0.16	0.28	0.31930703	0.90	0.70	1.02	0.16	0.28	0.5711232
SMU_tRNA36_at	1.17		1.12	1.27	0.10	0.17	0.13467668	0.96	0.66	1.35	0.21	0.37	0.8677983
SMU_1473c_at	1.17		0.98	1.34	0.12	0.21	0.20629059	0.96	0.82	1.09	0.15	0.26	0.81897664
SMU_271_at	1.17		1.12	1.25	0.09	0.16	0.12727365	0.92	0.62	1.27	0.21	0.36	0.7315445
SMU_1434c_at	1.17		1.01	1.28	0.11	0.19	0.17459397	0.93	0.62	1.29	0.21	0.37	0.7438032
SMU_1612c_at	1.17		0.94	1.37	0.13	0.23	0.23800707	0.93	0.75	1.06	0.16	0.28	0.6775725
SMU_1402c_at	1.17		1.08	1.33	0.11	0.18	0.1649546	1.03	0.69	1.55	0.23	0.41	0.9139567
SMU_902_at	1.17		0.94	1.34	0.13	0.23	0.2382656	1.05	1.00	1.17	0.15	0.25	0.72734845
SMU_1148_at	1.17		0.81	1.62	0.20	0.34	0.40770674	1.02	0.77	1.37	0.19	0.33	0.93310714
SMU_738_s_at	1.16		1.09	1.30	0.10	0.18	0.15718074	0.86	0.62	1.04	0.18	0.31	0.51123005
SMU_1061c_at	1.16		1.07	1.35	0.11	0.19	0.18641697	1.04	0.86	1.31	0.17	0.30	0.81569284
SMU_557_at	1.16		1.02	1.25	0.11	0.18	0.17162526	1.08	0.99	1.29	0.16	0.27	0.60223913
SMU_842_at	1.16		0.84	1.55	0.18	0.31	0.37041923	0.94	0.70	1.17	0.18	0.31	0.740202

SMU_1177c_at	1.16		1.09	1.24	0.10	0.17	0.14651965	0.85	0.50	1.22	0.24	0.41	0.56291854
SMU_1690c_at	1.16		1.05	1.24	0.10	0.17	0.15758586	1.02	0.96	1.10	0.14	0.25	0.90394104
SMU_177_at	1.16		0.91	1.44	0.15	0.25	0.29815844	0.91	0.68	1.13	0.18	0.31	0.6641337
SMU_1711c_at	1.16		0.85	1.55	0.18	0.31	0.37830526	0.97	0.90	1.03	0.14	0.25	0.86783177
SMU_1886_at	1.16		0.86	1.54	0.17	0.29	0.3643947	1.02	0.81	1.30	0.18	0.31	0.9257941
SMU_1770c_at	1.16		0.97	1.41	0.13	0.22	0.25382575	1.03	0.96	1.15	0.15	0.25	0.8204615
SMU_1217c_at	1.16		1.02	1.47	0.14	0.23	0.27524918	0.91	0.71	1.05	0.16	0.29	0.6045353
SMU_1432c_at	1.16		0.96	1.27	0.12	0.21	0.22710596	0.87	0.56	1.15	0.21	0.36	0.5630853
SMU_901_at	1.16		0.92	1.35	0.13	0.23	0.2731451	1.01	0.96	1.07	0.14	0.25	0.9385825
SMU_556_at	1.16		1.13	1.18	0.09	0.16	0.13875939	1.07	0.98	1.26	0.15	0.27	0.6446612
SMU_2100c_at	1.16		0.98	1.28	0.11	0.20	0.21249762	1.02	0.97	1.11	0.14	0.25	0.86821485
SMU_1143c_at	1.16		0.99	1.44	0.13	0.23	0.27279636	0.93	0.71	1.13	0.17	0.30	0.71231705
SMU_978_at	1.15		0.93	1.51	0.15	0.26	0.32726735	1.12	0.97	1.45	0.18	0.31	0.50732124
SMU_868_at	1.15		1.02	1.32	0.11	0.19	0.20538695	1.05	0.99	1.16	0.15	0.25	0.73976195
SMU_965_at	1.15		0.94	1.31	0.13	0.22	0.26489824	1.07	0.94	1.32	0.16	0.28	0.66062325
SMU_79_at	1.15		0.87	1.75	0.20	0.35	0.4605552	0.85	0.61	1.02	0.18	0.31	0.47974843
SMU_1710c_at	1.15		0.95	1.46	0.14	0.24	0.3058353	0.94	0.82	1.03	0.15	0.26	0.7331183
SMU_1019_at	1.15		1.09	1.26	0.10	0.17	0.17670685	0.95	0.84	1.03	0.15	0.25	0.7695032
SMU_1599c_at	1.15		0.91	1.55	0.16	0.28	0.37233707	1.42	1.00	2.86	0.41	0.71	0.2696327
SMU_1306c_at	1.15		0.97	1.27	0.12	0.20	0.23678927	1.05	1.00	1.15	0.14	0.25	0.75123155
SMU_847c_at	1.15		0.86	1.91	0.24	0.41	0.52811354	1.02	0.76	1.37	0.19	0.34	0.93939817
SMU_1557c_at	1.15		0.91	1.45	0.15	0.25	0.3308278	1.06	0.91	1.31	0.17	0.29	0.72173154
SMU_629_at	1.15		1.01	1.29	0.11	0.19	0.21775742	1.04	0.87	1.28	0.17	0.29	0.83606946
SMU_326_at	1.15		0.93	1.41	0.14	0.24	0.30743006	0.98	0.86	1.10	0.15	0.26	0.9082797
SMU_506_at	1.15		1.09	1.25	0.10	0.17	0.18151505	0.96	0.78	1.13	0.16	0.28	0.80788326
SMU_1742c_at	1.15		1.05	1.24	0.10	0.17	0.18914463	1.03	0.99	1.10	0.14	0.25	0.8502528
SMU_463_at	1.15		0.94	1.36	0.13	0.22	0.28943858	0.94	0.56	1.50	0.26	0.45	0.8334187
SMU_1039c_at	1.14		0.92	1.31	0.13	0.23	0.2962167	1.03	0.82	1.35	0.18	0.32	0.85422045
AFFX-r2-Bs-lys-M_at	1.14		0.79	1.90	0.24	0.42	0.54821795	1.27	0.98	2.09	0.28	0.49	0.3281456
SMU_1704_at	1.14		0.97	1.34	0.12	0.21	0.27133086	0.98	0.77	1.23	0.17	0.30	0.9211979
SMU_1081c_at	1.14		1.06	1.19	0.10	0.17	0.18807559	1.01	0.87	1.19	0.16	0.27	0.9471805
SMU_248_at	1.14		0.83	1.43	0.16	0.29	0.40414813	0.99	0.69	1.39	0.21	0.37	0.94610816
SMU_1038c_at	1.14		0.94	1.36	0.13	0.22	0.29596576	0.94	0.82	1.02	0.15	0.26	0.71764773
SMU_1705_at	1.14		1.01	1.41	0.13	0.22	0.3021062	1.08	0.77	1.63	0.23	0.40	0.7339079

AFFX-r2-Bs-dap-3_at	1.14		0.94	1.54	0.16	0.27	0.39181617	0.98	0.78	1.22	0.17	0.30	0.91821337
SMU_992_at	1.14		0.92	1.27	0.13	0.22	0.30869368	0.95	0.79	1.07	0.15	0.27	0.74716926
SMU_1305c_at	1.14		0.97	1.26	0.11	0.19	0.2578011	1.03	0.96	1.14	0.15	0.25	0.8339233
SMU_325_at	1.14		0.90	1.46	0.15	0.26	0.37633482	0.98	0.81	1.17	0.16	0.28	0.9114261
SMU_244_at	1.14		0.96	1.36	0.12	0.21	0.29730555	1.00	1.00	1.00	0.14	0.24	0.99865615
SMU_413_at	1.14		0.97	1.32	0.12	0.20	0.27670392	1.05	1.00	1.15	0.14	0.25	0.75361353
AFFX-ThrX-5_at	1.14		0.86	1.94	0.25	0.43	0.57202387	1.09	0.78	1.65	0.23	0.40	0.6978632
AFFX-ThrX-3_at	1.14		0.80	2.03	0.27	0.46	0.60183185	1.22	0.99	1.85	0.24	0.41	0.35025877
SMU_1771c_at	1.14		0.71	1.90	0.26	0.45	0.59396064	0.85	0.61	1.01	0.18	0.31	0.48127297
SMU_976_at	1.14		0.97	1.31	0.12	0.20	0.2840334	0.98	0.88	1.07	0.15	0.25	0.89656705
SMU_1768c_at	1.13		1.10	1.16	0.09	0.16	0.1900305	1.04	0.99	1.13	0.14	0.25	0.80361193
SMU_1525c_at	1.13		0.88	1.35	0.14	0.24	0.35886323	1.04	0.72	1.57	0.23	0.40	0.85825014
SMU_706c_at	1.13		0.81	1.56	0.18	0.32	0.4718692	0.86	0.57	1.12	0.20	0.35	0.5394426
SMU_335_at	1.13		0.99	1.39	0.12	0.22	0.31605858	0.88	0.63	1.09	0.18	0.32	0.5726032
SMU_764_at	1.13		1.01	1.22	0.10	0.18	0.24113098	0.98	0.79	1.21	0.17	0.29	0.93152106
SMU_29_at	1.13		0.98	1.50	0.15	0.26	0.3907665	0.98	0.53	1.77	0.31	0.54	0.9383274
SMU_105_at	1.13		1.05	1.20	0.10	0.17	0.21479243	1.03	0.66	1.65	0.26	0.45	0.9091422
SMU_330_at	1.13		0.86	1.41	0.15	0.26	0.40332094	1.07	0.96	1.29	0.16	0.28	0.64849883
SMU_1477c_at	1.13		1.04	1.27	0.10	0.18	0.24828143	1.07	0.98	1.25	0.15	0.27	0.6612252
SMU_699_at	1.13		1.04	1.28	0.10	0.18	0.25625288	0.89	0.69	1.03	0.17	0.29	0.56673646
SMU_41_at	1.13		0.62	2.91	0.44	0.77	0.75027394	1.48	0.83	3.88	0.60	1.04	0.34699342
SMU_1629c_at	1.13		0.85	1.55	0.17	0.30	0.4663001	0.91	0.70	1.08	0.17	0.29	0.62822855
SMU_138_at	1.13		0.59	1.57	0.29	0.51	0.6502972	0.92	0.53	1.46	0.26	0.45	0.76921535
SMU_574c_at	1.13		0.73	1.96	0.26	0.46	0.6213543	1.01	0.62	1.66	0.27	0.47	0.9732828
SMU_974_at	1.13		0.95	1.27	0.12	0.20	0.30488446	1.00	0.99	1.01	0.14	0.24	0.999394
SMU_1869c_at	1.13		1.04	1.21	0.10	0.17	0.23680678	0.92	0.56	1.40	0.24	0.42	0.7696599
SMU_45_at	1.13		1.02	1.26	0.10	0.18	0.26202792	1.00	0.98	1.03	0.14	0.24	0.9917168
SMU_391c_at	1.13		1.03	1.27	0.10	0.18	0.26544645	0.97	0.83	1.09	0.15	0.26	0.8325897
SMU_812_at	1.12		0.95	1.30	0.12	0.20	0.32000065	1.09	0.93	1.42	0.18	0.31	0.6010886
SMU_156_at	1.12		1.03	1.19	0.10	0.17	0.24549477	0.97	0.78	1.16	0.16	0.28	0.84556603
SMU_1482c_at	1.12		1.02	1.35	0.12	0.20	0.32456404	1.00	0.91	1.09	0.15	0.25	0.99288696
SMU_1809c_at	1.12		0.95	1.40	0.13	0.23	0.36890355	1.27	0.90	2.27	0.32	0.55	0.37563488
SMU_139_at	1.12		0.60	1.86	0.30	0.52	0.67454076	1.00	0.54	1.83	0.32	0.55	0.9882892
SMU_1834c_at	1.12		0.97	1.32	0.12	0.20	0.33073103	0.99	0.85	1.15	0.16	0.27	0.96516573

SMU_1691c_at	1.12		0.84	1.36	0.15	0.26	0.43860906	1.02	0.99	1.08	0.14	0.24	0.8897915
SMU_867_at	1.12		1.09	1.15	0.09	0.16	0.23260264	1.00	0.89	1.11	0.15	0.26	0.9822289
SMU_1383c_at	1.12		0.97	1.23	0.11	0.19	0.3041681	1.07	0.92	1.34	0.17	0.29	0.6655603
SMU_155_at	1.12		0.95	1.24	0.11	0.20	0.31848842	1.00	0.91	1.12	0.15	0.26	0.98205084
SMU_1735c_at	1.12		1.04	1.24	0.10	0.17	0.2690311	0.93	0.78	1.05	0.16	0.27	0.68985724
SMU_1119c_at	1.12		0.92	1.27	0.12	0.21	0.3527063	0.99	0.75	1.31	0.19	0.33	0.96461344
SMU_320_at	1.12		0.98	1.20	0.11	0.18	0.29998857	0.98	0.79	1.17	0.16	0.28	0.8874437
SMU_272_at	1.12		0.83	1.42	0.16	0.28	0.47190937	0.99	0.58	1.65	0.28	0.48	0.96106684
SMU_1811c_at	1.12		0.89	1.35	0.13	0.23	0.40262136	1.13	0.97	1.49	0.18	0.32	0.48562098
SMU_379_at	1.12		1.04	1.17	0.10	0.17	0.26575375	0.90	0.59	1.24	0.21	0.37	0.66912526
SMU_tRNA11_at	1.12		0.87	1.85	0.23	0.40	0.6105842	0.76	0.37	1.17	0.27	0.47	0.449966
SMU_1706_at	1.12		0.97	1.39	0.13	0.22	0.39317966	1.12	0.89	1.58	0.21	0.36	0.5642753
SMU_1414c_at	1.12		1.02	1.21	0.10	0.17	0.287473	1.02	0.98	1.09	0.14	0.25	0.87798655
SMU_1664c_at	1.12		1.01	1.22	0.10	0.17	0.2925514	0.99	0.94	1.03	0.14	0.24	0.9413701
SMU_891_at	1.11		1.02	1.24	0.10	0.18	0.29608616	0.86	0.64	1.00	0.17	0.30	0.4923561
SMU_1492c_at	1.11		0.93	1.24	0.12	0.20	0.36083624	1.05	0.75	1.53	0.22	0.38	0.82630086
SMU_327_at	1.11		0.83	1.47	0.16	0.28	0.4954454	0.95	0.81	1.04	0.15	0.26	0.7382303
SMU_2057c_at	1.11		0.49	2.41	0.42	0.73	0.77336836	1.55	0.95	3.90	0.59	1.02	0.27503696
SMU_1649_at	1.11		0.88	1.36	0.14	0.24	0.4345997	1.18	0.86	1.91	0.26	0.46	0.47940478
SMU_860_at	1.11		0.88	1.31	0.13	0.23	0.4268188	0.96	0.77	1.16	0.17	0.29	0.8380195
SMU_1307c_at	1.11		0.93	1.24	0.12	0.20	0.37646067	1.06	0.97	1.21	0.15	0.26	0.7153641
SMU_tRNA6_s_at	1.11		0.99	1.26	0.11	0.18	0.34327537	1.06	0.93	1.27	0.16	0.28	0.728902
SMU_1126_at	1.11		0.96	1.31	0.12	0.20	0.38422334	1.02	0.70	1.53	0.23	0.40	0.91794217
SMU_2079c_at	1.11		0.99	1.21	0.10	0.18	0.32960942	1.02	0.94	1.14	0.15	0.25	0.8720308
AFFX-DapX-3_at	1.11		0.87	1.62	0.18	0.31	0.563569	1.14	0.82	1.78	0.25	0.43	0.58156943
SMU_1670c_at	1.11		1.06	1.17	0.09	0.16	0.29684946	0.98	0.86	1.10	0.15	0.26	0.91328293
SMU_390_s_at	1.11		0.79	1.44	0.17	0.29	0.54172915	0.99	0.95	1.01	0.14	0.24	0.9344261
SMU_251_at	1.10		0.82	1.43	0.16	0.28	0.5251798	0.88	0.68	1.01	0.17	0.29	0.53535
SMU_465_at	1.10		0.92	1.30	0.12	0.21	0.41051698	1.00	0.98	1.01	0.14	0.24	0.99284035
SMU_293_at	1.10		0.95	1.46	0.14	0.25	0.48460728	1.11	0.97	1.42	0.17	0.30	0.5254801
SMU_1980c_at	1.10		0.69	1.49	0.22	0.37	0.6305238	1.00	0.66	1.52	0.24	0.41	0.98683083
SMU_1806_at	1.10		0.74	1.55	0.20	0.35	0.60728866	0.98	0.45	2.12	0.40	0.69	0.96747845
SMU_1605_at	1.10		0.69	1.61	0.22	0.39	0.64270896	1.06	0.92	1.29	0.16	0.28	0.7276708
SMU_1134c_at	1.10		0.98	1.23	0.10	0.18	0.35761318	1.01	0.88	1.17	0.15	0.27	0.940881

SMU_1352_at	1.10		1.00	1.17	0.10	0.17	0.33507925	1.01	0.88	1.17	0.15	0.27	0.9582033
SMU_2010c_at	1.10		0.99	1.21	0.10	0.18	0.35270223	1.00	0.90	1.12	0.15	0.26	0.9883317
SMU_259_at	1.10		0.98	1.28	0.11	0.19	0.3905718	0.91	0.72	1.05	0.16	0.28	0.62659407
SMU_2064c_at	1.10		0.92	1.37	0.13	0.23	0.46295762	0.96	0.87	1.02	0.14	0.25	0.7948195
SMU_321_at	1.10		0.84	1.33	0.14	0.25	0.4992393	0.89	0.70	1.01	0.16	0.28	0.5561904
AFFX-DapX-M_at	1.10		0.90	1.59	0.18	0.30	0.5775586	1.08	0.81	1.54	0.21	0.37	0.7151999
SMU_1060c_at	1.10		0.83	1.28	0.15	0.25	0.5126575	1.01	0.92	1.12	0.15	0.25	0.94786257
SMU_1947c_at	1.10		1.02	1.18	0.10	0.17	0.34198314	0.85	0.58	1.06	0.19	0.33	0.49221843
SMU_1865_at	1.10		0.84	1.30	0.14	0.25	0.5080032	1.05	0.68	1.70	0.26	0.45	0.85048217
SMU_683_at	1.10		0.98	1.36	0.13	0.22	0.4545214	1.03	0.94	1.16	0.15	0.26	0.84811217
SMU_809_at	1.10		0.84	1.42	0.15	0.27	0.5335603	1.07	0.84	1.46	0.19	0.34	0.7159403
SMU_1990c_at	1.10		0.86	1.30	0.13	0.23	0.48282325	0.95	0.82	1.05	0.15	0.26	0.7627469
SMU_331_at	1.10		0.95	1.23	0.11	0.19	0.40002733	0.96	0.88	1.01	0.14	0.25	0.8018148
SMU_123_at	1.10		0.86	1.26	0.13	0.23	0.48306593	1.03	0.99	1.10	0.14	0.25	0.8360253
SMU_1382c_at	1.10		0.87	1.25	0.13	0.22	0.4754512	1.03	0.80	1.39	0.19	0.33	0.862967
SMU_1736c_at	1.10		0.97	1.22	0.11	0.18	0.39087844	0.91	0.74	1.01	0.16	0.27	0.5970534
SMU_61_at	1.09		0.94	1.19	0.11	0.19	0.41747898	0.87	0.49	1.37	0.26	0.45	0.6595414
SMU_1138c_at	1.09		0.93	1.24	0.11	0.20	0.43404463	1.09	0.98	1.30	0.16	0.28	0.59346706
SMU_1506c_at	1.09		0.94	1.26	0.11	0.20	0.43398866	1.16	0.84	1.87	0.26	0.45	0.5274089
SMU_2099c_at	1.09		0.97	1.25	0.11	0.19	0.42251042	0.96	0.79	1.11	0.16	0.27	0.81154233
SMU_752_at	1.09		1.07	1.12	0.09	0.16	0.34792832	0.96	0.89	1.01	0.14	0.25	0.8123256
SMU_1999c_at	1.09		1.05	1.12	0.09	0.16	0.35388923	1.01	0.96	1.07	0.14	0.25	0.947221
SMU_811_at	1.09		0.91	1.23	0.12	0.20	0.46231344	1.07	0.96	1.26	0.16	0.27	0.6795774
SMU_1086c_at	1.09		0.96	1.18	0.10	0.18	0.41335252	1.00	0.99	1.02	0.14	0.24	0.9767459
SMU_1193_at	1.09		0.68	1.51	0.22	0.38	0.6843483	0.95	0.74	1.15	0.17	0.29	0.7768665
SMU_835_at	1.09		0.88	1.41	0.14	0.25	0.54745966	0.93	0.72	1.12	0.17	0.29	0.7151468
SMU_1856c_at	1.09		0.88	1.29	0.13	0.22	0.5106211	0.97	0.80	1.16	0.16	0.28	0.8796602
SMU_879_at	1.09		0.91	1.20	0.11	0.20	0.46930355	0.97	0.62	1.50	0.24	0.42	0.9204361
SMU_tRNA62_at	1.09		0.74	1.49	0.19	0.33	0.65238947	0.96	0.73	1.24	0.18	0.32	0.8543673
AFFX-PheX-M_at	1.09		0.85	1.77	0.22	0.38	0.6920616	1.22	0.90	1.99	0.27	0.47	0.4141855
SMU_1743c_at	1.09		0.91	1.24	0.12	0.20	0.48294607	1.09	1.00	1.29	0.16	0.27	0.5844728
SMU_1504c_at	1.09		1.01	1.22	0.10	0.18	0.43128568	0.92	0.46	1.66	0.32	0.55	0.7966371
SMU_1688c_at	1.09		0.94	1.20	0.11	0.19	0.45738414	0.92	0.74	1.04	0.16	0.28	0.6373855
SMU_527_at	1.08		0.70	1.55	0.21	0.37	0.6899836	1.20	0.76	2.29	0.34	0.59	0.5266387

SMU_2011c_at	1.08		1.00	1.16	0.10	0.17	0.4202249	0.99	0.85	1.15	0.15	0.27	0.96486384
SMU_927_at	1.08		0.90	1.19	0.12	0.20	0.49446565	1.01	0.86	1.21	0.16	0.28	0.9313915
SMU_1153c_at	1.08		0.86	1.56	0.17	0.30	0.6391635	0.96	0.89	1.00	0.14	0.25	0.80863327
SMU_977_at	1.08		1.06	1.12	0.09	0.16	0.39700708	1.02	0.99	1.08	0.14	0.24	0.87214756
SMU_555_at	1.08		0.89	1.20	0.12	0.21	0.50621873	1.08	0.95	1.31	0.16	0.28	0.64685076
SMU_1073c_at	1.08		0.94	1.28	0.11	0.20	0.49129492	0.99	0.73	1.31	0.19	0.33	0.9468696
SMU_801_at	1.08		0.90	1.30	0.12	0.21	0.5241125	0.99	0.72	1.35	0.20	0.34	0.96054906
SMU_2007c_at	1.08		0.99	1.14	0.10	0.17	0.42990822	0.98	0.88	1.07	0.15	0.25	0.9017893
SMU_tRNA14_s_at	1.08		0.88	1.23	0.12	0.21	0.52570766	0.95	0.65	1.33	0.21	0.36	0.83349717
SMU_1805_at	1.08		0.92	1.27	0.12	0.20	0.50306356	0.91	0.47	1.61	0.31	0.53	0.77595985
SMU_421_at	1.08		0.94	1.23	0.11	0.19	0.48127884	0.94	0.74	1.11	0.16	0.29	0.7273133
SMU_1787c_at	1.08		0.88	1.29	0.13	0.22	0.54113567	1.01	0.64	1.61	0.26	0.44	0.9775282
SMU_1120c_at	1.08		0.94	1.23	0.11	0.19	0.48549244	0.97	0.78	1.17	0.17	0.29	0.8598198
SMU_994_at	1.08		0.95	1.16	0.10	0.18	0.46399736	0.91	0.73	1.04	0.16	0.28	0.62471414
SMU_1040c_at	1.08		0.83	1.30	0.14	0.25	0.59172916	1.03	0.78	1.38	0.19	0.33	0.89444643
SMU_948_at	1.08		0.93	1.19	0.11	0.19	0.4908998	0.96	0.80	1.11	0.16	0.27	0.8288189
SMU_2006c_at	1.08		0.99	1.16	0.10	0.17	0.45329645	1.00	0.79	1.27	0.18	0.31	0.99687266
SMU_1613c_at	1.08		0.88	1.19	0.12	0.21	0.54142827	0.95	0.79	1.08	0.16	0.27	0.7656119
SMU_675_at	1.08		0.94	1.20	0.11	0.19	0.50404656	1.01	0.97	1.06	0.14	0.24	0.9447518
SMU_697_at	1.07		1.04	1.14	0.09	0.16	0.4534624	0.95	0.81	1.06	0.15	0.26	0.7592819
SMU_359_at	1.07		0.92	1.23	0.11	0.19	0.5251292	1.07	0.97	1.26	0.15	0.27	0.65771043
SMU_108_at	1.07		1.04	1.11	0.09	0.16	0.44767228	1.07	0.74	1.62	0.24	0.41	0.7807248
SMU_1001_at	1.07		0.94	1.25	0.11	0.19	0.5304851	0.96	0.76	1.15	0.17	0.29	0.8177869
AFFX-ThrX-M_at	1.07		0.82	1.78	0.22	0.39	0.7415418	1.13	0.83	1.73	0.24	0.41	0.57901824
SMU_2065c_at	1.07		0.86	1.41	0.15	0.25	0.62493104	0.94	0.76	1.09	0.16	0.28	0.7164965
SMU_1154c_at	1.07		0.83	1.50	0.17	0.29	0.66805774	0.99	0.88	1.12	0.15	0.26	0.9721772
SMU_739c_at	1.07		0.49	2.00	0.36	0.63	0.8329896	1.22	0.80	2.28	0.34	0.58	0.4797542
SMU_1288c_at	1.07		1.03	1.15	0.09	0.16	0.46737388	0.97	0.86	1.06	0.15	0.26	0.85422695
SMU_1178c_at	1.07		1.00	1.13	0.10	0.17	0.4778405	0.87	0.65	1.01	0.17	0.30	0.50534016
SMU_415_at	1.07		0.95	1.18	0.10	0.18	0.51342505	0.99	0.91	1.06	0.14	0.25	0.9253376
SMU_2009c_at	1.07		1.00	1.14	0.10	0.17	0.48204118	0.98	0.88	1.08	0.15	0.25	0.92037654
SMU_70_at	1.07		0.90	1.27	0.12	0.21	0.5711566	1.04	0.91	1.25	0.16	0.28	0.78757536
SMU_2078c_at	1.07		0.98	1.15	0.10	0.17	0.4947361	0.97	0.86	1.07	0.15	0.26	0.872167
SMU_1179c_at	1.07		0.88	1.20	0.12	0.21	0.57382196	1.01	0.99	1.02	0.14	0.24	0.9714515

SMU_258_at	1.07		0.94	1.21	0.11	0.19	0.54144466	0.94	0.79	1.04	0.15	0.26	0.69991875
SMU_416_at	1.07		1.03	1.11	0.09	0.16	0.4816518	0.87	0.63	1.04	0.18	0.31	0.515993
SMU_813_at	1.07		0.99	1.13	0.10	0.17	0.5007495	0.95	0.85	1.01	0.15	0.25	0.7475152
SMU_1348c_s_at	1.07		0.88	1.27	0.12	0.21	0.5930693	1.03	0.84	1.28	0.17	0.29	0.8761242
SMU_1313c_at	1.07		0.83	1.33	0.14	0.24	0.6412334	0.97	0.87	1.05	0.15	0.25	0.8424349
SMU_1669c_at	1.07		0.89	1.25	0.12	0.21	0.5899347	1.02	0.77	1.37	0.19	0.33	0.9286244
SMU_1118c_at	1.07		0.89	1.24	0.12	0.20	0.58643085	1.05	0.80	1.43	0.20	0.34	0.8145804
SMU_2066c_at	1.07		0.90	1.26	0.12	0.21	0.5948009	1.03	0.92	1.20	0.15	0.26	0.83953595
SMU_1484c_at	1.07		0.93	1.31	0.12	0.21	0.609948	1.05	0.97	1.19	0.15	0.26	0.74577403
SMU_779_at	1.06		0.95	1.13	0.10	0.17	0.54545003	0.99	0.94	1.04	0.14	0.24	0.96234274
SMU_366_at	1.06		0.81	1.30	0.14	0.25	0.66447026	1.06	0.94	1.28	0.16	0.28	0.70027375
SMU_1136c_at	1.06		0.86	1.23	0.12	0.22	0.62286836	1.03	0.94	1.16	0.15	0.26	0.8535126
SMU_851_at	1.06		0.94	1.17	0.10	0.18	0.5618346	1.07	0.99	1.22	0.15	0.26	0.6677277
SMU_1128c_at	1.06		0.84	1.31	0.14	0.23	0.6529481	1.01	0.86	1.22	0.16	0.28	0.92991495
SMU_1835c_at	1.06		1.02	1.12	0.09	0.16	0.52259403	0.97	0.86	1.07	0.15	0.26	0.85841805
AFFX-r2-Bs-thr-M_s	1.06		0.84	1.69	0.20	0.35	0.7614353	1.12	0.81	1.74	0.24	0.42	0.6085036
AFFX-r2-Bs-dap-M_a	1.06		0.92	1.39	0.14	0.24	0.6712176	0.95	0.78	1.10	0.16	0.27	0.7734935
SMU_414_at	1.06		0.86	1.23	0.12	0.21	0.6362138	1.02	0.98	1.09	0.14	0.25	0.88713884
SMU_922_at	1.06		0.78	1.42	0.16	0.28	0.7211521	1.00	0.72	1.37	0.20	0.35	0.9845259
SMU_1678_at	1.06		0.91	1.28	0.12	0.21	0.63072103	1.15	0.91	1.70	0.22	0.38	0.48679635
SMU_958_s_at	1.06		0.93	1.20	0.11	0.19	0.5999746	1.06	0.83	1.44	0.19	0.33	0.75324994
SMU_tRNA63_s_at	1.06		1.02	1.09	0.09	0.16	0.5438259	1.00	0.64	1.57	0.25	0.43	0.9907525
SMU_1037c_at	1.06		0.80	1.38	0.15	0.26	0.70799124	0.98	0.77	1.22	0.17	0.30	0.9048157
SMU_950_at	1.06		0.89	1.25	0.12	0.20	0.6373032	0.92	0.68	1.13	0.18	0.31	0.6653148
SMU_1615c_at	1.06		0.76	1.29	0.16	0.27	0.7228933	1.02	0.99	1.09	0.14	0.25	0.86944723
SMU_1084c_at	1.06		0.95	1.14	0.10	0.17	0.58840626	0.99	0.98	1.00	0.14	0.24	0.9651956
SMU_1495c_at	1.06		1.04	1.08	0.09	0.16	0.5594649	1.26	0.98	2.02	0.27	0.46	0.3288216
SMU_1107c_at	1.06		0.96	1.16	0.10	0.17	0.597332	1.05	0.94	1.25	0.16	0.27	0.73977333
SMU_1475c_at	1.06		0.79	1.24	0.15	0.25	0.71591055	0.97	0.83	1.10	0.15	0.26	0.844488
SMU_1077_at	1.05		0.91	1.19	0.11	0.19	0.6345365	1.03	0.86	1.26	0.17	0.29	0.8828899
SMU_698_at	1.05		0.99	1.14	0.10	0.17	0.59541255	0.91	0.73	1.05	0.16	0.28	0.62939376
SMU_598_at	1.05		0.92	1.20	0.11	0.19	0.6435754	1.01	0.88	1.15	0.15	0.26	0.9737338
SMU_2014c_at	1.05		0.95	1.17	0.10	0.18	0.6200471	0.97	0.76	1.21	0.17	0.30	0.88288945
SMU_1293c_at	1.05		0.88	1.19	0.11	0.20	0.66049784	0.96	0.87	1.03	0.14	0.25	0.815927

SMU_1008_at	1.05		0.90	1.17	0.11	0.19	0.6488034	0.88	0.58	1.16	0.20	0.35	0.58765346
SMU_1321c_at	1.05		0.90	1.22	0.11	0.20	0.66035855	1.08	0.85	1.49	0.20	0.34	0.6736801
SMU_1483c_at	1.05		0.96	1.22	0.11	0.19	0.64633113	0.95	0.87	1.00	0.14	0.25	0.7662098
AFFX-PheX-3_at	1.05		0.82	1.69	0.21	0.36	0.8067872	1.18	0.95	1.71	0.22	0.38	0.42328015
SMU_256_at	1.05		0.92	1.21	0.11	0.19	0.6532105	0.93	0.70	1.13	0.17	0.30	0.70040154
SMU_748_at	1.05		0.81	1.42	0.16	0.27	0.7522122	0.98	0.80	1.18	0.16	0.28	0.92104214
SMU_08_at	1.05		1.01	1.08	0.09	0.16	0.59764206	0.96	0.61	1.45	0.24	0.41	0.87129617
SMU_750c_at	1.05		0.85	1.34	0.14	0.24	0.7238338	1.40	0.69	4.00	0.64	1.11	0.44690803
SMU_291_at	1.05		0.82	1.34	0.14	0.25	0.7320603	1.22	0.98	1.84	0.24	0.41	0.35503644
SMU_1002_at	1.05		0.84	1.35	0.14	0.24	0.73257434	0.97	0.58	1.56	0.26	0.46	0.90195876
SMU_2026c_at	1.05		1.04	1.06	0.09	0.16	0.6031581	1.00	0.95	1.06	0.14	0.25	0.9790295
SMU_1766c_at	1.05		1.01	1.08	0.09	0.16	0.61344343	1.01	0.92	1.10	0.15	0.25	0.9698281
SMU_2017c_at	1.05		0.98	1.11	0.09	0.16	0.62205213	0.98	0.86	1.09	0.15	0.26	0.8966492
SMU_2016c_at	1.05		1.02	1.07	0.09	0.16	0.6163985	0.96	0.84	1.07	0.15	0.26	0.82367396
SMU_1287_at	1.05		0.95	1.18	0.10	0.18	0.66367066	1.17	0.88	1.83	0.25	0.43	0.48320967
SMU_tRNA31_at	1.05		0.71	1.43	0.19	0.32	0.80832976	0.83	0.51	1.13	0.22	0.38	0.50786394
SMU_1324c_at	1.05		0.91	1.14	0.11	0.18	0.6782168	0.98	0.92	1.02	0.14	0.25	0.8962364
SMU_332_at	1.05		0.99	1.08	0.09	0.16	0.6417726	0.93	0.78	1.01	0.15	0.26	0.65424734
SMU_389_at	1.04		0.95	1.11	0.10	0.17	0.6658746	0.97	0.90	1.01	0.14	0.25	0.8314179
SMU_1091_at	1.04		0.87	1.34	0.13	0.23	0.7524921	1.08	0.99	1.26	0.15	0.27	0.6222433
SMU_132_at	1.04		0.48	2.61	0.43	0.75	0.913552	0.83	0.44	1.30	0.27	0.46	0.57489574
SMU_2161c_at	1.04		0.95	1.20	0.11	0.18	0.6919228	0.95	0.73	1.20	0.18	0.31	0.8081926
SMU_358_at	1.04		0.93	1.16	0.10	0.18	0.6873814	1.13	0.99	1.48	0.18	0.31	0.4659065
SMU_1739c_at	1.04		0.93	1.17	0.10	0.18	0.6904988	0.94	0.75	1.10	0.16	0.28	0.727395
SMU_2020c_at	1.04		0.96	1.13	0.10	0.17	0.674101	0.96	0.86	1.03	0.15	0.25	0.8112509
SMU_2022c_at	1.04		0.97	1.12	0.10	0.17	0.67002285	0.97	0.82	1.11	0.15	0.27	0.85935444
AFFX-r2-Bs-dap-5_at	1.04		0.86	1.37	0.14	0.24	0.77150893	0.98	0.78	1.20	0.17	0.29	0.9029111
SMU_157_at	1.04		0.89	1.15	0.11	0.19	0.71097356	0.93	0.80	1.02	0.15	0.26	0.6922178
SMU_1129c_at	1.04		0.85	1.35	0.14	0.24	0.7710738	1.08	0.95	1.32	0.16	0.28	0.6476072
SMU_1258c_at	1.04		0.96	1.15	0.10	0.17	0.69586104	1.09	0.93	1.40	0.17	0.30	0.6017895
SMU_1499c_at	1.04		0.89	1.18	0.11	0.19	0.7291716	0.91	0.70	1.08	0.17	0.29	0.6298641
SMU_1614c_at	1.04		0.83	1.19	0.13	0.22	0.7610975	0.96	0.87	1.01	0.14	0.25	0.7877689
SMU_980_at	1.04		0.86	1.31	0.13	0.23	0.77427316	1.00	0.69	1.46	0.22	0.38	0.9870409
SMU_65_at	1.04		0.96	1.09	0.10	0.17	0.6967934	1.05	0.98	1.17	0.15	0.25	0.753627

SMU_1194_at	1.04		0.74	1.24	0.16	0.28	0.8139963	0.92	0.73	1.07	0.16	0.28	0.6507519
SMU_971_at	1.04		0.82	1.21	0.13	0.22	0.78339785	1.02	1.00	1.05	0.14	0.24	0.9173675
AFFX-LysX-M_at	1.04		0.74	1.88	0.25	0.44	0.8839327	1.26	0.95	2.10	0.29	0.49	0.3514097
SMU_357_at	1.04		0.96	1.11	0.10	0.17	0.71649903	1.06	0.97	1.22	0.15	0.26	0.7091501
SMU_993_at	1.04		0.92	1.12	0.10	0.18	0.7344035	1.00	0.95	1.07	0.14	0.25	0.9825713
SMU_1389c_at	1.04		0.90	1.16	0.11	0.18	0.7482248	0.95	0.77	1.11	0.16	0.28	0.7645989
SMU_1115_at	1.04		0.84	1.22	0.12	0.21	0.78301066	1.11	0.91	1.51	0.19	0.34	0.56415933
SMU_663_at	1.03		0.74	1.45	0.18	0.31	0.84719545	1.09	0.88	1.49	0.19	0.34	0.6330645
SMU_674_at	1.03		0.94	1.11	0.10	0.17	0.7374471	1.03	0.97	1.13	0.14	0.25	0.8390238
SMU_2075c_at	1.03		0.84	1.22	0.12	0.21	0.78887725	0.99	0.84	1.15	0.16	0.27	0.9308795
SMU_378_at	1.03		0.78	1.39	0.16	0.27	0.8326693	1.09	0.92	1.40	0.18	0.30	0.62516314
SMU_777_at	1.03		0.90	1.12	0.11	0.18	0.75833625	0.94	0.81	1.02	0.15	0.26	0.7137366
SMU_189_s_at	1.03		1.01	1.05	0.09	0.16	0.7236835	0.87	0.64	1.03	0.17	0.30	0.5223031
SMU_1142c_at	1.03		0.94	1.15	0.10	0.17	0.75272775	0.99	0.89	1.08	0.15	0.25	0.9303538
SMU_1741c_at	1.03		0.91	1.16	0.11	0.18	0.7699767	0.93	0.79	1.03	0.15	0.26	0.6839378
SMU_286_at	1.03		0.93	1.10	0.10	0.17	0.7599068	0.99	0.89	1.10	0.15	0.25	0.96410847
SMU_780_at	1.03		0.94	1.09	0.10	0.17	0.75986344	0.96	0.85	1.06	0.15	0.26	0.82343084
SMU_610_at	1.03		0.86	1.19	0.12	0.20	0.7981606	0.99	0.71	1.38	0.20	0.35	0.9795876
SMU_973_at	1.03		0.86	1.18	0.11	0.20	0.79807436	0.96	0.88	1.00	0.14	0.25	0.78678703
SMU_804_at	1.03		0.90	1.19	0.11	0.19	0.78998715	0.96	0.86	1.03	0.15	0.25	0.806727
SMU_505_at	1.03		0.98	1.14	0.10	0.17	0.767579	0.96	0.86	1.05	0.15	0.25	0.8223388
AFFX-r2-Ec-bioC-5_a	1.03		0.87	1.40	0.15	0.26	0.8483181	1.11	0.94	1.44	0.18	0.32	0.5645013
SMU_1623c_at	1.03		0.88	1.21	0.11	0.20	0.80021214	0.98	0.80	1.16	0.16	0.28	0.89057845
SMU_1989c_at	1.03		0.85	1.16	0.12	0.20	0.8050882	0.95	0.76	1.14	0.17	0.29	0.79822624
SMU_tRNA15_s_at	1.03		0.82	1.60	0.19	0.33	0.88077146	1.08	0.58	2.15	0.36	0.62	0.81763434
SMU_1859c_at	1.03		0.92	1.13	0.10	0.17	0.7882456	1.10	0.99	1.33	0.16	0.28	0.5604259
SMU_747c_at	1.03		0.84	1.18	0.12	0.21	0.8218846	0.95	0.70	1.23	0.19	0.32	0.8068434
SMU_1508c_at	1.03		1.01	1.05	0.09	0.16	0.76727647	1.24	0.88	2.17	0.31	0.53	0.41456607
SMU_2067c_at	1.03		0.85	1.13	0.12	0.20	0.8159892	0.90	0.72	1.02	0.16	0.28	0.5870334
SMU_2012c_at	1.03		1.00	1.05	0.09	0.16	0.7732874	0.94	0.80	1.05	0.15	0.27	0.73481935
SMU_1238c_at	1.03		0.86	1.16	0.11	0.20	0.8159809	1.08	0.94	1.33	0.17	0.29	0.6417751
SMU_1918c_at	1.03		0.88	1.19	0.11	0.19	0.8164258	1.02	0.92	1.17	0.15	0.26	0.8772044
SMU_1311c_at	1.03		0.88	1.20	0.11	0.20	0.8184397	1.00	0.95	1.05	0.14	0.24	0.98567605
SMU_2015c_at	1.03		0.90	1.14	0.10	0.18	0.81389815	0.93	0.72	1.11	0.17	0.29	0.70162785

SMU_1215c_at	1.03		0.85	1.14	0.12	0.20	0.83368385	0.97	0.83	1.11	0.15	0.27	0.85310334
SMU_1137c_at	1.03		0.85	1.15	0.11	0.20	0.8344043	1.01	0.91	1.15	0.15	0.26	0.9352622
SMU_tRNA17_s_at	1.02		0.85	1.18	0.12	0.20	0.8452091	0.96	0.70	1.25	0.19	0.33	0.83405703
SMU_1085c_at	1.02		0.81	1.22	0.13	0.22	0.86708575	1.02	0.92	1.15	0.15	0.26	0.89526093
SMU_tRNA59_s_at	1.02		1.02	1.03	0.09	0.16	0.81473964	0.99	0.62	1.57	0.25	0.44	0.97684455
SMU_233_at	1.02		0.95	1.09	0.10	0.17	0.82998806	0.95	0.81	1.07	0.15	0.26	0.780478
SMU_2025c_at	1.02		0.95	1.09	0.10	0.17	0.83185303	0.99	0.91	1.05	0.14	0.25	0.9274337
SMU_30_at	1.02		0.83	1.36	0.14	0.25	0.8877948	0.85	0.48	1.28	0.25	0.43	0.5899506
SMU_776_at	1.02		0.84	1.19	0.12	0.21	0.86866593	0.94	0.82	1.00	0.15	0.26	0.690201
SMU_257_at	1.02		0.90	1.12	0.10	0.18	0.85947263	0.91	0.68	1.10	0.18	0.30	0.63158476
SMU_1232c_at	1.02		0.88	1.10	0.11	0.18	0.8684489	1.20	0.96	1.80	0.23	0.40	0.3884966
SMU_2021c_at	1.02		0.97	1.09	0.09	0.16	0.8545411	0.93	0.78	1.03	0.15	0.27	0.6879181
SMU_955_at	1.02		0.98	1.05	0.09	0.16	0.857727	1.00	0.98	1.02	0.14	0.24	0.9933061
SMU_1595c_at	1.02		0.77	1.27	0.14	0.25	0.9094014	0.97	0.89	1.04	0.14	0.25	0.8597208
SMU_1617c_at	1.02		0.83	1.13	0.12	0.20	0.8900655	0.99	0.93	1.03	0.14	0.25	0.9246692
SMU_2049c_at	1.02		0.75	1.30	0.15	0.26	0.9181912	1.03	0.85	1.27	0.17	0.29	0.88432086
SMU_790_at	1.02		0.75	1.19	0.15	0.25	0.91509366	0.78	0.36	1.33	0.31	0.53	0.52538854
SMU_1790c_at	1.02		0.91	1.21	0.11	0.20	0.89190316	1.07	0.94	1.30	0.16	0.28	0.6825074
SMU_778_at	1.02		0.84	1.14	0.11	0.20	0.8943411	0.96	0.89	1.00	0.14	0.25	0.8155469
SMU_1600c_at	1.02		0.81	1.18	0.13	0.22	0.9065419	1.04	0.76	1.49	0.21	0.37	0.840795
SMU_923_at	1.02		0.77	1.33	0.15	0.26	0.9214107	0.96	0.81	1.10	0.15	0.27	0.82583386
SMU_1403c_at	1.01		0.90	1.08	0.10	0.17	0.8945446	0.84	0.54	1.09	0.21	0.36	0.4930659
SMU_1378_at	1.01		0.60	1.46	0.23	0.39	0.95133775	0.96	0.82	1.10	0.15	0.27	0.83136386
SMU_1204c_at	1.01		0.88	1.17	0.11	0.19	0.90710944	1.01	0.99	1.05	0.14	0.24	0.9246839
SMU_1616c_at	1.01		0.82	1.18	0.12	0.21	0.9165886	0.96	0.88	1.00	0.14	0.25	0.78984994
SMU_796_at	1.01		0.80	1.16	0.13	0.22	0.9219375	0.90	0.70	1.03	0.16	0.28	0.5718517
SMU_1303c_at	1.01		0.79	1.21	0.13	0.23	0.9275484	0.92	0.70	1.12	0.17	0.30	0.67981046
SMU_826_at	1.01		0.82	1.15	0.12	0.21	0.92877966	0.98	0.87	1.06	0.15	0.25	0.8748142
SMU_1135c_at	1.01		0.86	1.13	0.11	0.19	0.92293406	0.96	0.86	1.03	0.15	0.25	0.79558045
SMU_2008c_at	1.01		0.97	1.05	0.09	0.16	0.91604257	0.94	0.79	1.05	0.15	0.27	0.708808
AFFX-TrpnX-3_at	1.01		0.80	1.35	0.15	0.27	0.9491628	1.02	0.91	1.18	0.16	0.27	0.88006777
AFFX-TrpnX-5_at	1.01		0.87	1.23	0.13	0.22	0.9396623	1.10	0.91	1.45	0.19	0.32	0.6053086
SMU_1437c_at	1.01		0.85	1.14	0.11	0.19	0.93562496	1.01	0.85	1.21	0.16	0.28	0.95357233
SMU_1560_at	1.01		0.79	1.34	0.15	0.25	0.95524734	0.87	0.43	1.55	0.31	0.54	0.69582635

SMU_1405c_at	1.01		0.91	1.13	0.10	0.18	0.9432229	0.94	0.72	1.16	0.17	0.30	0.7615903
SMU_1156c_at	1.01		0.84	1.31	0.14	0.23	0.9569524	0.96	0.86	1.03	0.15	0.25	0.7980416
SMU_1296_at	1.01		0.65	1.44	0.20	0.34	0.9706739	1.05	0.46	2.52	0.46	0.80	0.911222
SMU_2019c_at	1.01		0.94	1.04	0.09	0.16	0.9455072	0.93	0.72	1.14	0.17	0.30	0.7261408
SMU_1456c_at	1.01		0.97	1.05	0.09	0.16	0.94728184	0.97	0.76	1.18	0.17	0.29	0.8500609
SMU_824_at	1.01		0.89	1.12	0.10	0.18	0.9527417	1.02	1.00	1.06	0.14	0.24	0.89650816
SMU_1467c_at	1.01		0.83	1.15	0.12	0.20	0.96355915	0.95	0.75	1.14	0.17	0.29	0.7784729
AFFX-r2-P1-cre-5_at	1.00		0.82	1.34	0.15	0.26	0.9757316	1.02	0.82	1.32	0.18	0.32	0.8981087
SMU_1527c_at	1.00		0.94	1.05	0.09	0.16	0.9620905	0.98	0.82	1.16	0.16	0.27	0.9275966
SMU_1921c_at	1.00		0.80	1.24	0.13	0.23	0.9730545	1.06	0.92	1.29	0.16	0.28	0.723639
SMU_676_at	1.00		0.88	1.11	0.10	0.18	0.96768373	1.00	0.82	1.22	0.17	0.29	0.99159825
SMU_572_at	1.00		0.79	1.19	0.13	0.22	0.97560906	0.95	0.83	1.02	0.15	0.25	0.74449706
SMU_1054_at	1.00		0.87	1.15	0.11	0.19	0.97402334	0.95	0.73	1.18	0.18	0.30	0.7955572
SMU_2023c_at	1.00		0.89	1.12	0.10	0.18	0.9755679	0.99	0.65	1.47	0.23	0.40	0.95753354
SMU_1556c_at	1.00		0.88	1.12	0.10	0.18	0.97674865	1.02	0.86	1.23	0.16	0.28	0.90453815
SMU_487_at	1.00		0.92	1.06	0.10	0.17	0.97668	1.18	1.00	1.64	0.20	0.35	0.38575977
SMU_684_at	1.00		0.89	1.19	0.11	0.19	0.9821995	0.83	0.51	1.11	0.22	0.38	0.4886568
AFFX-r2-Ec-bioB-3_at	1.00		0.84	1.31	0.14	0.24	0.9882764	1.10	0.95	1.41	0.18	0.31	0.56914747
SMU_2140c_at	1.00		0.88	1.07	0.10	0.18	0.98475486	1.01	0.97	1.08	0.14	0.25	0.92418253
SMU_1500c_at	1.00		0.71	1.35	0.17	0.29	0.99168146	0.92	0.74	1.07	0.16	0.28	0.6672403
SMU_1233c_at	1.00		0.81	1.19	0.12	0.21	0.9899641	1.05	0.88	1.33	0.17	0.30	0.76380396
SMU_1399_at	1.00		0.80	1.48	0.18	0.31	0.99338824	0.99	0.69	1.40	0.21	0.37	0.9687404
SMU_957_at	1.00		0.96	1.04	0.09	0.16	0.98769295	0.95	0.77	1.11	0.16	0.28	0.76488566
SMU_759_at	1.00		0.86	1.08	0.11	0.18	0.99571425	0.98	0.90	1.05	0.14	0.25	0.9014664
SMU_1476c_at	1.00		0.76	1.20	0.14	0.24	0.99560076	0.92	0.73	1.06	0.16	0.28	0.649842
SMU_857_at	1.00		0.85	1.10	0.11	0.19	0.9934468	1.02	0.99	1.07	0.14	0.24	0.8883626
AFFX-r2-Bs-thr-3_s_at	1.00		0.78	1.60	0.20	0.35	0.9963331	1.12	0.84	1.67	0.23	0.39	0.59139544
SMU_1228c_at	1.00		0.81	1.22	0.13	0.22	0.99342185	1.02	0.87	1.20	0.16	0.27	0.9213205
SMU_659_at	1.00		0.78	1.25	0.14	0.23	0.989463	0.99	0.69	1.39	0.21	0.36	0.9588078
SMU_1920c_at	1.00		0.81	1.20	0.12	0.21	0.98065716	1.02	0.93	1.13	0.15	0.25	0.91605544
SMU_387_at	1.00		0.75	1.23	0.14	0.25	0.9777366	0.83	0.54	1.05	0.20	0.35	0.4663377
SMU_2072c_at	1.00		0.85	1.11	0.11	0.19	0.96650743	1.09	0.79	1.65	0.23	0.40	0.68614924
SMU_1229c_at	0.99	1.01	0.77	1.23	0.13	0.23	0.971142	1.14	0.89	1.66	0.22	0.38	0.5202912
SMU_tRNA33_at	0.99	1.01	0.75	1.34	0.15	0.27	0.97399473	0.81	0.48	1.12	0.23	0.39	0.48127335

SMU_756_at	0.99	1.01	0.93	1.05	0.09	0.16	0.9575254	0.97	0.88	1.03	0.14	0.25	0.8365526
SMU_540_at	0.99	1.01	0.93	1.04	0.09	0.16	0.95712525	0.99	0.84	1.15	0.16	0.27	0.94108135
AFFX-PheX-5_at	0.99	1.01	0.80	1.43	0.16	0.28	0.97387034	1.09	0.80	1.59	0.22	0.38	0.69507855
SMU_1241c_at	0.99	1.01	0.82	1.16	0.12	0.20	0.96408063	1.08	0.94	1.36	0.17	0.29	0.6233895
SMU_1388_at	0.99	1.01	0.83	1.18	0.12	0.20	0.9620181	1.02	0.79	1.33	0.18	0.32	0.9275154
SMU_243_at	0.99	1.01	0.85	1.13	0.11	0.19	0.95889634	1.04	0.90	1.24	0.16	0.27	0.8142873
SMU_500_at	0.99	1.01	0.92	1.13	0.10	0.18	0.95340437	1.18	0.90	1.81	0.24	0.42	0.45517159
SMU_1849c_at	0.99	1.01	0.78	1.27	0.14	0.24	0.9646905	0.90	0.71	1.02	0.16	0.28	0.5689333
SMU_1214c_at	0.99	1.01	0.76	1.18	0.14	0.24	0.96237695	0.97	0.85	1.07	0.15	0.26	0.8388717
SMU_472_at	0.99	1.01	0.85	1.10	0.11	0.19	0.9512077	0.94	0.75	1.09	0.16	0.28	0.7128617
SMU_800_at	0.99	1.01	0.88	1.06	0.10	0.17	0.94267535	1.10	0.82	1.63	0.22	0.39	0.65031433
SMU_970_at	0.99	1.01	0.92	1.06	0.10	0.17	0.93819493	0.95	0.85	1.02	0.15	0.25	0.7735234
SMU_tRNA39_s_at	0.99	1.01	0.75	1.26	0.14	0.25	0.95588773	0.91	0.70	1.06	0.17	0.29	0.61344534
SMU_754_at	0.99	1.01	0.88	1.08	0.10	0.18	0.9341272	0.95	0.85	1.01	0.14	0.25	0.7502387
SMU_781_at	0.99	1.01	0.83	1.14	0.11	0.20	0.94078994	1.03	0.96	1.13	0.14	0.25	0.85736096
SMU_1922c_at	0.99	1.01	0.90	1.06	0.10	0.17	0.9296144	0.98	0.91	1.03	0.14	0.25	0.8775252
SMU_1875_at	0.99	1.01	0.77	1.26	0.14	0.24	0.9501227	0.96	0.82	1.06	0.15	0.26	0.78518176
SMU_109_at	0.99	1.01	0.72	1.27	0.15	0.27	0.95433766	0.94	0.74	1.12	0.17	0.29	0.7252366
SMU_593_at	0.99	1.01	0.92	1.04	0.09	0.16	0.92615294	1.13	0.77	1.90	0.28	0.48	0.6167418
SMU_585_at	0.99	1.01	0.72	1.28	0.16	0.27	0.9536778	0.95	0.82	1.05	0.15	0.26	0.7684737
SMU_388_at	0.99	1.01	0.83	1.14	0.11	0.20	0.9350451	0.97	0.86	1.07	0.15	0.26	0.8720766
SMU_1851c_at	0.99	1.01	0.78	1.21	0.13	0.23	0.9391877	0.90	0.63	1.14	0.19	0.33	0.6200761
SMU_1230c_at	0.99	1.01	0.84	1.09	0.11	0.19	0.9243093	1.10	0.94	1.42	0.18	0.31	0.56548613
SMU_2125_at	0.99	1.01	0.94	1.03	0.09	0.16	0.91132444	1.04	0.99	1.15	0.15	0.25	0.7654198
SMU_2071c_at	0.99	1.01	0.86	1.15	0.11	0.19	0.9238434	1.06	0.71	1.67	0.25	0.43	0.82167524
SMU_746c_at	0.99	1.01	0.74	1.18	0.14	0.24	0.9389929	0.95	0.64	1.33	0.21	0.37	0.825931
SMU_1304c_at	0.99	1.01	0.78	1.14	0.12	0.22	0.9274324	0.94	0.78	1.06	0.16	0.27	0.7196172
SMU_685_at	0.99	1.01	0.76	1.48	0.18	0.31	0.9483512	0.75	0.36	1.18	0.28	0.49	0.45174527
AFFX-DapX-5_at	0.99	1.01	0.82	1.36	0.15	0.26	0.938247	1.04	0.73	1.52	0.22	0.39	0.87411827
SMU_rRNA3_s_at	0.99	1.01	0.86	1.13	0.11	0.19	0.91291016	1.04	0.85	1.31	0.17	0.30	0.8412207
SMU_1919c_at	0.99	1.01	0.82	1.15	0.12	0.20	0.9183998	1.04	0.92	1.23	0.16	0.27	0.79955715
SMU_968_at	0.99	1.01	0.84	1.10	0.11	0.19	0.9130647	0.96	0.89	1.01	0.14	0.25	0.8096105
SMU_1216c_at	0.99	1.01	0.75	1.18	0.14	0.24	0.929588	0.98	0.85	1.10	0.15	0.26	0.87923163
SMU_1372c_at	0.99	1.01	0.81	1.15	0.12	0.21	0.91882706	0.94	0.81	1.01	0.15	0.26	0.6980007

SMU_1858c_at	0.99	1.01	0.95	1.04	0.09	0.16	0.8956723	1.04	0.91	1.23	0.16	0.27	0.81778836
SMU_488_at	0.99	1.01	0.90	1.05	0.10	0.17	0.8950218	1.10	0.96	1.38	0.17	0.30	0.576023
SMU_1958c_at	0.99	1.01	0.78	1.25	0.13	0.23	0.92015105	1.07	0.91	1.36	0.17	0.30	0.67278415
SMU_714_at	0.99	1.01	0.86	1.08	0.10	0.18	0.8964504	1.07	0.94	1.31	0.16	0.28	0.6605421
SMU_rRNA2_s_at	0.99	1.01	0.88	1.08	0.10	0.17	0.8932451	1.02	0.90	1.18	0.15	0.27	0.9072774
SMU_1072c_at	0.99	1.01	0.81	1.35	0.15	0.26	0.9261438	0.92	0.32	2.44	0.52	0.90	0.8717236
SMU_1745c_at	0.99	1.02	0.97	1.00	0.09	0.16	0.8784379	1.00	0.98	1.03	0.14	0.24	0.994047
SMU_1860c_at	0.98	1.02	0.93	1.02	0.09	0.16	0.87424916	1.01	0.91	1.14	0.15	0.26	0.9445264
SMU_rRNA1_s_at	0.98	1.02	0.88	1.08	0.10	0.17	0.8814584	1.03	0.91	1.22	0.16	0.27	0.831113
SMU_1319c_at	0.98	1.02	0.78	1.27	0.14	0.24	0.9113369	1.06	0.81	1.48	0.20	0.35	0.7527593
SMU_690_at	0.98	1.02	0.88	1.11	0.10	0.18	0.8796559	1.03	0.91	1.19	0.15	0.26	0.8712423
SMU_1108c_at	0.98	1.02	0.83	1.13	0.11	0.19	0.8884334	0.95	0.77	1.11	0.16	0.28	0.7803654
SMU_819c_at	0.98	1.02	0.87	1.09	0.10	0.18	0.8748732	1.07	0.88	1.40	0.18	0.31	0.6872216
SMU_342_at	0.98	1.02	0.75	1.24	0.14	0.24	0.905746	0.98	0.82	1.14	0.16	0.27	0.89253986
SMU_334_at	0.98	1.02	0.91	1.11	0.10	0.18	0.8713906	1.30	0.97	2.24	0.31	0.53	0.318925
SMU_952_at	0.98	1.02	0.76	1.21	0.13	0.23	0.8996097	1.04	0.92	1.23	0.16	0.27	0.78443646
SMU_1088_at	0.98	1.02	0.87	1.07	0.10	0.18	0.8668555	1.09	0.90	1.44	0.18	0.32	0.6197387
AFFX-r2-Bs-lys-5_at	0.98	1.02	0.77	1.41	0.16	0.28	0.91126096	1.11	0.94	1.44	0.18	0.31	0.55617553
SMU_2018c_at	0.98	1.02	0.93	1.01	0.09	0.16	0.8462171	0.90	0.70	1.03	0.17	0.29	0.574867
SMU_1430_at	0.98	1.02	0.90	1.09	0.10	0.17	0.8490914	1.06	0.94	1.26	0.16	0.27	0.71840775
SMU_447_at	0.98	1.02	0.86	1.13	0.11	0.19	0.8585962	0.89	0.52	1.35	0.25	0.43	0.6766032
SMU_2139c_at	0.98	1.02	0.89	1.08	0.10	0.17	0.8404625	1.03	1.00	1.11	0.14	0.25	0.8155401
SMU_507_at	0.98	1.02	0.86	1.14	0.11	0.19	0.8518048	1.00	0.91	1.10	0.15	0.25	0.9881967
SMU_51_at	0.98	1.02	0.82	1.21	0.12	0.21	0.8608795	0.87	0.62	1.07	0.18	0.32	0.5367995
SMU_582_at	0.98	1.02	0.72	1.14	0.14	0.25	0.8788582	1.02	0.83	1.28	0.17	0.30	0.9048264
SMU_1239c_at	0.98	1.02	0.81	1.09	0.11	0.20	0.8497063	1.04	0.95	1.18	0.15	0.26	0.797243
SMU_1387_at	0.98	1.02	0.80	1.18	0.12	0.21	0.8578977	1.07	0.82	1.49	0.20	0.35	0.7365368
SMU_402c_at	0.98	1.02	0.75	1.20	0.13	0.23	0.87052983	1.06	0.94	1.26	0.16	0.27	0.71459943
SMU_1774c_at	0.98	1.02	0.84	1.06	0.11	0.19	0.8373237	0.93	0.65	1.25	0.20	0.34	0.75335366
SMU_31_at	0.98	1.02	0.89	1.03	0.10	0.17	0.8193318	0.80	0.51	1.00	0.20	0.35	0.40737724
SMU_431_at	0.98	1.02	0.87	1.08	0.10	0.17	0.8254584	1.05	0.91	1.26	0.16	0.28	0.7755315
SMU_1784c_at	0.98	1.02	0.81	1.15	0.12	0.20	0.8447879	1.00	0.93	1.08	0.14	0.25	0.9974597
SMU_765_at	0.98	1.02	0.84	1.08	0.11	0.19	0.8321235	0.90	0.65	1.13	0.19	0.32	0.63011885
SMU_755_at	0.98	1.03	0.86	1.04	0.10	0.18	0.82243013	0.97	0.81	1.13	0.16	0.27	0.8668272

SMU_969_at	0.98	1.03	0.77	1.18	0.13	0.22	0.85717905	0.97	0.90	1.01	0.14	0.25	0.8428591
SMU_701c_at	0.97	1.03	0.86	1.06	0.10	0.18	0.81511045	1.01	0.99	1.05	0.14	0.24	0.9322288
SMU_133c_at	0.97	1.03	0.53	1.43	0.25	0.43	0.9202309	0.99	0.62	1.58	0.26	0.44	0.9776118
SMU_1687c_at	0.97	1.03	0.83	1.12	0.11	0.19	0.8258376	1.01	0.76	1.35	0.19	0.33	0.9584821
SMU_1843_at	0.97	1.03	0.83	1.19	0.12	0.20	0.8359214	0.95	0.65	1.30	0.21	0.36	0.8080546
SMU_tRNA29_s_at	0.97	1.03	0.75	1.23	0.14	0.24	0.8582769	0.92	0.71	1.09	0.17	0.29	0.64849824
SMU_563_at	0.97	1.03	0.88	1.11	0.10	0.18	0.8114804	1.26	0.99	2.03	0.27	0.47	0.3252947
AFFX-yel005_5_at	0.97	1.03	0.85	1.13	0.12	0.21	0.8316254	1.00	0.86	1.16	0.16	0.28	0.9921209
SMU_553_at	0.97	1.03	0.84	1.06	0.10	0.18	0.8037413	1.03	0.99	1.10	0.14	0.25	0.85412234
SMU_43_at	0.97	1.03	0.91	1.05	0.10	0.16	0.7818037	1.09	0.86	1.51	0.20	0.34	0.64355683
SMU_605_at	0.97	1.03	0.84	1.05	0.11	0.18	0.8020603	1.05	0.99	1.16	0.15	0.25	0.7509433
SMU_1531c_at	0.97	1.03	0.93	1.03	0.09	0.16	0.7743831	1.03	0.92	1.18	0.15	0.26	0.85712606
SMU_1767c_at	0.97	1.03	0.87	1.06	0.10	0.17	0.78258395	0.98	0.88	1.06	0.15	0.25	0.87423635
AFFX-r2-Bs-phe-5_at	0.97	1.03	0.74	1.55	0.20	0.34	0.8847411	1.02	0.79	1.34	0.18	0.32	0.91156024
SMU_944_at	0.97	1.03	0.78	1.15	0.12	0.21	0.8177785	1.05	0.61	1.88	0.31	0.53	0.87445617
SMU_35_at	0.97	1.03	0.76	1.42	0.17	0.29	0.86309475	0.86	0.41	1.57	0.32	0.56	0.689538
SMU_33_at	0.97	1.03	0.89	1.08	0.10	0.17	0.77530825	0.84	0.53	1.13	0.21	0.37	0.5160374
AFFX-yel006_M_at	0.97	1.03	0.90	1.11	0.11	0.19	0.79345715	1.01	0.85	1.22	0.17	0.29	0.95122296
SMU_2081_at	0.97	1.03	0.75	1.30	0.15	0.25	0.8414559	1.06	0.98	1.22	0.15	0.26	0.6930657
SMU_741_at	0.97	1.03	0.67	1.40	0.18	0.31	0.8675134	0.96	0.70	1.28	0.19	0.33	0.85325557
SMU_858_at	0.97	1.03	0.78	1.11	0.12	0.21	0.8065735	1.00	0.96	1.04	0.14	0.24	0.99699485
SMU_1671c_at	0.97	1.03	0.90	1.05	0.10	0.17	0.7556022	0.95	0.71	1.19	0.18	0.31	0.7748284
SMU_1744c_at	0.97	1.03	0.91	1.05	0.10	0.17	0.7523517	1.08	0.97	1.28	0.16	0.27	0.63724905
AFFX-r2-Bs-phe-3_at	0.97	1.03	0.62	1.79	0.25	0.44	0.9008941	1.47	0.92	3.45	0.52	0.90	0.2994418
SMU_825_at	0.97	1.03	0.80	1.06	0.11	0.20	0.7881626	1.00	0.95	1.05	0.14	0.24	0.9958711
AFFX-r2-Bs-phe-M a	0.97	1.03	0.80	1.29	0.14	0.24	0.8253179	1.03	0.85	1.29	0.17	0.30	0.8601547
SMU_926_at	0.97	1.03	0.81	1.07	0.11	0.19	0.78382283	0.91	0.70	1.08	0.17	0.29	0.6339344
SMU_1836c_at	0.97	1.03	0.86	1.05	0.10	0.17	0.75729424	1.00	0.97	1.04	0.14	0.24	0.9740812
SMU_660_at	0.97	1.04	0.77	1.36	0.16	0.27	0.8341557	0.96	0.69	1.30	0.20	0.34	0.8605599
SMU_1569_at	0.97	1.04	0.77	1.27	0.14	0.24	0.8154188	0.97	0.54	1.70	0.30	0.52	0.91860205
SMU_928_at	0.96	1.04	0.73	1.17	0.14	0.24	0.8116981	1.07	0.88	1.41	0.18	0.31	0.6881661
SMU_791c_at	0.96	1.04	0.50	1.59	0.27	0.48	0.9001783	0.85	0.54	1.12	0.21	0.36	0.51619023
SMU_508_at	0.96	1.04	0.85	1.21	0.12	0.21	0.7884441	0.94	0.79	1.05	0.15	0.27	0.7171217
SMU_986c_at	0.96	1.04	0.80	1.09	0.11	0.20	0.77356553	1.00	0.51	1.95	0.35	0.60	0.99510527

SMU_479_at	0.96	1.04	0.87	1.02	0.10	0.17	0.73699635	1.11	0.89	1.53	0.20	0.34	0.5892371
SMU_1205c_at	0.96	1.04	0.83	1.06	0.10	0.18	0.7537923	0.98	0.85	1.11	0.15	0.26	0.89811677
SMU_273_at	0.96	1.04	0.73	1.22	0.14	0.25	0.81349707	0.85	0.52	1.19	0.22	0.39	0.5587848
SMU_818_at	0.96	1.04	0.92	1.00	0.09	0.16	0.7157229	0.96	0.70	1.28	0.19	0.33	0.8580454
SMU_1240c_at	0.96	1.04	0.75	1.15	0.13	0.22	0.78955686	1.07	0.89	1.38	0.18	0.31	0.69689715
AFFX-LysX-5_at	0.96	1.04	0.71	1.53	0.19	0.33	0.8557988	1.10	0.80	1.64	0.23	0.40	0.6733029
SMU_960_at	0.96	1.04	0.89	1.07	0.10	0.17	0.72652507	1.01	0.79	1.29	0.18	0.31	0.9705217
SMU_2090c_at	0.96	1.04	0.88	1.05	0.10	0.17	0.72098917	0.94	0.76	1.10	0.16	0.28	0.7355316
SMU_562c_at	0.96	1.04	0.81	1.18	0.12	0.21	0.76602024	0.88	0.55	1.22	0.22	0.38	0.61459035
SMU_141_at	0.96	1.04	0.50	1.53	0.27	0.47	0.88996595	0.86	0.43	1.47	0.30	0.52	0.65509605
SMU_1847c_at	0.96	1.04	0.84	1.08	0.10	0.18	0.72812504	1.08	0.96	1.30	0.16	0.28	0.640342
SMU_635_at	0.96	1.04	0.70	1.12	0.14	0.25	0.7968159	1.08	0.82	1.55	0.21	0.37	0.7016843
SMU_232_at	0.96	1.04	0.87	1.01	0.10	0.17	0.70533746	1.00	0.89	1.13	0.15	0.26	0.9786515
SMU_1325c_at	0.96	1.04	0.80	1.07	0.11	0.19	0.73936075	0.97	0.88	1.05	0.14	0.25	0.8650606
SMU_44_at	0.96	1.04	0.94	0.99	0.09	0.16	0.6811953	1.01	0.85	1.20	0.16	0.28	0.95554906
SMU_1206c_at	0.96	1.04	0.95	0.98	0.09	0.16	0.67925966	0.94	0.78	1.05	0.16	0.27	0.705154
SMU_2137c_at	0.96	1.04	0.87	1.06	0.10	0.17	0.6972669	1.00	0.79	1.25	0.17	0.30	0.9864494
AFFX-r2-Ec-bioD-5_a	0.96	1.04	0.88	1.07	0.11	0.19	0.7195157	1.07	0.96	1.28	0.16	0.28	0.6678645
SMU_68_at	0.96	1.04	0.91	0.99	0.09	0.16	0.6742261	1.00	0.98	1.02	0.14	0.24	0.99325883
SMU_1047c_at	0.96	1.04	0.95	0.97	0.09	0.16	0.67032087	1.00	0.95	1.06	0.14	0.25	0.98314834
SMU_1053_at	0.96	1.04	0.88	1.05	0.10	0.17	0.68840235	0.99	0.93	1.03	0.14	0.24	0.92210007
SMU_1195_at	0.96	1.04	0.76	1.17	0.13	0.22	0.75539917	1.10	0.63	2.08	0.34	0.58	0.76275265
SMU_130_at	0.96	1.04	0.53	1.70	0.26	0.46	0.87510467	0.75	0.28	1.50	0.38	0.66	0.5378667
SMU_972_at	0.96	1.04	0.77	1.12	0.12	0.21	0.741172	0.94	0.80	1.03	0.15	0.26	0.7099375
SMU_18_s_at	0.96	1.05	0.91	1.00	0.09	0.16	0.66851753	0.99	0.90	1.08	0.15	0.25	0.9546667
SMU_2138c_at	0.96	1.05	0.84	1.03	0.10	0.18	0.69611084	0.99	0.94	1.03	0.14	0.24	0.9281242
SMU_1641c_at	0.96	1.05	0.88	1.04	0.10	0.17	0.6718536	1.03	0.99	1.10	0.14	0.25	0.83156973
SMU_408_at	0.96	1.05	0.77	1.15	0.12	0.21	0.7362471	1.03	0.94	1.16	0.15	0.26	0.8584192
SMU_1298_at	0.96	1.05	0.90	1.01	0.09	0.16	0.66121185	1.07	0.95	1.27	0.16	0.27	0.6858086
AFFX-LysX-3_at	0.95	1.05	0.67	1.71	0.23	0.40	0.8528955	1.47	0.91	3.48	0.52	0.91	0.30774722
SMU_1586c_at	0.95	1.05	0.63	1.42	0.19	0.33	0.82365465	1.04	0.89	1.26	0.16	0.28	0.80931044
SMU_1639c_at	0.95	1.05	0.78	1.11	0.12	0.20	0.7172417	1.04	0.90	1.24	0.16	0.28	0.82069707
AFFX-r2-Ec-bioC-3_a	0.95	1.05	0.84	1.20	0.13	0.22	0.73648334	0.96	0.74	1.18	0.18	0.31	0.8193728
SMU_1390_at	0.95	1.05	0.83	1.11	0.11	0.19	0.69244856	0.98	0.81	1.17	0.16	0.28	0.923237

SMU_1089_at	0.95	1.05	0.82	1.07	0.11	0.19	0.68673295	1.25	0.90	2.16	0.30	0.52	0.39710823
SMU_2102c_at	0.95	1.05	0.75	1.14	0.13	0.22	0.72596544	1.00	0.65	1.53	0.24	0.42	0.9879474
SMU_988_at	0.95	1.05	0.86	1.03	0.10	0.17	0.64546436	0.98	0.85	1.10	0.15	0.26	0.89153075
SMU_1109c_at	0.95	1.05	0.80	1.03	0.11	0.19	0.67469525	0.87	0.62	1.06	0.18	0.31	0.5330868
SMU_2042c_at	0.95	1.05	0.77	1.12	0.12	0.21	0.7061328	1.00	0.98	1.03	0.14	0.24	0.98008436
SMU_1598c_at	0.95	1.05	0.69	1.28	0.16	0.27	0.7600924	1.42	0.88	3.23	0.48	0.84	0.33106142
SMU_2115_at	0.95	1.05	0.78	1.06	0.12	0.20	0.683222	0.94	0.77	1.10	0.16	0.28	0.7513239
SMU_1528c_at	0.95	1.05	0.84	1.02	0.10	0.17	0.63952225	1.00	0.92	1.09	0.14	0.25	0.99645466
SMU_112c_at	0.95	1.06	0.73	1.20	0.14	0.24	0.725403	0.92	0.68	1.14	0.18	0.31	0.6849517
SMU_1155_at	0.95	1.06	0.59	1.96	0.29	0.50	0.8596731	1.02	0.50	2.12	0.38	0.66	0.9517477
SMU_702c_at	0.95	1.06	0.80	1.03	0.11	0.19	0.65226483	1.01	1.00	1.03	0.14	0.24	0.9531559
SMU_1367c_at	0.95	1.06	0.70	1.23	0.15	0.25	0.73739773	0.93	0.63	1.27	0.21	0.36	0.7494351
SMU_607_at	0.95	1.06	0.85	1.09	0.10	0.18	0.6428252	0.98	0.85	1.10	0.15	0.26	0.88067347
SMU_584_at	0.95	1.06	0.76	1.10	0.12	0.21	0.6800435	0.96	0.86	1.02	0.15	0.25	0.78382903
SMU_1213c_at	0.95	1.06	0.75	1.10	0.12	0.21	0.6838938	0.94	0.81	1.02	0.15	0.26	0.71574646
SMU_67_at	0.95	1.06	0.74	1.16	0.13	0.23	0.70084745	1.08	0.85	1.49	0.20	0.34	0.67196923
SMU_1312c_at	0.95	1.06	0.83	1.05	0.10	0.18	0.62842214	1.00	0.97	1.05	0.14	0.24	0.980995
SMU_2030c_at	0.95	1.06	0.91	1.01	0.09	0.16	0.59710556	0.88	0.68	1.00	0.17	0.29	0.5239165
SMU_1226c_at	0.94	1.06	0.74	1.19	0.13	0.23	0.70260227	1.01	0.88	1.17	0.15	0.27	0.9518745
SMU_823_at	0.94	1.06	0.84	1.02	0.10	0.17	0.6166055	1.05	0.97	1.18	0.15	0.26	0.76476043
SMU_1969c_at	0.94	1.06	0.87	1.00	0.09	0.16	0.59852797	1.17	0.86	1.88	0.26	0.45	0.4888643
SMU_307_at	0.94	1.06	0.84	1.05	0.10	0.17	0.61807626	1.03	0.93	1.18	0.15	0.26	0.83306926
SMU_859_at	0.94	1.06	0.77	1.09	0.12	0.20	0.6646429	0.96	0.85	1.03	0.15	0.25	0.7869975
SMU_1196c_at	0.94	1.06	0.89	1.02	0.09	0.16	0.59566915	0.84	0.50	1.20	0.23	0.40	0.5479018
SMU_1227c_at	0.94	1.06	0.73	1.14	0.13	0.22	0.6908583	1.03	0.91	1.21	0.15	0.27	0.83903337
SMU_597_at	0.94	1.06	0.83	1.02	0.10	0.17	0.61199385	1.00	0.85	1.17	0.16	0.27	0.99687946
SMU_2087c_at	0.94	1.06	0.90	1.01	0.09	0.16	0.58349234	1.11	0.98	1.40	0.17	0.30	0.5217365
SMU_1207c_at	0.94	1.06	0.80	1.08	0.11	0.19	0.63646466	0.96	0.88	1.01	0.14	0.25	0.80163217
SMU_478_at	0.94	1.06	0.86	1.00	0.10	0.17	0.5871212	0.99	0.88	1.10	0.15	0.26	0.94418937
SMU_518_at	0.94	1.06	0.82	1.05	0.10	0.18	0.6113835	0.90	0.70	1.05	0.17	0.29	0.5893834
SMU_42_at	0.94	1.06	0.77	1.14	0.12	0.21	0.6580715	0.91	0.58	1.30	0.22	0.39	0.7064425
SMU_2085c_at	0.94	1.06	0.80	1.06	0.11	0.19	0.6189524	1.00	0.87	1.15	0.15	0.27	0.9959213
SMU_2104a_at	0.94	1.06	0.87	1.00	0.10	0.16	0.57451195	0.93	0.76	1.06	0.16	0.27	0.6878883
SMU_580_at	0.94	1.07	0.73	1.12	0.13	0.22	0.6623167	0.99	0.71	1.37	0.20	0.35	0.9701265

SMU_365_at	0.94	1.07	0.72	1.16	0.13	0.23	0.67319745	1.08	0.95	1.33	0.16	0.28	0.62518775
SMU_1485c_at	0.94	1.07	0.89	0.99	0.09	0.16	0.5485473	0.98	0.94	1.02	0.14	0.24	0.9185969
SMU_1220c_at	0.94	1.07	0.88	0.98	0.09	0.16	0.5488279	1.02	0.98	1.07	0.14	0.24	0.9032846
SMU_2050c_at	0.94	1.07	0.70	1.15	0.14	0.24	0.67752814	1.11	0.99	1.37	0.17	0.29	0.5217291
SMU_86_at	0.94	1.07	0.87	0.99	0.09	0.16	0.55288994	1.03	0.96	1.14	0.15	0.25	0.8511707
SMU_2104_at	0.94	1.07	0.73	1.12	0.13	0.22	0.65559036	1.13	0.87	1.66	0.22	0.38	0.55394095
SMU_441_at	0.94	1.07	0.72	1.13	0.13	0.23	0.66574574	1.04	0.91	1.25	0.16	0.28	0.7856323
SMU_864_at	0.94	1.07	0.69	1.14	0.14	0.24	0.68070954	1.13	0.90	1.63	0.21	0.37	0.52736753
SMU_34_at	0.94	1.07	0.75	1.33	0.15	0.27	0.70468664	0.85	0.38	1.59	0.34	0.59	0.6665978
SMU_1246c_at	0.94	1.07	0.86	0.98	0.10	0.16	0.55121213	1.09	0.98	1.32	0.16	0.28	0.5885742
SMU_360_at	0.94	1.07	0.77	1.08	0.11	0.20	0.6164444	1.11	0.95	1.44	0.18	0.31	0.53825575
SMU_554_at	0.94	1.07	0.77	1.05	0.11	0.20	0.6132146	1.04	0.86	1.30	0.17	0.29	0.8330629
SMU_1783c_at	0.94	1.07	0.76	1.14	0.12	0.21	0.63314164	1.00	0.85	1.16	0.16	0.27	0.98280245
SMU_849_at	0.94	1.07	0.87	0.98	0.09	0.16	0.54152703	1.07	0.98	1.24	0.15	0.26	0.67811555
SMU_947_at	0.93	1.07	0.84	0.99	0.10	0.17	0.54822546	0.89	0.65	1.10	0.18	0.32	0.59940636
SMU_99_at	0.93	1.07	0.81	1.02	0.10	0.18	0.5611616	1.08	0.95	1.32	0.16	0.28	0.6408629
SMU_1415c_at	0.93	1.07	0.77	1.11	0.12	0.20	0.5997926	1.00	0.90	1.12	0.15	0.26	0.98681515
SMU_1261c_at	0.93	1.07	0.79	1.10	0.11	0.19	0.5857356	1.18	0.91	1.79	0.24	0.41	0.44993088
SMU_618_at	0.93	1.07	0.84	0.99	0.10	0.17	0.5351698	1.00	0.90	1.10	0.15	0.25	0.97596216
SMU_231_at	0.93	1.07	0.78	1.04	0.11	0.19	0.5752198	1.08	0.89	1.42	0.18	0.32	0.66069394
SMU_220c_at	0.93	1.07	0.80	1.11	0.11	0.19	0.58244175	0.86	0.63	1.01	0.18	0.30	0.49007457
SMU_2089c_at	0.93	1.07	0.75	1.09	0.12	0.21	0.6089692	1.08	0.83	1.52	0.21	0.36	0.6988839
SMU_1655c_at	0.93	1.08	0.91	0.97	0.09	0.16	0.49891168	1.06	0.97	1.23	0.15	0.26	0.70702976
SMU_1479_at	0.93	1.08	0.84	1.01	0.10	0.17	0.52030504	1.05	0.96	1.19	0.15	0.26	0.7650299
SMU_845_at	0.93	1.08	0.82	1.00	0.10	0.17	0.5284185	1.02	0.89	1.20	0.16	0.27	0.8889145
SMU_1097c_at	0.93	1.08	0.88	1.00	0.09	0.16	0.5074065	1.02	0.83	1.29	0.17	0.30	0.89215887
SMU_1747c_at	0.93	1.08	0.84	1.04	0.10	0.17	0.5295749	1.02	0.94	1.13	0.15	0.25	0.8988133
SMU_1416c_at	0.93	1.08	0.75	1.10	0.12	0.21	0.59672856	1.06	0.93	1.28	0.16	0.28	0.71003157
SMU_225c_x_at	0.93	1.08	0.83	0.99	0.10	0.17	0.5222112	0.97	0.84	1.08	0.15	0.26	0.8428524
SMU_877_at	0.93	1.08	0.77	1.10	0.11	0.20	0.57618177	1.01	0.87	1.19	0.16	0.27	0.9360719
SMU_1377c_at	0.93	1.08	0.88	1.00	0.09	0.16	0.4990195	1.04	0.94	1.19	0.15	0.26	0.8130124
SMU_712_at	0.93	1.08	0.82	1.05	0.10	0.18	0.5340805	1.01	0.89	1.16	0.15	0.26	0.95639545
SMU_1636c_at	0.93	1.08	0.84	1.01	0.10	0.17	0.50915265	0.96	0.85	1.02	0.15	0.25	0.7752263
SMU_1819c_at	0.93	1.08	0.74	1.22	0.14	0.24	0.62767804	1.08	0.83	1.50	0.20	0.35	0.70661914

SMU_1208c_at	0.93	1.08	0.77	1.10	0.12	0.20	0.5730753	0.95	0.86	1.00	0.14	0.25	0.74688995
SMU_2033c_at	0.93	1.08	0.89	0.98	0.09	0.16	0.48804072	0.97	0.76	1.20	0.17	0.30	0.87379605
SMU_751_at	0.93	1.08	0.74	1.07	0.12	0.21	0.5803733	1.00	0.79	1.28	0.18	0.31	0.99033695
SMU_757_at	0.93	1.08	0.82	1.00	0.10	0.17	0.5152909	0.96	0.80	1.12	0.16	0.27	0.8320468
SMU_2024c_at	0.93	1.08	0.88	0.96	0.09	0.16	0.48049995	0.94	0.67	1.24	0.19	0.34	0.77194816
SMU_1991c_at	0.93	1.08	0.85	1.08	0.11	0.18	0.53217643	0.97	0.56	1.62	0.28	0.48	0.91979957
AFFX-yel005_3_at	0.93	1.08	0.82	1.06	0.12	0.20	0.57245046	1.02	0.87	1.24	0.17	0.29	0.89076203
SMU_1192c_at	0.93	1.08	0.70	1.10	0.13	0.23	0.6104426	0.99	0.94	1.03	0.14	0.24	0.9452692
SMU_338_at	0.92	1.08	0.84	1.02	0.10	0.17	0.4973758	1.00	0.98	1.00	0.14	0.24	0.97314286
SMU_1785c_at	0.92	1.08	0.79	1.00	0.11	0.18	0.52488035	0.96	0.84	1.04	0.15	0.26	0.7875376
SMU_1637c_at	0.92	1.08	0.87	0.98	0.09	0.16	0.4719809	0.99	0.90	1.09	0.15	0.25	0.9725276
SMU_227c_at	0.92	1.08	0.86	1.03	0.10	0.17	0.49173677	1.06	0.97	1.22	0.15	0.26	0.7070749
SMU_295_at	0.92	1.08	0.66	1.28	0.16	0.28	0.66280365	0.82	0.45	1.22	0.25	0.43	0.52856827
SMU_1850c_at	0.92	1.08	0.67	1.17	0.15	0.25	0.63319296	0.88	0.69	1.01	0.17	0.29	0.53609127
SMU_1098c_at	0.92	1.08	0.78	1.02	0.11	0.19	0.52092016	0.96	0.69	1.28	0.20	0.34	0.8485305
SMU_1404c_at	0.92	1.08	0.85	1.09	0.11	0.18	0.51837134	0.87	0.54	1.20	0.22	0.38	0.5826254
SMU_1391c_at	0.92	1.08	0.75	1.13	0.12	0.21	0.5640676	1.02	0.85	1.25	0.17	0.29	0.9182356
SMU_1597c_at	0.92	1.09	0.76	1.16	0.13	0.22	0.5726562	1.29	0.91	2.37	0.34	0.58	0.36034563
SMU_1460c_at	0.92	1.09	0.82	0.99	0.10	0.17	0.48062375	1.05	0.94	1.24	0.16	0.27	0.733421
SMU_890_at	0.92	1.09	0.87	0.98	0.09	0.16	0.45943567	0.93	0.74	1.08	0.16	0.28	0.69356996
AFFX-yel006_5_at	0.92	1.09	0.78	1.13	0.13	0.22	0.58184415	0.96	0.81	1.11	0.16	0.28	0.8271228
SMU_1294c_at	0.92	1.09	0.86	0.98	0.09	0.16	0.46126908	0.92	0.72	1.08	0.16	0.29	0.6596967
SMU_1624c_at	0.92	1.09	0.77	1.06	0.11	0.19	0.5269586	1.10	0.97	1.36	0.17	0.29	0.57614625
SMU_1589c_at	0.92	1.09	0.77	1.08	0.11	0.20	0.5322619	1.01	0.73	1.40	0.20	0.35	0.97329956
SMU_1530c_at	0.92	1.09	0.80	1.00	0.10	0.18	0.49721187	1.06	0.93	1.28	0.16	0.28	0.7102639
SMU_2119_at	0.92	1.09	0.72	1.19	0.13	0.23	0.59530234	1.09	0.98	1.33	0.16	0.28	0.5704787
SMU_1654c_at	0.92	1.09	0.87	0.98	0.09	0.16	0.45741963	1.05	0.95	1.24	0.15	0.27	0.736854
SMU_1245c_at	0.92	1.09	0.84	0.99	0.10	0.17	0.46729457	1.04	0.92	1.22	0.15	0.27	0.7961122
SMU_1820c_at	0.92	1.09	0.78	1.16	0.12	0.21	0.5608948	1.01	0.80	1.28	0.18	0.30	0.9650284
SMU_772_at	0.92	1.09	0.78	1.03	0.11	0.19	0.5107091	0.98	0.71	1.35	0.20	0.35	0.93557453
SMU_954_at	0.92	1.09	0.87	0.95	0.09	0.16	0.44720414	1.01	0.98	1.06	0.14	0.24	0.9237915
SMU_863_at	0.92	1.09	0.65	1.10	0.15	0.26	0.6205074	1.22	0.86	2.13	0.30	0.52	0.43952653
SMU_713_at	0.92	1.09	0.78	1.06	0.11	0.19	0.50886655	0.96	0.73	1.22	0.18	0.31	0.84793985
SMU_2029c_at	0.92	1.09	0.76	1.11	0.12	0.21	0.54021007	0.89	0.67	1.04	0.17	0.30	0.55876136

SMU_113_at	0.92	1.09	0.64	1.19	0.16	0.27	0.63858235	1.03	0.89	1.24	0.16	0.28	0.8406057
SMU_1881c_at	0.92	1.09	0.81	1.01	0.10	0.17	0.47266448	1.11	0.90	1.55	0.20	0.35	0.5699277
SMU_1837c_at	0.92	1.09	0.84	0.99	0.10	0.17	0.45389405	0.99	0.94	1.03	0.14	0.24	0.94484836
SMU_32_at	0.92	1.09	0.71	1.37	0.17	0.29	0.6536237	0.83	0.40	1.43	0.30	0.53	0.60993475
SMU_274_at	0.92	1.09	0.65	1.20	0.16	0.27	0.6309067	0.85	0.52	1.18	0.22	0.39	0.54735965
SMU_604_at	0.92	1.09	0.74	1.03	0.12	0.20	0.5212892	1.02	0.91	1.17	0.15	0.26	0.8993505
SMU_1677_at	0.92	1.09	0.84	1.09	0.11	0.19	0.494937	1.25	0.88	2.19	0.31	0.54	0.40855813
SMU_1247c_at	0.92	1.09	0.82	1.01	0.10	0.17	0.45985568	1.10	0.90	1.47	0.19	0.33	0.614168
SMU_583_at	0.92	1.09	0.68	1.10	0.14	0.24	0.58186847	0.96	0.81	1.08	0.15	0.27	0.7857518
SMU_1683c_at	0.92	1.09	0.81	1.04	0.10	0.18	0.47270837	1.05	0.97	1.20	0.15	0.26	0.73350775
SMU_1218c_at	0.92	1.09	0.59	1.22	0.18	0.31	0.6668728	0.99	0.87	1.10	0.15	0.26	0.92970103
SMU_1066_at	0.91	1.09	0.81	1.08	0.11	0.19	0.4886957	1.08	0.94	1.33	0.17	0.29	0.6475183
SMU_224c_at	0.91	1.09	0.85	1.00	0.10	0.17	0.43979776	0.93	0.74	1.07	0.16	0.28	0.68092316
SMU_66_at	0.91	1.09	0.86	0.97	0.09	0.16	0.42804146	0.98	0.93	1.01	0.14	0.24	0.8998818
SMU_1219c_at	0.91	1.09	0.84	1.01	0.10	0.17	0.44702208	0.92	0.76	1.01	0.15	0.27	0.6285054
SMU_1878_at	0.91	1.09	0.77	0.99	0.11	0.19	0.47877538	0.88	0.53	1.30	0.24	0.41	0.6551299
SMU_1452c_at	0.91	1.09	0.64	1.19	0.16	0.27	0.6204096	0.84	0.56	1.06	0.20	0.34	0.48826304
SMU_793_at	0.91	1.10	0.76	1.10	0.12	0.20	0.508612	0.94	0.74	1.12	0.17	0.29	0.73284465
SMU_1672c_at	0.91	1.10	0.89	0.93	0.09	0.16	0.40673724	1.00	0.80	1.26	0.17	0.30	0.9849658
SMU_1209c_at	0.91	1.10	0.87	0.94	0.09	0.16	0.41243714	1.01	0.91	1.11	0.15	0.25	0.97275275
SMU_341_at	0.91	1.10	0.76	1.06	0.11	0.19	0.48947442	0.97	0.76	1.21	0.17	0.30	0.88799125
SMU_848_at	0.91	1.10	0.90	0.94	0.09	0.16	0.40225035	0.99	0.94	1.04	0.14	0.24	0.97047144
AFFX-HXB2_5_at	0.91	1.10	0.75	1.10	0.13	0.22	0.53686136	1.03	0.83	1.33	0.18	0.32	0.85778284
SMU_386_at	0.91	1.10	0.72	1.07	0.12	0.21	0.5136204	0.86	0.51	1.22	0.23	0.40	0.57720006
SMU_1955c_at	0.91	1.10	0.88	0.98	0.09	0.16	0.40655988	0.97	0.85	1.09	0.15	0.26	0.8666984
SMU_1144c_at	0.91	1.10	0.76	1.08	0.11	0.20	0.4851299	0.91	0.55	1.36	0.24	0.42	0.723892
SMU_616_at	0.91	1.10	0.85	0.95	0.09	0.16	0.4029115	0.98	0.94	1.01	0.14	0.24	0.9050795
SMU_1188c_at	0.91	1.10	0.88	0.95	0.09	0.16	0.3958953	1.09	0.82	1.59	0.22	0.38	0.6757202
SMU_49_at	0.91	1.10	0.82	1.03	0.10	0.17	0.4352556	0.88	0.61	1.10	0.19	0.33	0.5680836
SMU_299c_at	0.91	1.10	0.73	1.17	0.13	0.22	0.53554666	0.91	0.65	1.18	0.19	0.33	0.68125004
SMU_1656c_at	0.91	1.10	0.88	0.94	0.09	0.16	0.39180708	1.07	0.97	1.27	0.16	0.27	0.6569743
AFFX-HXB2_M_at	0.91	1.10	0.79	1.10	0.12	0.21	0.5009759	1.00	0.90	1.11	0.15	0.26	0.99971706
SMU_517_at	0.91	1.10	0.79	0.99	0.10	0.18	0.43072456	0.89	0.65	1.08	0.18	0.31	0.58253944
SMU_1459c_at	0.91	1.10	0.78	1.03	0.11	0.18	0.44345555	1.03	0.91	1.20	0.15	0.27	0.8545839

SMU_1125c_at	0.91	1.10	0.82	1.06	0.11	0.18	0.44118485	1.01	0.76	1.36	0.19	0.33	0.9652548
SMU_1646c_at	0.91	1.10	0.78	1.10	0.11	0.20	0.4703904	1.09	0.77	1.70	0.24	0.42	0.6985575
SMU_1124c_at	0.90	1.11	0.79	1.00	0.10	0.18	0.4240707	1.03	0.90	1.22	0.16	0.27	0.8369669
SMU_942c_at	0.90	1.11	0.69	1.15	0.13	0.23	0.52832776	0.85	0.56	1.10	0.20	0.35	0.5139781
SMU_552_at	0.90	1.11	0.72	1.03	0.12	0.20	0.4760413	1.04	0.89	1.26	0.16	0.28	0.81063217
SMU_440_at	0.90	1.11	0.82	1.08	0.11	0.19	0.44371146	0.98	0.85	1.11	0.15	0.26	0.9012446
SMU_1231c_at	0.90	1.11	0.82	0.98	0.10	0.17	0.39322555	1.06	0.86	1.39	0.18	0.32	0.7363858
SMU_1292c_at	0.90	1.11	0.74	1.00	0.11	0.19	0.45286873	0.96	0.83	1.08	0.15	0.26	0.8237845
SMU_989_at	0.90	1.11	0.70	1.05	0.12	0.22	0.49581635	1.10	0.92	1.45	0.18	0.32	0.5934994
SMU_2080_at	0.90	1.11	0.82	1.05	0.10	0.18	0.42174274	0.92	0.72	1.08	0.17	0.29	0.65570813
SMU_1326c_at	0.90	1.11	0.75	1.01	0.11	0.19	0.442994	0.94	0.76	1.09	0.16	0.28	0.7254416
SMU_1838c_at	0.90	1.11	0.78	1.00	0.10	0.18	0.41631663	1.01	0.94	1.10	0.14	0.25	0.9284601
SMU_1127_at	0.90	1.11	0.86	0.95	0.09	0.16	0.36802518	0.94	0.77	1.07	0.16	0.27	0.71584696
SMU_504_at	0.90	1.11	0.83	0.95	0.09	0.16	0.37646484	1.03	0.85	1.27	0.17	0.29	0.8807335
SMU_2047c_at	0.90	1.11	0.76	1.02	0.11	0.19	0.43388793	0.97	0.77	1.20	0.17	0.30	0.8719584
SMU_1106c_at	0.90	1.11	0.75	1.05	0.11	0.20	0.44471097	0.97	0.82	1.11	0.15	0.27	0.854981
SMU_1411_at	0.90	1.11	0.63	1.08	0.15	0.26	0.5609688	0.90	0.48	1.54	0.29	0.51	0.75168204
SMU_1697c_at	0.90	1.11	0.81	0.96	0.10	0.17	0.38002747	1.02	0.81	1.32	0.18	0.31	0.8993001
SMU_1451c_at	0.90	1.11	0.67	1.16	0.14	0.24	0.5251465	0.83	0.56	1.02	0.19	0.34	0.45127553
SMU_1803c_at	0.90	1.11	0.80	0.97	0.10	0.17	0.38102025	1.14	0.97	1.53	0.19	0.33	0.47037697
SMU_489_at	0.90	1.11	0.84	1.00	0.10	0.17	0.3782781	0.90	0.72	1.02	0.16	0.28	0.5866196
SMU_846_at	0.90	1.11	0.85	0.96	0.09	0.16	0.3599744	1.10	0.94	1.40	0.17	0.30	0.583086
SMU_782_at	0.90	1.11	0.80	0.97	0.10	0.17	0.38317084	0.99	0.91	1.05	0.14	0.25	0.92672557
SMU_367_at	0.90	1.11	0.67	1.16	0.14	0.25	0.5268056	0.98	0.94	1.01	0.14	0.24	0.9130217
SMU_2086c_at	0.90	1.11	0.76	0.98	0.11	0.18	0.4084483	1.04	0.93	1.21	0.15	0.27	0.79875994
SMU_2128_at	0.90	1.11	0.76	1.02	0.11	0.19	0.41485322	1.01	0.95	1.07	0.14	0.25	0.965678
SMU_581_at	0.90	1.12	0.76	1.05	0.11	0.19	0.42116025	0.97	0.83	1.11	0.15	0.27	0.8748372
SMU_1423c_at	0.90	1.12	0.63	1.13	0.15	0.26	0.54517776	0.98	0.80	1.16	0.16	0.28	0.897819
AFFX-r2-Ec-bioD-3	0.90	1.12	0.73	1.16	0.14	0.24	0.5046345	1.03	0.91	1.18	0.16	0.27	0.8726969
SMU_446_at	0.90	1.12	0.78	1.07	0.11	0.19	0.41585544	1.03	0.97	1.13	0.14	0.25	0.8344221
SMU_1730c_at	0.90	1.12	0.83	1.01	0.10	0.17	0.37455606	0.95	0.82	1.03	0.15	0.26	0.7477144
SMU_1652c_at	0.90	1.12	0.86	0.92	0.09	0.16	0.3418583	1.00	0.95	1.05	0.14	0.24	0.99583393
SMU_1879_at	0.90	1.12	0.82	0.95	0.10	0.17	0.35715714	0.80	0.49	1.04	0.21	0.37	0.42946887
SMU_1191c_at	0.90	1.12	0.78	1.00	0.10	0.18	0.38874692	1.00	0.84	1.17	0.16	0.27	0.9820354

SMU_696_at	0.90	1.12	0.79	0.97	0.10	0.17	0.37186542	0.96	0.81	1.08	0.15	0.26	0.7962899
SMU_1833c_at	0.90	1.12	0.69	1.15	0.14	0.23	0.4976799	0.99	0.92	1.05	0.14	0.25	0.944621
SMU_1699c_at	0.89	1.12	0.73	1.02	0.11	0.20	0.42804486	1.01	0.74	1.41	0.20	0.35	0.94288707
SMU_1234c_at	0.89	1.12	0.73	1.04	0.12	0.20	0.4300614	1.13	0.83	1.73	0.24	0.41	0.5852788
SMU_2036c_at	0.89	1.12	0.72	1.05	0.12	0.20	0.43646088	0.88	0.62	1.08	0.18	0.32	0.55698556
SMU_1422c_at	0.89	1.12	0.62	1.18	0.16	0.28	0.5558737	1.05	0.80	1.43	0.20	0.34	0.8125671
SMU_1493c_at	0.89	1.12	0.76	1.14	0.12	0.21	0.45822287	1.00	0.72	1.39	0.20	0.35	0.9995551
SMU_1968c_at	0.89	1.12	0.82	1.01	0.10	0.17	0.36834276	1.16	0.83	1.87	0.26	0.45	0.5387493
SMU_85_at	0.89	1.12	0.77	0.98	0.10	0.18	0.37963775	1.01	0.88	1.16	0.15	0.26	0.9674533
SMU_423_at	0.89	1.12	0.74	0.99	0.11	0.19	0.41238526	1.01	0.93	1.10	0.14	0.25	0.95636976
SMU_1457c_at	0.89	1.12	0.78	1.03	0.11	0.18	0.3862392	1.12	0.95	1.47	0.18	0.32	0.5337622
SMU_2073c_at	0.89	1.12	0.80	1.10	0.11	0.20	0.41711006	0.98	0.60	1.58	0.26	0.45	0.945564
SMU_114_at	0.89	1.12	0.67	1.05	0.13	0.23	0.4784746	0.99	0.72	1.35	0.20	0.34	0.95706403
SMU_1926c_at	0.89	1.12	0.83	0.93	0.09	0.16	0.33364296	0.87	0.62	1.05	0.18	0.31	0.51699454
SMU_tRNA23_s_at	0.89	1.12	0.77	1.10	0.12	0.20	0.4194435	0.84	0.52	1.13	0.22	0.38	0.50885886
SMU_700c_at	0.89	1.12	0.78	0.96	0.10	0.17	0.3578198	0.95	0.83	1.02	0.15	0.25	0.7394072
SMU_1514c_at	0.89	1.12	0.79	1.09	0.11	0.20	0.40703818	0.86	0.60	1.07	0.19	0.33	0.51550496
SMU_1924c_at	0.89	1.12	0.84	0.93	0.09	0.16	0.32440537	1.00	0.98	1.02	0.14	0.24	0.9856143
SMU_817_at	0.89	1.12	0.86	0.92	0.09	0.16	0.31393126	0.99	0.83	1.17	0.16	0.27	0.9516548
SMU_154_at	0.89	1.13	0.87	0.90	0.09	0.16	0.30866423	0.94	0.79	1.04	0.15	0.26	0.70674294
SMU_592c_at	0.89	1.13	0.81	1.03	0.10	0.18	0.36191154	1.02	0.78	1.35	0.19	0.33	0.9358341
SMU_1445c_at	0.89	1.13	0.68	1.07	0.13	0.22	0.45505646	1.18	0.92	1.80	0.24	0.41	0.4319289
SMU_843_at	0.89	1.13	0.71	1.04	0.12	0.20	0.4165694	0.99	0.90	1.08	0.15	0.25	0.95480275
SMU_tRNA40_at	0.89	1.13	0.67	1.15	0.14	0.24	0.48686922	1.05	0.76	1.52	0.22	0.38	0.8302984
SMU_152_at	0.89	1.13	0.80	1.06	0.11	0.19	0.37561712	0.93	0.73	1.08	0.16	0.28	0.6755702
SMU_1025_at	0.89	1.13	0.80	0.95	0.10	0.17	0.33142048	1.07	0.96	1.27	0.16	0.27	0.6762866
SMU_1063c_at	0.89	1.13	0.73	1.00	0.11	0.19	0.3858048	0.99	0.95	1.03	0.14	0.24	0.9646631
SMU_567_at	0.89	1.13	0.80	0.94	0.10	0.17	0.32987258	1.06	0.94	1.26	0.16	0.27	0.7078746
AFFX-TrpnX-M_at	0.89	1.13	0.80	1.05	0.11	0.19	0.3835347	0.98	0.84	1.13	0.16	0.27	0.9075951
SMU_2084c_at	0.89	1.13	0.84	0.92	0.09	0.16	0.30467182	0.94	0.82	1.01	0.15	0.26	0.69847035
SMU_1978c_at	0.88	1.13	0.80	1.04	0.11	0.18	0.35945567	0.96	0.66	1.32	0.21	0.36	0.83972883
SMU_1541c_at	0.88	1.13	0.69	1.05	0.12	0.21	0.42028388	0.92	0.74	1.06	0.16	0.28	0.6682308
SMU_22_at	0.88	1.13	0.76	0.97	0.10	0.18	0.34706506	1.01	0.94	1.12	0.15	0.25	0.92112696
SMU_1461c_at	0.88	1.13	0.74	0.98	0.11	0.19	0.36867577	1.10	0.97	1.36	0.17	0.29	0.5738173

SMU_949_at	0.88	1.13	0.72	1.06	0.12	0.20	0.3991634	0.85	0.59	1.05	0.19	0.33	0.49325064
SMU_2112c_at	0.88	1.13	0.76	0.96	0.10	0.18	0.34813592	0.99	0.96	1.01	0.14	0.24	0.9517975
SMU_151_at	0.88	1.13	0.80	0.95	0.10	0.17	0.3146489	0.88	0.66	1.04	0.17	0.30	0.5476488
SMU_692_at	0.88	1.13	0.79	0.97	0.10	0.17	0.3264978	0.98	0.78	1.20	0.17	0.29	0.8981627
SMU_1752c_at	0.88	1.13	0.65	1.06	0.14	0.24	0.46285734	0.90	0.73	1.00	0.16	0.27	0.58357507
SMU_1653c_at	0.88	1.13	0.86	0.89	0.09	0.16	0.28904223	1.04	0.97	1.17	0.15	0.25	0.76952016
SMU_1828_at	0.88	1.13	0.75	0.98	0.11	0.18	0.35112923	1.18	0.97	1.67	0.21	0.37	0.40895566
SMU_1453c_at	0.88	1.13	0.69	1.04	0.12	0.21	0.41395292	0.97	0.85	1.06	0.15	0.26	0.82745963
SMU_353_at	0.88	1.13	0.73	0.99	0.11	0.19	0.3652424	1.01	0.92	1.14	0.15	0.26	0.9236693
SMU_1421c_at	0.88	1.14	0.71	1.03	0.12	0.20	0.3850283	1.00	0.94	1.06	0.14	0.25	0.9977383
SMU_36_at	0.88	1.14	0.75	1.12	0.12	0.21	0.39814684	0.75	0.39	1.12	0.26	0.45	0.42687333
SMU_462_at	0.88	1.14	0.67	1.04	0.13	0.22	0.42157397	1.01	0.79	1.29	0.18	0.31	0.96860343
SMU_277_at	0.88	1.14	0.81	0.92	0.09	0.16	0.28569904	1.01	0.93	1.11	0.15	0.25	0.93785536
SMU_176_at	0.88	1.14	0.61	1.13	0.15	0.26	0.48227924	1.01	0.83	1.25	0.17	0.29	0.9530259
SMU_1071c_at	0.88	1.14	0.73	1.11	0.12	0.21	0.39002177	0.96	0.40	2.20	0.43	0.75	0.92526937
SMU_281_at	0.88	1.14	0.77	0.98	0.10	0.18	0.3143116	1.07	0.91	1.34	0.17	0.29	0.70134366
SMU_tRNA16_s_at	0.88	1.14	0.75	1.07	0.11	0.20	0.35782632	0.82	0.51	1.08	0.21	0.37	0.46817514
SMU_1543c_at	0.87	1.14	0.60	1.18	0.16	0.27	0.4903564	1.00	0.60	1.66	0.27	0.47	0.99419385
SMU_1927_at	0.87	1.14	0.66	1.18	0.14	0.25	0.4482459	0.89	0.56	1.26	0.22	0.39	0.6494343
SMU_1150_at	0.87	1.14	0.59	1.44	0.20	0.34	0.57088023	0.87	0.62	1.06	0.18	0.32	0.5233406
SMU_1542c_at	0.87	1.15	0.70	1.03	0.12	0.20	0.36649093	0.89	0.65	1.08	0.18	0.31	0.5773446
SMU_707c_at	0.87	1.15	0.75	1.02	0.11	0.19	0.32537878	0.89	0.49	1.43	0.27	0.47	0.6999248
SMU_1096c_at	0.87	1.15	0.70	1.01	0.12	0.20	0.36407068	1.02	0.77	1.38	0.19	0.34	0.92897373
SMU_434_at	0.87	1.15	0.81	0.94	0.09	0.16	0.27154824	0.91	0.66	1.14	0.18	0.32	0.6538587
SMU_442_at	0.87	1.15	0.66	1.03	0.13	0.22	0.39608124	0.98	0.79	1.19	0.17	0.29	0.903578
SMU_2031c_at	0.87	1.15	0.82	0.93	0.09	0.16	0.26390415	0.98	0.89	1.05	0.14	0.25	0.8850674
SMU_1676c_at	0.87	1.15	0.73	1.02	0.11	0.19	0.3332527	0.87	0.65	1.00	0.17	0.30	0.49572626
SMU_899_at	0.87	1.15	0.78	0.94	0.10	0.17	0.28268126	1.11	0.97	1.41	0.17	0.30	0.53584325
SMU_1200c_at	0.87	1.15	0.73	0.98	0.11	0.19	0.32078248	1.00	0.85	1.17	0.16	0.27	0.9891094
SMU_866_at	0.87	1.15	0.82	0.93	0.09	0.16	0.26399246	0.90	0.67	1.10	0.18	0.31	0.6258632
AFFX-HXB2_3_at	0.87	1.15	0.74	1.08	0.12	0.22	0.3822228	0.96	0.79	1.11	0.16	0.28	0.8009493
SMU_50_at	0.87	1.15	0.71	1.09	0.12	0.21	0.3673063	0.81	0.53	1.01	0.20	0.34	0.424318
SMU_534_at	0.87	1.15	0.62	1.44	0.19	0.33	0.5511366	1.34	0.96	2.51	0.35	0.61	0.30827284
AFFX-r2-Bs-lys-3_at	0.87	1.15	0.74	1.08	0.12	0.20	0.35271177	0.98	0.82	1.16	0.16	0.28	0.90938175

SMU_376_at	0.87	1.15	0.73	1.06	0.12	0.20	0.34528238	1.07	0.95	1.27	0.16	0.27	0.6818734
AFFX-r2-P1-cre-3_at	0.87	1.15	0.75	1.00	0.11	0.19	0.33145165	0.99	0.79	1.22	0.17	0.30	0.93556166
AFFX-BioC-3_at	0.87	1.15	0.75	0.96	0.12	0.20	0.34406868	1.02	0.91	1.16	0.16	0.27	0.905302
SMU_1782_at	0.87	1.15	0.82	0.91	0.09	0.16	0.2527106	0.97	0.80	1.16	0.16	0.28	0.87562454
SMU_862_at	0.87	1.15	0.61	1.09	0.15	0.25	0.43865412	1.00	0.80	1.23	0.17	0.29	0.9779315
SMU_1410_at	0.87	1.15	0.69	1.03	0.12	0.21	0.35273355	0.80	0.45	1.12	0.24	0.41	0.46279475
SMU_887_at	0.87	1.15	0.73	1.02	0.11	0.19	0.32139388	1.04	0.98	1.15	0.15	0.25	0.77725005
SMU_1132c_at	0.87	1.15	0.72	1.00	0.11	0.19	0.31709352	1.07	0.82	1.49	0.20	0.35	0.73045945
SMU_275_at	0.87	1.15	0.65	1.14	0.14	0.24	0.41390917	0.84	0.52	1.14	0.22	0.37	0.5215527
SMU_07_at	0.87	1.16	0.73	0.96	0.11	0.18	0.29720157	0.84	0.42	1.41	0.29	0.51	0.6137055
AFFX-yel006_3_at	0.87	1.16	0.77	1.07	0.12	0.21	0.34689113	0.97	0.74	1.22	0.18	0.31	0.8608774
SMU_1172c_at	0.87	1.16	0.76	1.00	0.10	0.18	0.28810734	1.02	0.80	1.32	0.18	0.31	0.9111379
SMU_234_at	0.87	1.16	0.66	1.11	0.13	0.23	0.39585102	1.07	0.73	1.66	0.24	0.42	0.77734023
SMU_1956c_at	0.87	1.16	0.79	0.92	0.09	0.16	0.25270677	0.93	0.72	1.11	0.17	0.29	0.6919403
SMU_1846c_at	0.87	1.16	0.72	0.96	0.11	0.19	0.30504936	1.01	0.84	1.24	0.17	0.29	0.93801594
SMU_568_at	0.86	1.16	0.79	0.95	0.10	0.17	0.26100507	1.09	0.94	1.39	0.17	0.30	0.5984406
SMU_695_at	0.86	1.16	0.75	0.93	0.10	0.17	0.2750463	0.93	0.76	1.07	0.16	0.28	0.69793314
SMU_1618c_at	0.86	1.16	0.75	0.97	0.10	0.18	0.28112665	0.97	0.88	1.05	0.15	0.25	0.85865813
SMU_1102c_at	0.86	1.16	0.64	1.13	0.14	0.25	0.41565707	0.95	0.83	1.04	0.15	0.26	0.76066846
SMU_2088c_at	0.86	1.16	0.77	0.93	0.10	0.17	0.26095268	1.03	0.86	1.29	0.17	0.29	0.8416553
AFFX-yel005_M_at	0.86	1.16	0.79	0.99	0.11	0.19	0.3171298	0.98	0.78	1.19	0.17	0.30	0.89723843
SMU_1651_at	0.86	1.16	0.79	0.93	0.10	0.17	0.25169554	1.07	0.97	1.26	0.16	0.27	0.6625145
SMU_339_at	0.86	1.16	0.75	1.01	0.11	0.19	0.2947898	0.97	0.87	1.04	0.14	0.25	0.8345982
SMU_1087_at	0.86	1.16	0.81	0.95	0.10	0.17	0.25166935	1.04	0.85	1.33	0.17	0.30	0.8065777
SMU_361_at	0.86	1.16	0.73	0.97	0.11	0.18	0.2887734	1.06	0.80	1.50	0.21	0.36	0.7702257
AFFX-BioB-5_at	0.86	1.16	0.77	0.97	0.11	0.19	0.31406564	1.08	1.00	1.28	0.16	0.28	0.613499
SMU_1431c_at	0.86	1.16	0.70	1.01	0.11	0.20	0.31552392	0.96	0.82	1.08	0.15	0.26	0.8050665
SMU_59_at	0.86	1.16	0.72	1.22	0.15	0.25	0.41847637	0.78	0.44	1.09	0.24	0.41	0.43585992
SMU_844_at	0.86	1.16	0.73	0.95	0.11	0.18	0.28294984	0.96	0.82	1.07	0.15	0.26	0.7826501
SMU_1190c_at	0.86	1.16	0.74	0.94	0.10	0.18	0.2737592	1.00	0.83	1.20	0.16	0.28	0.98741215
SMU_795_at	0.86	1.16	0.65	1.02	0.13	0.22	0.36091945	0.87	0.65	1.01	0.17	0.30	0.50695354
SMU_1821c_at	0.86	1.16	0.77	0.97	0.10	0.17	0.25831714	0.93	0.80	1.02	0.15	0.26	0.6908206
SMU_1418c_at	0.86	1.16	0.71	1.00	0.11	0.19	0.306327	0.94	0.75	1.11	0.16	0.28	0.7409338
SMU_131_at	0.86	1.16	0.47	1.56	0.25	0.44	0.6127759	0.68	0.29	1.07	0.30	0.51	0.37059653

SMU_1827_at	0.86	1.16	0.49	1.47	0.23	0.40	0.58293116	1.08	0.95	1.34	0.17	0.29	0.6183437
SMU_689_at	0.86	1.16	0.66	1.04	0.13	0.22	0.3542581	1.02	0.73	1.46	0.21	0.37	0.9202628
SMU_373_at	0.86	1.17	0.83	0.89	0.09	0.16	0.22077465	0.97	0.88	1.05	0.15	0.25	0.8670299
SMU_473_at	0.86	1.17	0.69	1.01	0.12	0.20	0.3189003	0.98	0.78	1.22	0.17	0.30	0.9249631
SMU_223c_at	0.86	1.17	0.65	1.02	0.13	0.22	0.35059673	0.82	0.53	1.04	0.20	0.35	0.45001653
SMU_1183c_at	0.86	1.17	0.83	0.90	0.09	0.16	0.22089718	1.04	0.89	1.26	0.16	0.28	0.82053196
SMU_1042_at	0.86	1.17	0.80	0.97	0.10	0.17	0.24968156	1.08	0.85	1.50	0.20	0.34	0.6822851
SMU_537_at	0.86	1.17	0.64	1.30	0.17	0.29	0.4573639	1.15	0.77	1.98	0.29	0.50	0.5862849
SMU_538_at	0.86	1.17	0.62	1.25	0.16	0.28	0.44166097	1.13	0.83	1.73	0.24	0.41	0.581429
SMU_1090_at	0.86	1.17	0.72	1.01	0.11	0.19	0.28727803	1.04	0.80	1.39	0.19	0.33	0.85184544
SMU_900_at	0.86	1.17	0.76	0.91	0.10	0.17	0.24204476	1.03	0.95	1.16	0.15	0.26	0.82825696
SMU_1822c_at	0.86	1.17	0.73	1.12	0.13	0.22	0.34282744	0.93	0.80	1.01	0.15	0.26	0.6727425
SMU_1095c_at	0.86	1.17	0.73	0.94	0.10	0.18	0.262197	0.94	0.81	1.03	0.15	0.26	0.7194886
SMU_1930c_at	0.85	1.17	0.77	0.91	0.10	0.17	0.23157161	0.95	0.69	1.23	0.19	0.32	0.7939138
SMU_432_at	0.85	1.17	0.67	1.00	0.12	0.21	0.32052928	1.01	0.99	1.03	0.14	0.24	0.9674797
SMU_369c_at	0.85	1.17	0.77	0.99	0.10	0.18	0.25105965	1.02	0.97	1.11	0.14	0.25	0.8706391
SMU_1507c_at	0.85	1.17	0.58	1.11	0.16	0.27	0.42566228	1.01	0.61	1.68	0.27	0.47	0.9697695
SMU_1185c_at	0.85	1.17	0.58	1.20	0.16	0.28	0.44380364	0.96	0.86	1.02	0.14	0.25	0.7933256
SMU_1961c_at	0.85	1.17	0.72	0.93	0.11	0.18	0.26063028	1.01	0.64	1.60	0.25	0.44	0.9694323
SMU_1454c_at	0.85	1.17	0.72	0.93	0.11	0.18	0.26060984	0.94	0.75	1.10	0.16	0.28	0.7371162
SMU_392c_at	0.85	1.17	0.63	1.11	0.14	0.24	0.37541348	0.87	0.47	1.40	0.27	0.47	0.65668315
SMU_483_at	0.85	1.17	0.77	0.94	0.10	0.17	0.23220989	0.95	0.80	1.06	0.15	0.27	0.74691826
SMU_115_at	0.85	1.18	0.71	0.95	0.11	0.19	0.26893288	1.07	0.66	1.87	0.29	0.51	0.8081656
SMU_355_at	0.85	1.18	0.73	0.96	0.10	0.18	0.24981017	0.97	0.90	1.01	0.14	0.25	0.8370812
SMU_37_at	0.85	1.18	0.66	1.32	0.17	0.29	0.4504024	0.84	0.34	1.76	0.39	0.67	0.6969903
SMU_1494c_at	0.85	1.18	0.77	0.93	0.10	0.17	0.2269007	1.00	0.81	1.24	0.17	0.29	0.9880604
SMU_869_at	0.85	1.18	0.69	1.04	0.12	0.20	0.30079716	0.93	0.73	1.09	0.17	0.29	0.6801237
SMU_1967c_at	0.85	1.18	0.68	1.02	0.12	0.20	0.30069914	1.09	0.76	1.72	0.25	0.43	0.6993325
SMU_1308c_at	0.85	1.18	0.75	0.98	0.10	0.18	0.24320896	1.05	0.88	1.31	0.17	0.29	0.7859995
SMU_1565c_at	0.85	1.18	0.73	1.00	0.11	0.19	0.26193687	0.92	0.69	1.12	0.17	0.30	0.67783594
SMU_1068c_at	0.85	1.18	0.73	0.95	0.10	0.18	0.24035881	1.18	0.91	1.81	0.24	0.42	0.44188917
SMU_1496c_at	0.85	1.18	0.70	1.00	0.11	0.19	0.27356327	1.11	0.92	1.48	0.19	0.33	0.57393754
SMU_591c_at	0.85	1.18	0.72	0.95	0.11	0.18	0.25175613	0.90	0.67	1.08	0.18	0.30	0.59696037
SMU_1289c_at	0.85	1.18	0.66	1.00	0.12	0.21	0.31148878	1.01	0.94	1.09	0.14	0.25	0.9620309

SMU_153_at	0.85	1.18	0.66	1.01	0.12	0.21	0.31070766	0.73	0.32	1.19	0.30	0.52	0.43587998
SMU_761_at	0.85	1.18	0.76	0.96	0.10	0.17	0.23071077	0.97	0.78	1.17	0.17	0.29	0.85939586
SMU_150_at	0.85	1.18	0.75	0.95	0.10	0.17	0.22816826	0.96	0.75	1.19	0.17	0.30	0.83744025
SMU_2118_at	0.85	1.18	0.67	1.13	0.13	0.23	0.34319422	1.05	0.91	1.27	0.16	0.28	0.7562174
SMU_703c_at	0.85	1.18	0.64	1.00	0.13	0.22	0.32045472	0.96	0.78	1.11	0.16	0.28	0.7939314
AFFX-CreX-5_at	0.85	1.18	0.74	0.98	0.12	0.20	0.2809934	0.98	0.85	1.09	0.16	0.27	0.88442856
SMU_521_at	0.85	1.18	0.83	0.85	0.09	0.16	0.18937929	0.91	0.60	1.26	0.21	0.37	0.69149697
SMU_539c_at	0.85	1.18	0.62	1.35	0.18	0.31	0.45718673	1.00	0.71	1.41	0.21	0.36	0.99187636
SMU_1174c_at	0.84	1.18	0.78	0.96	0.10	0.17	0.22302435	0.96	0.80	1.11	0.16	0.27	0.80583537
SMU_121c_at	0.84	1.18	0.65	1.24	0.15	0.27	0.3959611	0.89	0.65	1.07	0.18	0.31	0.5688067
SMU_06_at	0.84	1.18	0.77	0.92	0.10	0.17	0.20963009	0.97	0.85	1.06	0.15	0.26	0.82562155
SMU_850_at	0.84	1.18	0.78	0.89	0.09	0.16	0.20016071	0.93	0.79	1.01	0.15	0.26	0.6624795
SMU_1733c_at	0.84	1.18	0.68	0.97	0.12	0.20	0.276741	0.98	0.92	1.03	0.14	0.25	0.9070835
SMU_1965c_at	0.84	1.19	0.77	0.93	0.10	0.17	0.21109155	1.18	0.93	1.78	0.23	0.40	0.42873648
SMU_317_at	0.84	1.19	0.64	1.05	0.13	0.23	0.3282757	0.88	0.64	1.05	0.18	0.31	0.5447409
SMU_516_at	0.84	1.19	0.70	0.93	0.11	0.19	0.25080213	0.83	0.57	1.00	0.19	0.33	0.43881
SMU_533_at	0.84	1.19	0.58	1.32	0.18	0.31	0.4540983	1.38	0.99	2.65	0.38	0.65	0.2849117
SMU_502_at	0.84	1.19	0.77	0.95	0.10	0.17	0.21555531	1.00	0.86	1.16	0.15	0.27	0.9811619
SMU_815_at	0.84	1.19	0.82	0.86	0.09	0.16	0.18454203	1.05	0.96	1.20	0.15	0.26	0.76085997
SMU_1708_at	0.84	1.19	0.69	0.96	0.11	0.19	0.26162827	0.89	0.71	1.01	0.16	0.28	0.5618335
SMU_794_at	0.84	1.19	0.74	1.01	0.11	0.19	0.24797063	0.87	0.64	1.03	0.18	0.30	0.519317
SMU_1643c_at	0.84	1.19	0.78	0.88	0.09	0.16	0.19100228	1.16	0.99	1.60	0.20	0.35	0.41435444
SMU_352_at	0.84	1.19	0.69	0.93	0.11	0.19	0.24776417	1.02	0.87	1.23	0.16	0.28	0.88663596
SMU_1062c_at	0.84	1.19	0.70	0.94	0.11	0.19	0.2430206	1.00	0.93	1.06	0.14	0.25	0.9742816
SMU_814_at	0.84	1.19	0.80	0.88	0.09	0.16	0.18418281	0.96	0.81	1.11	0.16	0.27	0.824121
SMU_1731c_at	0.84	1.19	0.79	0.90	0.09	0.16	0.18962143	1.00	0.87	1.13	0.15	0.26	0.986458
SMU_267c_at	0.84	1.19	0.63	1.05	0.13	0.23	0.3176624	0.94	0.54	1.53	0.27	0.47	0.82108694
SMU_1957c_at	0.84	1.19	0.73	1.01	0.11	0.19	0.2421421	0.90	0.71	1.01	0.16	0.28	0.563327
SMU_484_at	0.84	1.19	0.67	1.01	0.12	0.20	0.27671665	0.97	0.80	1.16	0.16	0.28	0.8764224
SMU_1067c_at	0.84	1.19	0.68	0.97	0.11	0.20	0.25869194	1.06	0.92	1.30	0.16	0.28	0.7200726
SMU_898_at	0.84	1.19	0.80	0.89	0.09	0.16	0.18061085	1.00	0.97	1.02	0.14	0.24	0.97318196
SMU_1939c_at	0.84	1.19	0.64	0.98	0.13	0.22	0.2948125	1.11	0.98	1.40	0.17	0.30	0.52058065
SMU_246_at	0.84	1.19	0.71	0.94	0.11	0.18	0.22877778	0.94	0.77	1.09	0.16	0.28	0.74199355
SMU_84_at	0.84	1.19	0.72	0.93	0.10	0.18	0.21484496	0.94	0.79	1.05	0.15	0.27	0.70882136

SMU_694c_at	0.84	1.19	0.74	1.03	0.11	0.19	0.24970755	0.89	0.65	1.07	0.18	0.31	0.5724827
SMU_91_at	0.84	1.20	0.76	0.95	0.10	0.17	0.20185688	1.01	0.71	1.46	0.22	0.37	0.9465704
SMU_297_at	0.84	1.20	0.70	1.02	0.11	0.20	0.25550768	0.81	0.53	1.01	0.20	0.35	0.42668393
SMU_771c_at	0.84	1.20	0.71	0.95	0.11	0.18	0.22336425	0.84	0.50	1.19	0.23	0.40	0.54082096
SMU_1173c_at	0.84	1.20	0.67	1.02	0.12	0.21	0.2668029	1.06	0.77	1.57	0.22	0.39	0.77575135
SMU_1555c_at	0.83	1.20	0.79	0.90	0.09	0.16	0.1786314	0.92	0.73	1.06	0.16	0.28	0.65039885
SMU_354_at	0.83	1.20	0.70	0.91	0.11	0.18	0.2204903	0.97	0.89	1.03	0.14	0.25	0.86259115
SMU_337_at	0.83	1.20	0.72	0.97	0.11	0.18	0.2212012	1.01	0.92	1.14	0.15	0.26	0.9269325
SMU_520_at	0.83	1.20	0.70	0.95	0.11	0.19	0.22855112	0.96	0.75	1.16	0.17	0.29	0.8053104
SMU_606_at	0.83	1.20	0.80	0.88	0.09	0.16	0.17244558	0.97	0.83	1.11	0.15	0.27	0.86119926
SMU_1972c_at	0.83	1.20	0.78	0.91	0.09	0.16	0.18152842	0.88	0.64	1.05	0.18	0.31	0.53904015
SMU_1360c_at	0.83	1.20	0.75	0.93	0.10	0.17	0.19679154	0.86	0.62	1.01	0.18	0.31	0.48127794
SMU_245_at	0.83	1.20	0.74	0.90	0.10	0.17	0.19094142	0.97	0.83	1.09	0.15	0.26	0.8301525
SMU_1526c_at	0.83	1.20	0.60	1.07	0.14	0.25	0.33677703	0.91	0.75	1.00	0.15	0.27	0.60306895
SMU_229_at	0.83	1.20	0.70	0.95	0.11	0.18	0.2210439	1.10	0.83	1.61	0.22	0.38	0.6467817
SMU_1149_at	0.83	1.20	0.60	1.15	0.15	0.26	0.3484557	0.88	0.66	1.03	0.17	0.30	0.5326479
SMU_1121c_at	0.83	1.20	0.71	0.96	0.11	0.18	0.21614915	1.13	0.94	1.55	0.20	0.34	0.5018637
SMU_822_at	0.83	1.20	0.69	0.97	0.11	0.19	0.23132396	0.98	0.80	1.16	0.16	0.28	0.89017487
SMU_805c_at	0.83	1.20	0.67	0.97	0.11	0.20	0.24316059	1.10	0.95	1.40	0.17	0.30	0.56479925
SMU_596_at	0.83	1.20	0.74	0.91	0.10	0.17	0.1857687	1.05	0.89	1.29	0.17	0.29	0.7860675
SMU_1997c_at	0.83	1.20	0.78	0.87	0.09	0.16	0.16700226	1.00	0.85	1.18	0.16	0.27	0.99281615
SMU_1960c_at	0.83	1.20	0.78	0.87	0.09	0.16	0.1673486	1.15	0.96	1.58	0.20	0.34	0.4568126
SMU_283_at	0.83	1.21	0.79	0.89	0.09	0.16	0.16868682	1.03	0.80	1.37	0.19	0.32	0.8692698
SMU_1954c_at	0.83	1.21	0.64	0.99	0.12	0.21	0.2698339	0.96	0.70	1.24	0.19	0.32	0.82422197
SMU_1532c_at	0.83	1.21	0.75	0.90	0.10	0.17	0.17830493	0.97	0.88	1.03	0.14	0.25	0.84174997
SMU_1564c_at	0.83	1.21	0.73	0.93	0.10	0.17	0.1931249	0.86	0.60	1.07	0.19	0.33	0.52519923
SMU_449_at	0.83	1.21	0.75	0.92	0.10	0.17	0.18115053	0.94	0.69	1.20	0.18	0.32	0.74995923
SMU_753_at	0.83	1.21	0.73	0.92	0.10	0.17	0.18876976	0.93	0.68	1.17	0.18	0.32	0.7134891
SMU_627_at	0.83	1.21	0.69	0.92	0.11	0.19	0.21542133	1.03	0.83	1.32	0.18	0.30	0.8661404
SMU_228_at	0.83	1.21	0.80	0.85	0.09	0.16	0.15727332	1.01	0.84	1.21	0.16	0.28	0.9734105
SMU_1165c_at	0.83	1.21	0.73	0.89	0.10	0.17	0.18435027	1.02	0.74	1.44	0.21	0.36	0.9284334
AFFX-r2-Ec-bioB-M	0.83	1.21	0.69	1.04	0.12	0.21	0.25811195	0.99	0.76	1.28	0.18	0.32	0.9605381
SMU_1940c_at	0.83	1.21	0.66	0.93	0.11	0.20	0.23789762	1.13	0.91	1.59	0.20	0.36	0.5332923
SMU_1877_at	0.83	1.21	0.68	0.91	0.11	0.19	0.21798745	0.87	0.46	1.43	0.28	0.49	0.6683679

SMU_943c_at	0.83	1.21	0.65	0.98	0.12	0.20	0.24692103	0.77	0.42	1.08	0.24	0.42	0.42151675
SMU_340_at	0.83	1.21	0.78	0.92	0.10	0.17	0.17347288	1.14	1.00	1.50	0.18	0.32	0.44054642
SMU_1648c_at	0.83	1.21	0.72	0.91	0.10	0.17	0.18721493	0.82	0.55	1.01	0.19	0.33	0.43783724
SMU_1781_at	0.83	1.21	0.78	0.85	0.09	0.16	0.15671627	0.92	0.76	1.01	0.15	0.27	0.6268681
SMU_1026_at	0.82	1.21	0.77	0.90	0.09	0.16	0.16529012	1.08	0.88	1.42	0.18	0.32	0.6785347
SMU_1626c_at	0.82	1.21	0.73	0.93	0.10	0.17	0.18512054	0.94	0.76	1.12	0.16	0.28	0.7528922
SMU_tRNA13_s_at	0.82	1.21	0.73	0.94	0.10	0.17	0.18545592	0.82	0.53	1.05	0.20	0.35	0.45574373
SMU_1104c_at	0.82	1.21	0.66	0.98	0.12	0.20	0.2363493	0.94	0.77	1.07	0.16	0.27	0.72352165
SMU_1041_at	0.82	1.21	0.76	0.89	0.09	0.16	0.16198754	1.02	0.85	1.23	0.16	0.28	0.9177558
SMU_1533c_at	0.82	1.21	0.73	0.91	0.10	0.17	0.17600696	1.03	0.94	1.18	0.15	0.26	0.82199186
SMU_512c_at	0.82	1.22	0.74	1.00	0.11	0.19	0.20947976	0.99	0.65	1.48	0.23	0.41	0.9534379
SMU_tRNA61_at	0.82	1.22	0.63	1.24	0.16	0.27	0.35606274	1.13	0.66	2.17	0.34	0.60	0.69054437
AFFX-BioC-5_at	0.82	1.22	0.72	0.90	0.11	0.19	0.20370543	1.02	0.85	1.26	0.17	0.29	0.8932412
SMU_137_at	0.82	1.22	0.47	1.09	0.20	0.34	0.44740942	0.83	0.52	1.10	0.21	0.37	0.48527983
SMU_1361c_at	0.82	1.22	0.74	0.93	0.10	0.17	0.17591198	0.86	0.58	1.12	0.20	0.35	0.55050355
SMU_536_at	0.82	1.22	0.59	1.21	0.16	0.28	0.35880983	1.17	0.81	1.97	0.28	0.49	0.53502816
SMU_1619c_at	0.82	1.22	0.65	0.96	0.12	0.20	0.23844962	1.07	0.81	1.52	0.21	0.36	0.73060614
SMU_1647c_at	0.82	1.22	0.75	0.90	0.10	0.17	0.16214597	0.86	0.63	1.00	0.18	0.30	0.47853065
SMU_1625c_at	0.82	1.22	0.65	0.97	0.12	0.20	0.23073836	1.17	0.89	1.81	0.24	0.42	0.4741702
SMU_1105c_at	0.82	1.22	0.59	1.07	0.14	0.25	0.3057898	0.93	0.74	1.08	0.16	0.28	0.6894162
SMU_1693c_at	0.82	1.22	0.70	0.90	0.10	0.18	0.18509552	0.99	0.70	1.38	0.21	0.36	0.9617912
SMU_467c_at	0.82	1.22	0.66	0.95	0.11	0.20	0.21926118	1.05	0.88	1.33	0.17	0.30	0.75352603
SMU_284_at	0.82	1.22	0.70	0.89	0.10	0.18	0.17949788	1.10	0.92	1.43	0.18	0.31	0.6031133
SMU_1262c_at	0.82	1.22	0.80	0.84	0.09	0.16	0.14330018	1.17	0.93	1.72	0.22	0.39	0.45106432
SMU_2058_at	0.82	1.22	0.67	0.95	0.11	0.19	0.20991717	0.95	0.62	1.39	0.23	0.39	0.83612937
SMU_318_at	0.82	1.22	0.66	0.96	0.11	0.20	0.22069006	0.95	0.84	1.01	0.15	0.25	0.74365294
AFFX-CreX-3_at	0.82	1.22	0.72	0.87	0.11	0.19	0.20453715	1.01	0.86	1.22	0.17	0.29	0.9360146
SMU_1964c_at	0.82	1.22	0.79	0.83	0.09	0.16	0.14198095	1.20	0.91	1.91	0.26	0.45	0.426439
SMU_535_at	0.82	1.22	0.62	1.19	0.15	0.26	0.3269091	1.18	0.83	1.99	0.28	0.48	0.501564
SMU_1933c_at	0.82	1.22	0.71	0.93	0.10	0.18	0.1779397	0.91	0.72	1.05	0.16	0.28	0.6204285
SMU_1786c_at	0.82	1.22	0.67	0.93	0.11	0.19	0.1983454	0.92	0.66	1.20	0.19	0.33	0.71139777
SMU_356_at	0.82	1.23	0.68	0.94	0.11	0.19	0.19161183	1.01	0.81	1.28	0.17	0.30	0.936394
SMU_1576c_at	0.82	1.23	0.75	0.92	0.10	0.17	0.16183957	0.86	0.58	1.09	0.20	0.34	0.5234696
SMU_1807c_at	0.82	1.23	0.61	1.04	0.13	0.23	0.27076676	1.03	0.80	1.37	0.19	0.32	0.8726774

SMU_1426c_at	0.82	1.23	0.61	0.98	0.13	0.22	0.25418934	1.01	0.91	1.12	0.15	0.25	0.9651428
SMU_1309c_at	0.81	1.23	0.70	0.89	0.10	0.18	0.17248932	1.07	0.90	1.36	0.17	0.30	0.69837457
AFFX-BioDn-5_at	0.81	1.23	0.77	0.85	0.10	0.18	0.17831405	0.98	0.87	1.07	0.15	0.26	0.88225865
SMU_385_at	0.81	1.23	0.61	1.00	0.13	0.22	0.2535822	0.86	0.43	1.52	0.31	0.53	0.68089914
SMU_1604c_at	0.81	1.23	0.63	1.16	0.15	0.25	0.3017683	1.01	0.99	1.05	0.14	0.24	0.929811
SMU_1970c_at	0.81	1.23	0.69	0.91	0.10	0.18	0.17670128	0.90	0.64	1.16	0.19	0.33	0.6496195
SMU_946_at	0.81	1.23	0.65	0.97	0.12	0.20	0.21485028	0.90	0.54	1.37	0.24	0.42	0.7140893
SMU_1260c_at	0.81	1.23	0.77	0.83	0.09	0.16	0.13385473	1.02	0.66	1.58	0.25	0.43	0.950865
SMU_1680c_at	0.81	1.23	0.69	0.89	0.10	0.18	0.16869055	0.94	0.70	1.21	0.18	0.32	0.7751121
SMU_715_at	0.81	1.23	0.74	0.86	0.09	0.16	0.14393912	1.00	0.82	1.22	0.17	0.29	0.99093926
SMU_2151c_at	0.81	1.24	0.79	0.85	0.09	0.16	0.13207263	0.98	0.91	1.04	0.14	0.25	0.9027789
SMU_526c_at	0.81	1.24	0.70	0.92	0.10	0.18	0.16604495	1.00	0.71	1.42	0.21	0.36	0.99737585
SMU_889_at	0.81	1.24	0.72	0.90	0.10	0.17	0.1553906	1.03	0.86	1.27	0.17	0.29	0.8657129
SMU_1746c_at	0.81	1.24	0.75	0.89	0.10	0.17	0.14396213	0.88	0.67	1.01	0.17	0.29	0.5318357
SMU_1572c_at	0.81	1.24	0.72	0.92	0.10	0.17	0.1588353	0.96	0.70	1.28	0.19	0.34	0.8551747
SMU_1076_at	0.81	1.24	0.66	0.90	0.11	0.19	0.18806449	1.00	0.82	1.23	0.17	0.29	0.9904151
SMU_381c_at	0.81	1.24	0.68	0.95	0.11	0.19	0.17925373	0.80	0.45	1.14	0.24	0.41	0.47497615
SMU_333_at	0.81	1.24	0.71	0.87	0.10	0.17	0.1505959	1.07	0.97	1.27	0.16	0.27	0.64350635
SMU_1046c_at	0.81	1.24	0.72	0.85	0.10	0.17	0.14355281	0.99	0.85	1.15	0.16	0.27	0.9668408
SMU_1563c_at	0.81	1.24	0.55	1.04	0.15	0.26	0.29601943	0.87	0.50	1.34	0.25	0.44	0.6511658
SMU_1223c_at	0.81	1.24	0.57	0.97	0.14	0.24	0.26802772	1.00	0.81	1.22	0.17	0.29	0.9853139
SMU_1529c_at	0.81	1.24	0.73	0.86	0.10	0.16	0.13775511	0.92	0.78	1.00	0.15	0.26	0.6341888
SMU_1221c_at	0.81	1.24	0.62	0.97	0.12	0.21	0.22223386	1.00	0.80	1.24	0.17	0.30	0.9857414
SMU_1100c_at	0.81	1.24	0.67	0.91	0.11	0.19	0.17482483	0.98	0.69	1.39	0.21	0.36	0.94431585
SMU_799c_at	0.81	1.24	0.60	1.02	0.13	0.23	0.25071514	0.89	0.56	1.26	0.22	0.39	0.65856344
SMU_1627c_at	0.81	1.24	0.69	0.91	0.10	0.18	0.16136204	0.94	0.81	1.03	0.15	0.26	0.7243497
SMU_2124_s_at	0.80	1.24	0.77	0.83	0.09	0.16	0.12368322	0.99	0.92	1.04	0.14	0.25	0.92095214
SMU_491_at	0.80	1.24	0.73	0.89	0.10	0.17	0.14080594	1.02	0.83	1.28	0.17	0.30	0.9200164
SMU_560c_at	0.80	1.24	0.80	0.82	0.09	0.16	0.12102911	1.09	0.99	1.31	0.16	0.28	0.5782692
SMU_1963c_at	0.80	1.25	0.75	0.92	0.10	0.17	0.14639497	1.10	0.82	1.61	0.22	0.38	0.65424603
SMU_1050_at	0.80	1.25	0.64	0.92	0.11	0.19	0.18533096	0.85	0.56	1.10	0.20	0.35	0.5205145
SMU_1936c_at	0.80	1.25	0.62	0.93	0.12	0.21	0.20182212	1.00	0.77	1.30	0.18	0.32	0.9996088
AFFX-r2-Ec-bioB-5_a	0.80	1.25	0.71	0.87	0.10	0.17	0.14416604	1.18	0.91	1.82	0.24	0.42	0.4521777
SMU_1203c_at	0.80	1.25	0.68	0.93	0.11	0.18	0.16236202	1.10	0.79	1.67	0.23	0.40	0.6727106

SMU_2123_at	0.80	1.25	0.73	0.84	0.09	0.16	0.12699111	1.01	0.92	1.10	0.14	0.25	0.97125524
SMU_tRNA32_s_at	0.80	1.25	0.50	1.33	0.20	0.34	0.39961043	1.30	0.79	2.74	0.42	0.72	0.43538073
SMU_1587c_at	0.80	1.25	0.52	1.24	0.18	0.31	0.35854304	0.92	0.73	1.07	0.16	0.28	0.6606275
SMU_433_at	0.80	1.25	0.68	0.91	0.10	0.18	0.15210076	1.01	0.63	1.62	0.26	0.45	0.9826118
SMU_48_at	0.80	1.25	0.62	1.03	0.13	0.22	0.22489467	0.91	0.51	1.49	0.27	0.47	0.7610436
SMU_26_at	0.80	1.25	0.68	0.87	0.10	0.18	0.14718796	1.01	0.76	1.35	0.19	0.33	0.9645294
SMU_336_at	0.80	1.25	0.60	1.01	0.13	0.23	0.23057269	1.01	0.96	1.07	0.14	0.25	0.95826817
SMU_1578_at	0.80	1.25	0.65	0.95	0.11	0.19	0.17730771	0.89	0.60	1.18	0.20	0.35	0.61959195
SMU_769_at	0.80	1.26	0.71	0.92	0.10	0.17	0.14361477	0.90	0.65	1.11	0.18	0.31	0.6148074
SMU_148_at	0.80	1.26	0.76	0.81	0.09	0.16	0.11503823	0.90	0.62	1.17	0.20	0.34	0.63512146
SMU_1446c_at	0.80	1.26	0.61	0.94	0.12	0.21	0.19890407	1.07	0.93	1.30	0.16	0.28	0.69334686
SMU_1934c_at	0.80	1.26	0.62	0.94	0.12	0.20	0.19268651	0.95	0.70	1.22	0.19	0.32	0.80033684
AFFX-BioDn-3_at	0.80	1.26	0.70	0.85	0.11	0.19	0.1684629	1.00	0.88	1.15	0.16	0.27	0.982721
SMU_532_at	0.79	1.26	0.57	1.21	0.16	0.28	0.3128159	1.28	0.92	2.26	0.31	0.55	0.35932925
SMU_2117_at	0.79	1.26	0.64	1.07	0.13	0.22	0.2223499	1.04	0.92	1.24	0.16	0.27	0.7871314
SMU_865_at	0.79	1.26	0.75	0.86	0.09	0.16	0.1204406	0.85	0.58	1.07	0.19	0.33	0.50691193
SMU_687c_at	0.79	1.26	0.71	0.95	0.11	0.19	0.16371156	0.90	0.71	1.02	0.16	0.28	0.580319
SMU_709_at	0.79	1.26	0.67	0.99	0.11	0.20	0.17991143	0.98	0.89	1.06	0.14	0.25	0.8932945
SMU_1794c_at	0.79	1.26	0.62	1.01	0.12	0.21	0.20340557	0.89	0.66	1.07	0.17	0.30	0.5780458
SMU_1511c_at	0.79	1.26	0.70	0.89	0.10	0.17	0.13639024	0.99	0.87	1.11	0.15	0.26	0.93782496
SMU_1700c_at	0.79	1.26	0.54	0.97	0.15	0.25	0.26272792	0.90	0.61	1.21	0.20	0.35	0.6624038
SMU_242c_at	0.79	1.26	0.63	0.93	0.11	0.20	0.17487988	1.10	0.85	1.58	0.21	0.37	0.629476
SMU_990_at	0.79	1.26	0.56	0.95	0.14	0.24	0.24106534	1.23	0.92	2.03	0.28	0.48	0.3936904
SMU_2150c_at	0.79	1.26	0.71	0.84	0.10	0.16	0.120145544	0.99	0.87	1.11	0.15	0.26	0.94212925
SMU_1971c_at	0.79	1.27	0.72	0.87	0.10	0.17	0.12214718	0.90	0.62	1.16	0.19	0.34	0.62900335
SMU_255_at	0.79	1.27	0.73	0.85	0.09	0.16	0.116824165	1.12	0.90	1.56	0.20	0.35	0.55050546
SMU_637c_at	0.79	1.27	0.64	1.10	0.13	0.23	0.23038277	0.85	0.43	1.43	0.29	0.51	0.6385046
SMU_1679c_at	0.79	1.27	0.63	0.91	0.11	0.20	0.1718207	0.91	0.62	1.23	0.20	0.35	0.6944422
SMU_1249c_at	0.79	1.27	0.76	0.81	0.09	0.16	0.10624564	0.96	0.85	1.02	0.15	0.25	0.77414423
SMU_1804c_at	0.79	1.27	0.59	1.11	0.14	0.25	0.2474756	1.02	0.99	1.06	0.14	0.24	0.90804917
SMU_1874_at	0.79	1.27	0.66	0.91	0.11	0.18	0.14817555	0.96	0.63	1.40	0.23	0.39	0.85737675
SMU_546_at	0.79	1.27	0.61	1.00	0.12	0.22	0.19828478	1.05	0.77	1.52	0.22	0.37	0.8046571
AFFX-BioB-3_at	0.79	1.27	0.76	0.82	0.10	0.17	0.1288738	1.12	0.94	1.50	0.19	0.33	0.5258557
SMU_407_at	0.79	1.27	0.66	0.87	0.11	0.18	0.14529544	0.92	0.78	1.00	0.15	0.26	0.63687235

SMU_2052c_at	0.79	1.27	0.64	0.88	0.11	0.19	0.15223292	1.06	0.97	1.21	0.15	0.26	0.7167505
SMU_1840c_at	0.79	1.27	0.63	0.91	0.11	0.20	0.16421586	1.04	0.74	1.51	0.22	0.38	0.86409885
SMU_469c_at	0.79	1.27	0.64	0.91	0.11	0.19	0.16101402	1.13	0.94	1.52	0.19	0.33	0.5101491
SMU_493_at	0.79	1.27	0.68	0.90	0.10	0.18	0.13475323	1.03	0.81	1.33	0.18	0.31	0.88801587
SMU_1314_at	0.79	1.27	0.62	0.94	0.12	0.20	0.17642823	0.94	0.64	1.29	0.21	0.36	0.7803293
SMU_1795c_at	0.79	1.27	0.66	0.98	0.11	0.20	0.16724093	0.87	0.61	1.09	0.19	0.33	0.5426867
SMU_1896c_at	0.79	1.27	0.58	1.05	0.14	0.24	0.22921087	0.78	0.44	1.05	0.23	0.40	0.4155441
SMU_1574c_at	0.79	1.27	0.71	0.90	0.10	0.17	0.12428216	0.84	0.56	1.05	0.20	0.34	0.4785256
SMU_854_at	0.78	1.27	0.64	0.88	0.11	0.19	0.14935985	0.88	0.66	1.04	0.17	0.30	0.5454189
SMU_551_at	0.78	1.27	0.65	0.87	0.11	0.19	0.146793	1.07	0.83	1.47	0.20	0.34	0.7247309
SMU_911c_at	0.78	1.27	0.53	1.04	0.15	0.26	0.2673959	0.89	0.48	1.45	0.27	0.48	0.70329326
SMU_1417c_at	0.78	1.27	0.67	0.87	0.10	0.18	0.13291666	0.99	0.76	1.29	0.18	0.32	0.9779214
SMU_1871c_at	0.78	1.28	0.69	0.92	0.10	0.18	0.13611442	1.08	0.95	1.31	0.16	0.28	0.6412977
SMU_87_at	0.78	1.28	0.67	0.93	0.11	0.18	0.14011167	1.01	0.80	1.30	0.18	0.31	0.94161344
SMU_118c_at	0.78	1.28	0.54	0.97	0.14	0.25	0.24100174	0.92	0.70	1.10	0.17	0.30	0.6634289
SMU_64_at	0.78	1.28	0.61	0.93	0.12	0.20	0.17130178	0.91	0.70	1.10	0.17	0.30	0.64774346
SMU_561c_at	0.78	1.28	0.70	0.88	0.10	0.17	0.114717916	0.83	0.42	1.36	0.28	0.49	0.5889386
SMU_742_at	0.78	1.28	0.68	0.84	0.10	0.17	0.1161814	0.89	0.59	1.19	0.21	0.36	0.6252905
SMU_1189c_at	0.78	1.28	0.71	0.86	0.10	0.17	0.11112579	0.87	0.58	1.14	0.20	0.35	0.5636922
SMU_494_at	0.78	1.28	0.63	0.92	0.11	0.19	0.15391321	0.90	0.68	1.08	0.17	0.30	0.6074197
SMU_691_at	0.78	1.28	0.66	0.89	0.10	0.18	0.12975511	0.97	0.88	1.04	0.14	0.25	0.85202867
SMU_789_at	0.78	1.28	0.68	0.93	0.11	0.18	0.13592838	0.87	0.61	1.07	0.19	0.32	0.5336543
SMU_1521_at	0.78	1.28	0.68	0.89	0.10	0.17	0.120942965	1.02	0.92	1.14	0.15	0.26	0.90775347
SMU_tRNA30_at	0.78	1.28	0.59	1.06	0.14	0.23	0.21519072	1.02	0.57	1.86	0.32	0.55	0.9493313
SMU_1937c_at	0.78	1.29	0.59	0.94	0.12	0.21	0.18368436	1.00	0.73	1.36	0.20	0.34	0.9989468
SMU_1257c_at	0.78	1.29	0.66	0.86	0.10	0.18	0.124403715	0.99	0.72	1.33	0.20	0.34	0.95228755
SMU_298_at	0.78	1.29	0.66	0.97	0.11	0.19	0.15225966	0.79	0.49	1.01	0.21	0.36	0.40668136
SMU_410_at	0.78	1.29	0.65	0.88	0.10	0.18	0.13096453	0.98	0.81	1.15	0.16	0.28	0.8920004
SMU_821_at	0.78	1.29	0.65	0.86	0.11	0.18	0.13145824	1.00	0.79	1.27	0.18	0.30	0.9921187
SMU_368c_at	0.78	1.29	0.59	0.89	0.12	0.21	0.17741217	1.03	0.83	1.33	0.18	0.31	0.8496241
SMU_1455c_at	0.78	1.29	0.73	0.85	0.09	0.16	0.103221074	0.94	0.74	1.12	0.17	0.29	0.74457157
SMU_650_at	0.78	1.29	0.68	0.88	0.10	0.17	0.11669977	0.96	0.78	1.14	0.16	0.28	0.82843447
AFFX-BioB-M_at	0.77	1.29	0.68	0.84	0.11	0.18	0.12919167	1.08	0.92	1.36	0.17	0.30	0.66264653
SMU_1938c_at	0.77	1.29	0.63	0.93	0.11	0.20	0.149937	0.99	0.81	1.21	0.17	0.29	0.96974856

SMU_1777c at	0.77	1.29	0.73	0.80	0.09	0.16	0.094557434	0.99	0.86	1.11	0.15	0.26	0.9315694
SMU_120 at	0.77	1.29	0.70	0.91	0.10	0.18	0.12207095	0.94	0.79	1.07	0.16	0.27	0.73817563
SMU_1722c at	0.77	1.29	0.63	0.86	0.11	0.19	0.13819309	0.97	0.70	1.30	0.19	0.34	0.88785684
SMU_1935c at	0.77	1.29	0.61	0.93	0.12	0.20	0.15564108	0.96	0.66	1.33	0.21	0.36	0.8407918
SMU_1327c at	0.77	1.29	0.58	0.90	0.12	0.21	0.17510329	1.00	0.75	1.32	0.19	0.33	0.9820573
SMU_2153c at	0.77	1.30	0.67	0.84	0.10	0.17	0.11012777	0.88	0.65	1.05	0.18	0.30	0.54393655
SMU_1276c at	0.77	1.30	0.68	0.86	0.10	0.17	0.11193806	0.96	0.83	1.05	0.15	0.26	0.7903593
SMU_1732c at	0.77	1.30	0.71	0.83	0.09	0.16	0.09764297	0.97	0.87	1.05	0.15	0.25	0.8481651
SMU_405c at	0.77	1.30	0.63	0.90	0.11	0.19	0.13453536	0.73	0.30	1.31	0.33	0.58	0.47627416
SMU_1315c at	0.77	1.30	0.73	0.82	0.09	0.16	0.09321341	1.00	0.85	1.17	0.16	0.27	0.9961565
SMU_1588c at	0.77	1.30	0.63	0.91	0.11	0.19	0.13635227	0.88	0.65	1.07	0.18	0.31	0.5631243
SMU_1974 at	0.77	1.30	0.65	0.93	0.11	0.19	0.13410942	0.95	0.73	1.16	0.17	0.30	0.76836514
SMU_1443c at	0.77	1.30	0.67	0.86	0.10	0.17	0.10880155	1.08	0.84	1.49	0.20	0.34	0.69455504
SMU_1522 at	0.77	1.30	0.68	0.86	0.10	0.17	0.10721354	1.02	0.99	1.08	0.14	0.24	0.88059556
SMU_1925c at	0.77	1.30	0.75	0.81	0.09	0.16	0.08902515	0.85	0.57	1.09	0.20	0.34	0.5173554
SMU_558 at	0.77	1.30	0.61	1.00	0.12	0.21	0.17051448	1.08	0.92	1.37	0.17	0.30	0.65507185
SMU_603 at	0.77	1.30	0.64	0.85	0.11	0.18	0.124201655	1.01	0.78	1.31	0.18	0.32	0.9756162
SMU_1316c at	0.77	1.30	0.71	0.84	0.09	0.16	0.09708881	0.99	0.92	1.05	0.14	0.25	0.95372903
SMU_1685c at	0.77	1.30	0.67	0.85	0.10	0.17	0.10745994	0.96	0.85	1.04	0.15	0.25	0.8049913
SMU_1789c at	0.77	1.30	0.66	0.94	0.11	0.19	0.13093121	1.02	0.73	1.43	0.21	0.36	0.9400835
SMU_634c at	0.77	1.30	0.61	0.98	0.12	0.21	0.16223893	0.84	0.36	1.66	0.36	0.63	0.6728242
SMU_1826c at	0.77	1.30	0.71	0.82	0.09	0.16	0.0925475	0.91	0.64	1.19	0.19	0.33	0.67902076
SMU_1802c at	0.77	1.30	0.65	0.84	0.10	0.18	0.112329006	0.99	0.81	1.18	0.16	0.28	0.9338241
SMU_1045c at	0.76	1.31	0.70	0.80	0.09	0.16	0.09187965	0.96	0.81	1.10	0.16	0.27	0.80777746
SMU_522 at	0.76	1.31	0.66	0.88	0.10	0.18	0.11014512	0.84	0.58	1.03	0.19	0.33	0.4754275
SMU_1642c at	0.76	1.31	0.72	0.82	0.09	0.16	0.087450735	1.12	0.93	1.53	0.19	0.34	0.5244005
SMU_1650c at	0.76	1.31	0.66	0.90	0.11	0.18	0.11689045	0.90	0.35	2.05	0.43	0.75	0.81030273
SMU_1573c at	0.76	1.31	0.60	0.91	0.12	0.20	0.14231983	1.01	0.79	1.30	0.18	0.31	0.96794915
SMU_2091c at	0.76	1.31	0.59	0.91	0.12	0.20	0.14799055	1.00	0.80	1.25	0.17	0.30	0.99842817
SMU_1928 at	0.76	1.31	0.54	1.07	0.15	0.25	0.21914753	0.95	0.63	1.35	0.22	0.38	0.821048
SMU_1322c at	0.76	1.31	0.67	0.94	0.11	0.19	0.1245161	1.06	0.99	1.21	0.15	0.26	0.6907767
SMU_1375c at	0.76	1.31	0.67	0.87	0.10	0.17	0.102935694	0.92	0.74	1.04	0.16	0.28	0.6347965
SMU_2147c at	0.76	1.31	0.64	0.85	0.10	0.18	0.1107773	0.97	0.89	1.03	0.14	0.25	0.8538257
SMU_1709 at	0.76	1.31	0.56	0.92	0.13	0.22	0.17367604	0.90	0.72	1.03	0.16	0.28	0.5967341

SMU_1884c_at	0.76	1.32	0.64	0.96	0.11	0.20	0.1349691	0.85	0.59	1.03	0.19	0.32	0.48154297
SMU_1575c_at	0.76	1.32	0.67	0.88	0.10	0.18	0.10632715	0.88	0.66	1.03	0.17	0.30	0.54235095
SMU_1114c_at	0.76	1.32	0.62	0.84	0.11	0.18	0.11705221	0.94	0.82	1.03	0.15	0.26	0.73186946
SMU_1222c_at	0.76	1.32	0.61	0.88	0.11	0.19	0.1286935	0.89	0.66	1.08	0.18	0.31	0.5890433
SMU_399_at	0.76	1.32	0.63	0.87	0.11	0.18	0.1159722	0.85	0.58	1.06	0.19	0.33	0.49580443
SMU_1775c_at	0.76	1.32	0.61	0.87	0.11	0.19	0.1275771	0.98	0.89	1.05	0.14	0.25	0.8819658
SMU_1853_at	0.76	1.32	0.57	0.90	0.12	0.21	0.15422383	0.97	0.74	1.22	0.18	0.31	0.8612246
SMU_450_at	0.76	1.32	0.65	0.88	0.10	0.18	0.10916437	0.98	0.73	1.30	0.19	0.33	0.9287223
SMU_1263c_at	0.76	1.32	0.60	0.92	0.12	0.20	0.13814434	1.11	0.90	1.52	0.19	0.34	0.5764998
SMU_241c_at	0.76	1.32	0.70	0.88	0.10	0.17	0.09904553	0.91	0.74	1.03	0.16	0.28	0.6241685
SMU_1384c_at	0.76	1.32	0.60	0.88	0.11	0.20	0.13289784	0.93	0.70	1.14	0.18	0.30	0.70727515
SMU_308_at	0.76	1.32	0.63	0.95	0.11	0.20	0.13206272	0.94	0.77	1.08	0.16	0.27	0.73567575
SMU_1792c_at	0.76	1.32	0.58	1.03	0.13	0.23	0.17920864	0.87	0.57	1.16	0.21	0.36	0.58197963
SMU_1562c_at	0.76	1.32	0.54	0.95	0.13	0.23	0.18374147	0.83	0.50	1.14	0.22	0.39	0.5064831
SMU_509_at	0.75	1.33	0.61	0.92	0.11	0.20	0.12837102	0.94	0.66	1.26	0.20	0.35	0.7785616
SMU_278_x_at	0.75	1.33	0.72	0.78	0.09	0.16	0.077432334	0.90	0.70	1.06	0.17	0.29	0.60246426
SMU_1295c_at	0.75	1.33	0.64	0.89	0.10	0.18	0.10757221	0.69	0.29	1.16	0.31	0.54	0.4091257
SMU_173_at	0.75	1.33	0.70	0.80	0.09	0.16	0.081024475	1.14	0.96	1.52	0.19	0.33	0.48000416
SMU_1043c_at	0.75	1.33	0.64	0.86	0.10	0.18	0.102587156	0.98	0.80	1.18	0.16	0.28	0.90368813
SMU_1427c_at	0.75	1.33	0.58	0.87	0.12	0.21	0.13903302	1.00	0.83	1.19	0.16	0.28	0.9866375
SMU_1872c_at	0.75	1.33	0.66	0.86	0.10	0.17	0.09683114	1.07	0.89	1.38	0.18	0.31	0.68824047
SMU_1428c_at	0.75	1.33	0.58	0.90	0.12	0.20	0.13734846	1.05	0.87	1.35	0.18	0.30	0.7696684
SMU_351_at	0.75	1.33	0.64	0.85	0.10	0.18	0.098783866	0.98	0.80	1.16	0.16	0.28	0.89759856
SMU_1510c_at	0.75	1.33	0.61	0.97	0.12	0.21	0.1394463	1.03	0.95	1.14	0.15	0.25	0.8669591
SMU_717c_at	0.75	1.33	0.68	0.82	0.10	0.16	0.084162	0.98	0.76	1.22	0.18	0.30	0.89256966
SMU_2120c_at	0.75	1.33	0.67	0.90	0.10	0.18	0.10257512	0.88	0.63	1.09	0.18	0.32	0.57298887
SMU_1633c_at	0.75	1.33	0.68	0.80	0.09	0.16	0.082232185	1.04	0.93	1.20	0.15	0.26	0.808968
SMU_1948c_at	0.75	1.33	0.69	0.78	0.09	0.16	0.07791271	0.90	0.66	1.10	0.18	0.31	0.60787505
SMU_711_at	0.75	1.34	0.65	0.89	0.10	0.18	0.10122602	0.98	0.93	1.01	0.14	0.24	0.8828126
SMU_987_at	0.75	1.34	0.61	0.85	0.11	0.19	0.112469316	1.14	0.99	1.49	0.18	0.32	0.44783327
SMU_2149c_at	0.75	1.34	0.63	0.89	0.11	0.18	0.10783386	0.94	0.79	1.05	0.15	0.27	0.72542477
SMU_2060_at	0.75	1.34	0.66	0.82	0.10	0.17	0.08764417	0.89	0.62	1.14	0.19	0.33	0.61036015
SMU_1844_at	0.75	1.34	0.69	0.86	0.10	0.17	0.08973809	0.77	0.45	1.03	0.22	0.39	0.3978363
SMU_1277c_at	0.75	1.34	0.59	0.88	0.11	0.19	0.12094609	0.93	0.75	1.06	0.16	0.28	0.68197805

SMU_1798c_at	0.75	1.34	0.70	0.79	0.09	0.16	0.07578909	0.95	0.80	1.05	0.15	0.26	0.7430778
SMU_2158c_at	0.75	1.34	0.68	0.82	0.10	0.16	0.081055254	1.00	0.71	1.42	0.21	0.36	0.98907924
SMU_2157c_at	0.75	1.34	0.66	0.83	0.10	0.17	0.085686006	0.96	0.84	1.04	0.15	0.26	0.77830744
SMU_657_at	0.74	1.34	0.51	1.13	0.16	0.28	0.23179944	0.85	0.39	1.56	0.33	0.57	0.662378
SMU_302_at	0.74	1.34	0.54	1.00	0.14	0.24	0.17444173	0.87	0.63	1.04	0.18	0.31	0.51844764
SMU_550_at	0.74	1.34	0.69	0.78	0.09	0.16	0.074145466	0.94	0.79	1.06	0.15	0.27	0.7411854
SMU_647_at	0.74	1.34	0.57	0.93	0.12	0.21	0.1368204	0.80	0.44	1.19	0.25	0.43	0.49598894
SMU_1151c_at	0.74	1.34	0.52	1.10	0.15	0.27	0.21365298	0.97	0.56	1.64	0.28	0.49	0.915616
SMU_116_at	0.74	1.34	0.58	0.85	0.12	0.20	0.12423819	0.98	0.66	1.45	0.23	0.39	0.9434012
SMU_15_at	0.74	1.34	0.60	0.89	0.11	0.19	0.1149509	0.96	0.66	1.33	0.21	0.36	0.8437261
SMU_1841c_at	0.74	1.35	0.50	0.93	0.15	0.25	0.19327782	0.77	0.37	1.22	0.28	0.49	0.47772512
SMU_1513c_at	0.74	1.35	0.61	0.95	0.12	0.20	0.12386186	0.92	0.62	1.27	0.21	0.36	0.7353984
SMU_1176_at	0.74	1.35	0.55	0.96	0.13	0.23	0.15640497	0.97	0.54	1.68	0.29	0.51	0.91431427
SMU_1182c_at	0.74	1.35	0.55	0.98	0.13	0.23	0.15759514	0.98	0.80	1.19	0.17	0.29	0.916922
SMU_2148c_at	0.74	1.35	0.64	0.82	0.10	0.17	0.08704208	0.97	0.85	1.07	0.15	0.26	0.84248286
SMU_547_at	0.74	1.35	0.69	0.82	0.10	0.17	0.07713274	1.03	0.82	1.35	0.18	0.32	0.8515907
SMU_2162c_at	0.74	1.35	0.66	0.80	0.10	0.17	0.07892649	0.91	0.71	1.06	0.17	0.29	0.62257826
SMU_1471c_at	0.74	1.35	0.59	1.02	0.13	0.22	0.15253514	0.94	0.68	1.20	0.19	0.32	0.74863094
SMU_2035_at	0.74	1.35	0.68	0.83	0.10	0.17	0.07699016	1.16	0.93	1.70	0.22	0.38	0.45971
SMU_279_at	0.74	1.36	0.55	0.91	0.12	0.21	0.13667792	1.13	0.99	1.47	0.18	0.31	0.47153598
SMU_1801c_at	0.74	1.36	0.61	0.84	0.10	0.18	0.09500051	0.96	0.75	1.17	0.17	0.29	0.80578864
SMU_1259_at	0.74	1.36	0.65	0.88	0.10	0.18	0.094363295	0.95	0.41	2.13	0.42	0.73	0.909951
SMU_396_at	0.74	1.36	0.69	0.82	0.10	0.17	0.07531073	1.00	0.97	1.03	0.14	0.24	0.99542516
SMU_1673c_at	0.74	1.36	0.71	0.76	0.09	0.16	0.06641138	0.96	0.78	1.13	0.16	0.28	0.8178041
SMU_1852_at	0.74	1.36	0.64	0.80	0.10	0.17	0.07986504	1.00	0.89	1.12	0.15	0.26	0.9868552
SMU_268_at	0.74	1.36	0.56	0.89	0.12	0.21	0.12613752	0.97	0.69	1.31	0.20	0.35	0.8803234
SMU_501_at	0.74	1.36	0.60	0.88	0.11	0.19	0.103849776	1.00	0.85	1.18	0.16	0.27	0.992794
SMU_564_at	0.73	1.36	0.67	0.78	0.09	0.16	0.07087239	1.07	0.77	1.58	0.22	0.39	0.75662583
SMU_873_at	0.73	1.36	0.53	0.91	0.13	0.22	0.14783923	2.04	0.88	9.75	1.50	2.60	0.27498323
SMU_1601c_at	0.73	1.36	0.67	0.80	0.09	0.16	0.0725603	1.01	0.87	1.17	0.16	0.27	0.96673924
SMU_1632c_at	0.73	1.36	0.58	0.89	0.11	0.20	0.11345068	0.94	0.78	1.05	0.16	0.27	0.70978445
SMU_1561c_at	0.73	1.36	0.53	0.96	0.13	0.23	0.15841967	0.80	0.49	1.03	0.21	0.37	0.4208507
SMU_1800c_at	0.73	1.37	0.67	0.77	0.09	0.16	0.06863339	0.95	0.81	1.04	0.15	0.26	0.7393573
SMU_117c_at	0.73	1.37	0.59	0.82	0.11	0.19	0.098265745	0.89	0.64	1.11	0.18	0.32	0.5952318

SMU_89c_at	0.73	1.37	0.55	0.99	0.13	0.23	0.14989065	0.97	0.47	1.98	0.37	0.64	0.9403679
SMU_1609c_at	0.73	1.37	0.70	0.76	0.09	0.16	0.06333266	0.97	0.63	1.44	0.23	0.40	0.89050454
SMU_2129c_at	0.73	1.37	0.70	0.77	0.09	0.16	0.06333983	0.95	0.73	1.20	0.18	0.31	0.8069482
SMU_165_at	0.73	1.37	0.58	0.94	0.12	0.21	0.11969657	0.92	0.63	1.23	0.20	0.35	0.70595837
SMU_589_at	0.73	1.37	0.64	0.84	0.10	0.17	0.07832598	0.97	0.75	1.21	0.18	0.30	0.8580606
SMU_400_at	0.73	1.38	0.57	0.83	0.11	0.20	0.103396505	0.83	0.53	1.09	0.21	0.36	0.4844022
SMU_1723c_at	0.72	1.38	0.64	0.79	0.10	0.17	0.07175914	0.92	0.73	1.07	0.16	0.28	0.66279024
SMU_611_at	0.72	1.38	0.58	0.85	0.11	0.19	0.0961122	0.94	0.67	1.26	0.20	0.34	0.7823635
SMU_1051_at	0.72	1.38	0.58	0.82	0.11	0.19	0.09532924	0.85	0.53	1.17	0.22	0.38	0.54895973
SMU_1870c_at	0.72	1.38	0.64	0.79	0.10	0.17	0.071655825	0.92	0.66	1.19	0.19	0.33	0.7041972
SMU_682_at	0.72	1.38	0.69	0.76	0.09	0.16	0.060345493	0.92	0.69	1.11	0.17	0.30	0.65662736
SMU_806c_at	0.72	1.38	0.61	0.83	0.10	0.18	0.08210712	1.06	0.91	1.31	0.17	0.29	0.7168624
SMU_1290c_at	0.72	1.38	0.58	0.87	0.11	0.19	0.10027224	1.01	0.83	1.23	0.17	0.29	0.96277404
SMU_2152c_at	0.72	1.38	0.67	0.78	0.09	0.16	0.06381154	0.96	0.71	1.24	0.19	0.32	0.8279242
SMU_374_at	0.72	1.38	0.68	0.78	0.09	0.16	0.062509365	0.94	0.80	1.02	0.15	0.26	0.6936986
SMU_745c_at	0.72	1.39	0.57	0.84	0.11	0.19	0.09658452	0.99	0.71	1.38	0.21	0.36	0.97397476
SMU_1603_at	0.72	1.39	0.59	0.85	0.11	0.19	0.09211058	0.93	0.59	1.37	0.23	0.40	0.7805942
SMU_549_at	0.72	1.39	0.61	0.80	0.10	0.17	0.076610126	0.95	0.78	1.10	0.16	0.28	0.7746828
SMU_486_at	0.72	1.39	0.63	0.82	0.10	0.17	0.07310791	0.99	0.74	1.30	0.19	0.33	0.9501877
SMU_1520_at	0.72	1.39	0.64	0.82	0.10	0.17	0.0713654	1.06	1.00	1.21	0.15	0.26	0.67622596
SMU_1113c_at	0.72	1.39	0.59	0.82	0.11	0.18	0.08673037	0.91	0.70	1.09	0.17	0.30	0.641927
SMU_1839c_at	0.72	1.39	0.54	0.89	0.12	0.21	0.1209633	0.97	0.68	1.36	0.21	0.36	0.9015196
SMU_1581c_at	0.72	1.39	0.51	0.92	0.13	0.23	0.14312483	0.94	0.74	1.11	0.17	0.29	0.7230179
SMU_1873_at	0.72	1.39	0.60	0.83	0.10	0.18	0.07993864	0.90	0.49	1.49	0.28	0.48	0.7404893
SMU_1621c_at	0.72	1.40	0.62	0.78	0.10	0.17	0.0681132	1.00	0.80	1.24	0.17	0.30	0.98941517
SMU_587_at	0.71	1.40	0.65	0.77	0.09	0.16	0.062159084	0.99	0.76	1.27	0.18	0.31	0.95540106
SMU_2032c_at	0.71	1.40	0.58	0.80	0.11	0.18	0.08175392	0.97	0.84	1.09	0.15	0.26	0.8510789
SMU_1255c_at	0.71	1.40	0.65	0.75	0.09	0.16	0.059946552	0.93	0.66	1.20	0.19	0.33	0.7171365
SMU_523_at	0.71	1.40	0.62	0.80	0.10	0.17	0.068201646	0.87	0.52	1.27	0.24	0.41	0.6224698
SMU_1035_at	0.71	1.40	0.44	1.12	0.18	0.31	0.22787605	0.69	0.32	1.02	0.27	0.47	0.35626084
SMU_514_at	0.71	1.40	0.67	0.75	0.09	0.16	0.056222897	0.93	0.68	1.18	0.18	0.32	0.7282714
SMU_409_at	0.71	1.41	0.63	0.77	0.10	0.17	0.063810274	0.93	0.74	1.10	0.16	0.29	0.70794654
SMU_1123c_at	0.71	1.41	0.65	0.76	0.09	0.16	0.058940172	1.07	0.84	1.45	0.19	0.33	0.723916
SMU_1943c_at	0.71	1.41	0.59	0.82	0.11	0.18	0.07949471	1.01	0.74	1.38	0.20	0.35	0.9721478

SMU_364_at	0.71	1.41	0.59	0.82	0.10	0.18	0.07680074	0.96	0.78	1.16	0.16	0.29	0.83779955
SMU_2061_at	0.71	1.41	0.62	0.77	0.10	0.17	0.06292267	0.89	0.61	1.17	0.20	0.34	0.62911725
SMU_tRNA65_at	0.71	1.41	0.56	1.06	0.14	0.25	0.1529443	1.26	0.93	2.15	0.30	0.51	0.35993102
SMU_1256c_at	0.71	1.41	0.64	0.75	0.09	0.16	0.057674944	0.94	0.70	1.20	0.18	0.32	0.7765273
SMU_1882c_at	0.71	1.42	0.53	0.86	0.12	0.21	0.10330345	0.95	0.82	1.05	0.15	0.26	0.75986856
SMU_1447c_at	0.71	1.42	0.59	0.79	0.10	0.18	0.07285618	1.14	0.94	1.57	0.20	0.34	0.49222484
SMU_236c_at	0.71	1.42	0.56	0.82	0.11	0.19	0.08548894	1.09	0.71	1.86	0.28	0.49	0.732307
SMU_404c_at	0.71	1.42	0.67	0.79	0.09	0.16	0.057979405	0.79	0.38	1.33	0.30	0.52	0.53679186
SMU_1750c_at	0.71	1.42	0.61	0.77	0.10	0.17	0.06338827	1.02	0.88	1.19	0.16	0.27	0.9246163
SMU_1895c_at	0.71	1.42	0.42	1.03	0.18	0.31	0.21868888	0.73	0.34	1.11	0.28	0.48	0.40744287
SMU_119c_at	0.70	1.42	0.47	0.91	0.14	0.25	0.15184781	0.88	0.62	1.09	0.19	0.32	0.561272
SMU_1797c_at	0.70	1.42	0.64	0.83	0.10	0.17	0.06600234	0.86	0.64	1.00	0.17	0.30	0.48767996
SMU_471_at	0.70	1.42	0.63	0.75	0.09	0.16	0.05647676	0.99	0.67	1.42	0.22	0.38	0.9487948
SMU_998_at	0.70	1.43	0.69	0.72	0.09	0.16	0.0494677	1.18	1.00	1.66	0.21	0.36	0.38187343
SMU_164_at	0.70	1.43	0.56	0.82	0.11	0.19	0.0815468	0.97	0.63	1.46	0.24	0.41	0.9020488
SMU_1830c_at	0.70	1.43	0.58	0.80	0.10	0.18	0.0716679	0.98	0.80	1.18	0.16	0.28	0.89906096
SMU_1044c_at	0.70	1.43	0.62	0.75	0.10	0.17	0.057714913	0.93	0.75	1.07	0.16	0.28	0.68608737
SMU_648_at	0.70	1.43	0.58	0.80	0.10	0.18	0.06937682	1.07	0.73	1.67	0.25	0.42	0.7836929
SMU_1075_at	0.70	1.43	0.54	0.80	0.11	0.20	0.08620038	0.81	0.53	1.01	0.20	0.34	0.4289042
SMU_1799c_at	0.70	1.43	0.60	0.78	0.10	0.17	0.061950203	0.96	0.73	1.20	0.18	0.31	0.8265776
SMU_2074c_at	0.70	1.43	0.62	0.85	0.10	0.18	0.070762604	1.06	0.93	1.26	0.16	0.27	0.72531945
SMU_2098_at	0.70	1.43	0.58	0.78	0.10	0.18	0.06868732	0.98	0.75	1.26	0.18	0.31	0.9264216
SMU_375_at	0.70	1.43	0.57	0.81	0.11	0.18	0.072565734	0.92	0.76	1.02	0.16	0.27	0.6388103
SMU_1545c_at	0.70	1.43	0.64	0.77	0.09	0.16	0.05409576	1.01	0.78	1.29	0.18	0.31	0.97740024
SMU_1152c_at	0.70	1.44	0.57	0.82	0.11	0.19	0.074577175	0.87	0.56	1.17	0.21	0.37	0.5724061
SMU_716c_at	0.70	1.44	0.61	0.82	0.10	0.18	0.065514795	0.96	0.68	1.32	0.20	0.35	0.8595655
SMU_169_at	0.70	1.44	0.63	0.76	0.09	0.16	0.05358509	1.02	0.71	1.50	0.22	0.39	0.9316643
SMU_372_at	0.69	1.44	0.65	0.75	0.09	0.16	0.050685756	0.96	0.81	1.08	0.15	0.27	0.80496836
SMU_2070_at	0.69	1.44	0.59	0.78	0.10	0.18	0.06379179	0.94	0.73	1.12	0.17	0.29	0.7265822
SMU_25_at	0.69	1.44	0.66	0.76	0.09	0.16	0.050569102	0.97	0.87	1.05	0.15	0.25	0.8390413
SMU_445_at	0.69	1.44	0.61	0.78	0.10	0.17	0.056902204	1.00	0.97	1.02	0.14	0.24	0.97388154
SMU_46_at	0.69	1.44	0.66	0.72	0.09	0.16	0.04736902	0.89	0.68	1.05	0.17	0.30	0.5769635
SMU_2156_at	0.69	1.44	0.58	0.76	0.10	0.18	0.06336488	0.99	0.74	1.33	0.19	0.33	0.9668232
SMU_1122c_at	0.69	1.44	0.62	0.74	0.10	0.16	0.05328618	1.10	0.88	1.52	0.20	0.34	0.6161808

SMU_853_at	0.69	1.45	0.62	0.77	0.10	0.17	0.054953437	0.87	0.62	1.08	0.19	0.32	0.5515708
SMU_1505c_s_at	0.69	1.45	0.63	0.78	0.10	0.17	0.054360665	0.99	0.94	1.04	0.14	0.25	0.9642749
SMU_2092c_at	0.69	1.45	0.60	0.75	0.10	0.17	0.057742786	0.96	0.76	1.16	0.17	0.29	0.8213145
SMU_72_at	0.69	1.45	0.68	0.70	0.09	0.16	0.044980332	0.88	0.62	1.08	0.18	0.32	0.54953605
SMU_886_at	0.69	1.45	0.58	0.79	0.10	0.18	0.06442624	0.97	0.87	1.06	0.15	0.25	0.8620824
SMU_913_at	0.69	1.45	0.56	0.82	0.11	0.19	0.07085675	0.91	0.72	1.06	0.16	0.28	0.62716675
SMU_429c_at	0.69	1.45	0.47	0.86	0.14	0.24	0.12690309	0.99	0.56	1.72	0.29	0.51	0.9618507
SMU_1450_at	0.69	1.45	0.57	0.80	0.10	0.18	0.064835615	0.92	0.69	1.12	0.18	0.30	0.6597684
SMU_1729c_at	0.69	1.45	0.65	0.76	0.09	0.16	0.04915772	0.83	0.57	1.00	0.19	0.32	0.44489983
SMU_2154c_at	0.69	1.46	0.58	0.79	0.10	0.18	0.06116948	0.92	0.63	1.26	0.21	0.36	0.73510736
SMU_1512c_at	0.69	1.46	0.56	0.89	0.11	0.20	0.0838439	1.03	0.98	1.11	0.14	0.25	0.8453494
SMU_1429_at	0.69	1.46	0.53	0.84	0.12	0.20	0.08441797	0.94	0.71	1.17	0.18	0.31	0.7471407
SMU_1069c_at	0.69	1.46	0.66	0.70	0.09	0.16	0.044191804	1.10	0.81	1.65	0.23	0.40	0.6549982
SMU_1681c_at	0.68	1.46	0.54	0.78	0.11	0.19	0.07490265	0.95	0.58	1.48	0.25	0.44	0.84484756
SMU_2054c_at	0.68	1.46	0.54	0.78	0.11	0.19	0.074105576	1.00	0.95	1.07	0.14	0.25	0.9769535
SMU_1323_at	0.68	1.46	0.55	0.85	0.11	0.19	0.07622232	0.80	0.38	1.36	0.30	0.52	0.5586111
SMU_2093c_at	0.68	1.46	0.61	0.76	0.10	0.17	0.051611915	0.97	0.75	1.23	0.18	0.31	0.8754426
SMU_1278c_at	0.68	1.46	0.57	0.75	0.10	0.18	0.06116149	0.97	0.74	1.22	0.18	0.31	0.86133534
SMU_27_at	0.68	1.47	0.60	0.73	0.10	0.17	0.05152201	0.95	0.76	1.14	0.17	0.29	0.7957164
SMU_1883_at	0.68	1.47	0.59	0.74	0.10	0.17	0.052554246	0.96	0.66	1.36	0.21	0.37	0.8687863
SMU_395c_at	0.68	1.47	0.52	0.82	0.12	0.20	0.08250697	1.06	0.68	1.74	0.27	0.46	0.8265689
SMU_1945_at	0.68	1.47	0.58	0.75	0.10	0.17	0.053550005	0.90	0.50	1.43	0.27	0.46	0.7158135
SMU_448_at	0.68	1.47	0.60	0.73	0.10	0.17	0.049098242	1.01	0.89	1.17	0.15	0.26	0.9445263
SMU_628_at	0.68	1.48	0.57	0.76	0.10	0.18	0.05754357	0.84	0.46	1.28	0.26	0.45	0.56975573
SMU_816_at	0.68	1.48	0.54	0.82	0.11	0.19	0.07295431	0.81	0.51	1.05	0.21	0.36	0.44619748
SMU_1519_at	0.68	1.48	0.59	0.82	0.10	0.18	0.060907967	1.03	0.93	1.18	0.15	0.26	0.8282275
SMU_1442c_at	0.67	1.48	0.61	0.73	0.09	0.16	0.045802396	0.95	0.82	1.05	0.15	0.26	0.7638589
SMU_1791c_at	0.67	1.48	0.41	1.13	0.18	0.32	0.19985381	0.87	0.48	1.34	0.26	0.45	0.6336956
SMU_60_at	0.67	1.48	0.58	0.89	0.12	0.20	0.07821968	0.75	0.41	1.03	0.24	0.41	0.39088348
SMU_856_at	0.67	1.48	0.51	0.80	0.12	0.20	0.078260295	0.92	0.75	1.04	0.16	0.27	0.65112174
SMU_1070c_at	0.67	1.48	0.55	0.75	0.10	0.18	0.061339404	0.93	0.73	1.09	0.16	0.29	0.6935094
SMU_1028_at	0.67	1.48	0.64	0.70	0.09	0.16	0.04162146	0.99	0.96	1.00	0.14	0.24	0.9226824
SMU_588_at	0.67	1.49	0.63	0.71	0.09	0.16	0.042093597	0.93	0.71	1.15	0.18	0.30	0.7268733
SMU_1145c_at	0.67	1.49	0.55	0.78	0.10	0.18	0.05978253	0.85	0.60	1.05	0.19	0.32	0.4972378

SMU_475_at	0.67	1.49	0.53	0.78	0.11	0.19	0.06690403	0.96	0.73	1.21	0.18	0.31	0.831044
SMU_874_at	0.67	1.49	0.44	0.87	0.14	0.25	0.122263685	2.00	0.86	9.27	1.43	2.48	0.28109315
SMU_1760c_at	0.67	1.49	0.57	0.73	0.10	0.17	0.051253654	1.05	0.88	1.32	0.17	0.30	0.7682006
SMU_1279c_at	0.67	1.50	0.55	0.76	0.10	0.18	0.055900447	0.90	0.67	1.10	0.18	0.31	0.62398803
SMU_363_at	0.67	1.50	0.57	0.73	0.10	0.17	0.04986583	0.96	0.80	1.10	0.16	0.27	0.80625886
SMU_721_at	0.67	1.50	0.58	0.74	0.10	0.17	0.04805262	1.02	0.59	1.79	0.30	0.52	0.9524753
SMU_384_at	0.67	1.50	0.63	0.73	0.09	0.16	0.04235491	0.76	0.43	1.02	0.23	0.40	0.3872727
SMU_785_at	0.67	1.50	0.63	0.73	0.09	0.16	0.041247133	0.96	0.79	1.14	0.16	0.28	0.8290284
SMU_608_at	0.67	1.50	0.55	0.80	0.11	0.18	0.060874276	0.95	0.72	1.21	0.18	0.31	0.80678487
SMU_1225_at	0.67	1.50	0.56	0.80	0.10	0.18	0.057547417	0.81	0.52	1.02	0.20	0.35	0.42836437
SMU_1973_at	0.66	1.50	0.52	0.80	0.11	0.19	0.06857956	0.92	0.65	1.21	0.19	0.34	0.7063208
SMU_1264c_at	0.66	1.50	0.51	0.83	0.12	0.20	0.07568168	1.01	0.79	1.32	0.18	0.31	0.94235295
SMU_300_at	0.66	1.50	0.50	0.87	0.12	0.21	0.08677098	0.91	0.49	1.56	0.29	0.51	0.7796542
SMU_1861c_at	0.66	1.51	0.55	0.75	0.10	0.18	0.05502915	1.00	0.99	1.01	0.14	0.24	0.9996483
SMU_528c_at	0.66	1.51	0.54	0.81	0.11	0.19	0.062668264	1.11	0.66	2.08	0.33	0.57	0.7220931
SMU_1146c_at	0.66	1.51	0.57	0.73	0.10	0.17	0.04826744	0.87	0.58	1.15	0.20	0.35	0.57540846
SMU_1776c_at	0.66	1.51	0.52	0.83	0.11	0.20	0.07064312	1.08	0.79	1.57	0.22	0.38	0.72910744
SMU_599_at	0.66	1.51	0.56	0.76	0.10	0.17	0.05040256	0.99	0.61	1.58	0.26	0.45	0.9627638
SMU_999_at	0.66	1.51	0.45	0.93	0.14	0.24	0.116115816	0.99	0.78	1.24	0.17	0.30	0.94871247
SMU_tRNA7_s_at	0.66	1.51	0.54	0.85	0.11	0.20	0.06885229	0.82	0.48	1.17	0.23	0.41	0.51210755
SMU_2126c_at	0.66	1.51	0.62	0.71	0.09	0.16	0.039341696	0.83	0.50	1.12	0.22	0.38	0.49249953
SMU_107_at	0.66	1.51	0.57	0.71	0.10	0.17	0.04802909	0.84	0.56	1.08	0.20	0.35	0.49796265
SMU_820_at	0.66	1.51	0.60	0.71	0.09	0.16	0.04129512	0.95	0.72	1.21	0.18	0.31	0.8116938
SMU_311_at	0.66	1.52	0.59	0.71	0.09	0.16	0.04141004	1.02	0.81	1.33	0.18	0.31	0.8948786
SMU_439_at	0.66	1.52	0.59	0.74	0.10	0.17	0.043863393	0.96	0.76	1.17	0.17	0.29	0.83452564
SMU_1946_at	0.66	1.52	0.49	0.84	0.12	0.21	0.07864982	0.91	0.41	1.81	0.36	0.63	0.8036868
SMU_1568_at	0.66	1.52	0.56	0.80	0.10	0.18	0.055143133	0.82	0.48	1.17	0.23	0.41	0.51121604
SMU_1250c_at	0.66	1.52	0.48	0.82	0.12	0.21	0.08417463	0.99	0.80	1.22	0.17	0.29	0.96240854
SMU_1438c_at	0.66	1.52	0.60	0.70	0.09	0.16	0.03985317	0.80	0.49	1.05	0.21	0.37	0.4327883
SMU_406c_at	0.66	1.52	0.53	0.86	0.12	0.20	0.070683606	0.75	0.39	1.11	0.26	0.45	0.42502365
SMU_322c_at	0.66	1.52	0.52	0.74	0.11	0.19	0.05901948	0.97	0.72	1.28	0.19	0.33	0.88523126
SMU_1449_at	0.66	1.52	0.47	0.81	0.12	0.22	0.085446626	0.88	0.53	1.27	0.23	0.40	0.633934
SMU_2160_at	0.66	1.52	0.59	0.71	0.09	0.16	0.040312197	0.90	0.65	1.11	0.18	0.31	0.607397
SMU_775c_at	0.66	1.52	0.58	0.73	0.10	0.17	0.04305438	0.94	0.68	1.23	0.19	0.33	0.7732488

SMU_1876_at	0.66	1.52	0.62	0.68	0.09	0.16	0.037226703	1.02	0.92	1.15	0.15	0.26	0.89837134
SMU_1291c_at	0.66	1.53	0.55	0.82	0.11	0.19	0.057847828	0.95	0.80	1.07	0.15	0.27	0.7622155
SMU_2027_at	0.66	1.53	0.56	0.78	0.10	0.18	0.051191248	1.06	0.86	1.40	0.18	0.32	0.73789346
SMU_1727_at	0.66	1.53	0.51	0.76	0.11	0.19	0.063616775	1.06	0.73	1.65	0.24	0.42	0.7942237
SMU_656_at	0.66	1.53	0.42	1.08	0.17	0.29	0.1625276	0.73	0.26	1.51	0.39	0.68	0.5339963
SMU_323c_at	0.65	1.53	0.47	0.79	0.12	0.21	0.08176797	0.92	0.66	1.18	0.19	0.33	0.690807
SMU_1824c_at	0.65	1.53	0.54	0.76	0.10	0.18	0.051928796	0.92	0.61	1.29	0.21	0.37	0.72944
SMU_02_at	0.65	1.53	0.58	0.76	0.10	0.17	0.04462945	1.01	0.85	1.20	0.16	0.28	0.97098166
SMU_997_at	0.65	1.53	0.61	0.70	0.09	0.16	0.037176687	1.01	0.85	1.23	0.16	0.28	0.9426894
SMU_1582c_at	0.65	1.53	0.53	0.74	0.11	0.18	0.054313734	0.92	0.74	1.07	0.16	0.28	0.66690105
SMU_1701c_at	0.65	1.53	0.50	0.85	0.12	0.20	0.07347894	0.85	0.58	1.07	0.19	0.33	0.5037529
SMU_624_at	0.65	1.53	0.47	0.77	0.12	0.21	0.080266386	1.05	0.75	1.55	0.22	0.39	0.8276638
SMU_1265c_at	0.65	1.53	0.51	0.80	0.11	0.19	0.06278294	0.95	0.71	1.19	0.18	0.31	0.78682804
SMU_1823c_at	0.65	1.54	0.61	0.70	0.09	0.16	0.03737252	0.90	0.66	1.08	0.18	0.31	0.5979151
SMU_270_at	0.65	1.54	0.51	0.77	0.11	0.19	0.06127201	1.03	0.49	2.24	0.41	0.70	0.94184124
SMU_743_at	0.65	1.54	0.51	0.78	0.11	0.19	0.061903115	0.83	0.55	1.04	0.20	0.34	0.4561712
SMU_1694c_at	0.65	1.54	0.56	0.78	0.10	0.18	0.049752213	0.97	0.82	1.13	0.16	0.27	0.8693154
SMU_301_at	0.65	1.54	0.56	0.75	0.10	0.17	0.04451181	0.88	0.55	1.24	0.22	0.39	0.6215614
SMU_513_at	0.65	1.54	0.57	0.75	0.10	0.17	0.043296613	0.97	0.91	1.01	0.14	0.25	0.86768496
SMU_2155_at	0.65	1.54	0.61	0.70	0.09	0.16	0.03636876	0.95	0.74	1.17	0.17	0.30	0.796806
SMU_658_at	0.65	1.54	0.58	0.72	0.10	0.17	0.0401701	0.80	0.46	1.14	0.24	0.41	0.47736
SMU_1253c_at	0.65	1.55	0.50	0.74	0.11	0.19	0.060740475	0.91	0.60	1.25	0.21	0.36	0.690725
SMU_724_at	0.65	1.55	0.56	0.72	0.10	0.17	0.04145879	0.78	0.39	1.21	0.27	0.47	0.48466665
SMU_734_at	0.64	1.55	0.54	0.75	0.10	0.17	0.046164542	0.81	0.44	1.21	0.25	0.44	0.51647365
SMU_1267c_at	0.64	1.55	0.58	0.70	0.09	0.16	0.037890438	0.94	0.71	1.18	0.18	0.31	0.76184833
SMU_1409c_at	0.64	1.55	0.63	0.66	0.09	0.16	0.033116236	1.02	0.90	1.19	0.15	0.27	0.8850161
SMU_1000_at	0.64	1.56	0.61	0.69	0.09	0.16	0.0344961	0.96	0.83	1.06	0.15	0.26	0.7950675
SMU_345c_at	0.64	1.56	0.57	0.74	0.10	0.17	0.041881308	1.01	0.82	1.26	0.17	0.30	0.949841
SMU_1992_at	0.64	1.56	0.50	0.78	0.11	0.19	0.058685366	1.02	0.89	1.19	0.15	0.27	0.90269035
SMU_1779c_at	0.64	1.56	0.51	0.76	0.11	0.19	0.055162136	1.01	0.73	1.43	0.21	0.36	0.948983
SMU_720_at	0.64	1.56	0.49	0.79	0.11	0.20	0.064105324	0.93	0.53	1.52	0.27	0.47	0.81350154
SMU_1224c_at	0.64	1.56	0.47	0.78	0.12	0.21	0.0707704	0.96	0.67	1.33	0.20	0.35	0.86672
SMU_14_at	0.64	1.56	0.57	0.69	0.09	0.16	0.037754238	0.93	0.63	1.26	0.20	0.35	0.73443896
SMU_727_at	0.64	1.56	0.60	0.67	0.09	0.16	0.03357247	0.85	0.44	1.40	0.28	0.49	0.62417424

SMU_1979c_at	0.64	1.57	0.53	0.75	0.10	0.18	0.04661114	0.77	0.44	1.03	0.23	0.39	0.3977284
SMU_2059c_at	0.64	1.57	0.47	0.81	0.12	0.21	0.069265485	0.96	0.77	1.15	0.17	0.29	0.81678367
SMU_1596c_at	0.64	1.57	0.52	0.76	0.10	0.18	0.048804455	1.06	0.61	1.98	0.32	0.56	0.8388157
SMU_2165_at	0.64	1.57	0.45	0.86	0.13	0.22	0.08244351	0.97	0.83	1.08	0.15	0.26	0.82803464
SMU_371_at	0.63	1.58	0.48	0.78	0.11	0.20	0.06142611	0.90	0.64	1.13	0.19	0.32	0.6257209
SMU_tRNA18_at	0.63	1.58	0.49	0.74	0.11	0.19	0.054093573	0.81	0.53	1.02	0.20	0.35	0.43140173
SMU_370_at	0.63	1.58	0.49	0.79	0.11	0.20	0.05949773	0.86	0.60	1.07	0.19	0.33	0.51875854
SMU_1644c_at	0.63	1.58	0.60	0.70	0.09	0.16	0.034133893	1.10	0.99	1.33	0.16	0.28	0.5654608
SMU_181_at	0.63	1.58	0.44	0.90	0.14	0.23	0.09142211	0.90	0.54	1.35	0.24	0.42	0.7039889
SMU_23_at	0.63	1.58	0.49	0.72	0.11	0.19	0.052164715	1.07	0.73	1.68	0.25	0.43	0.76933926
SMU_1317c_at	0.63	1.59	0.46	0.79	0.12	0.21	0.06843962	0.95	0.85	1.00	0.15	0.25	0.7428572
SMU_773c_at	0.63	1.59	0.57	0.69	0.09	0.16	0.034599833	1.02	0.67	1.61	0.25	0.43	0.9261223
SMU_tRNA52_s_at	0.63	1.59	0.51	0.88	0.12	0.21	0.07171332	0.80	0.45	1.16	0.24	0.42	0.4844629
SMU_1660c_at	0.63	1.59	0.56	0.70	0.10	0.16	0.035755258	0.96	0.77	1.15	0.16	0.28	0.8211406
SMU_963c_at	0.63	1.59	0.55	0.71	0.10	0.17	0.037636973	0.98	0.63	1.47	0.24	0.41	0.9190753
SMU_1602_at	0.63	1.59	0.47	0.74	0.12	0.20	0.061265163	0.95	0.50	1.73	0.32	0.55	0.8828504
SMU_83_at	0.63	1.59	0.53	0.74	0.10	0.18	0.043066774	0.89	0.63	1.13	0.19	0.33	0.60588336
SMU_1184c_at	0.63	1.59	0.55	0.74	0.10	0.17	0.03931111	0.91	0.66	1.15	0.18	0.32	0.66846454
SMU_1074_at	0.63	1.60	0.49	0.72	0.11	0.19	0.051820073	0.80	0.49	1.03	0.21	0.37	0.42355615
SMU_2134_at	0.63	1.60	0.62	0.64	0.09	0.16	0.029726457	1.02	0.84	1.25	0.17	0.29	0.9258953
SMU_548_at	0.63	1.60	0.46	0.76	0.12	0.21	0.06453489	1.01	0.63	1.64	0.26	0.46	0.96940684
SMU_82_at	0.63	1.60	0.49	0.72	0.11	0.19	0.0491275	0.92	0.64	1.23	0.20	0.35	0.72202647
SMU_621c_at	0.63	1.60	0.49	0.76	0.11	0.19	0.052482363	0.97	0.55	1.66	0.29	0.50	0.92354465
SMU_2164_at	0.62	1.60	0.52	0.85	0.12	0.20	0.061722513	1.05	0.97	1.20	0.15	0.26	0.7359458
SMU_1682c_at	0.62	1.60	0.53	0.78	0.11	0.18	0.048274145	1.03	0.83	1.31	0.18	0.30	0.8759662
SMU_tRNA52_x_at	0.62	1.60	0.52	0.83	0.11	0.20	0.058419622	0.82	0.48	1.15	0.23	0.40	0.49409792
SMU_897_at	0.62	1.60	0.50	0.72	0.11	0.18	0.047022883	1.07	0.96	1.29	0.16	0.28	0.65472347
SMU_852_at	0.62	1.61	0.50	0.70	0.11	0.18	0.045510873	0.95	0.55	1.58	0.28	0.48	0.864645
SMU_285_x_at	0.62	1.61	0.45	0.78	0.12	0.21	0.06375342	0.91	0.73	1.03	0.16	0.28	0.6091078
SMU_tRNA34_at	0.62	1.61	0.39	1.02	0.17	0.29	0.13485833	0.93	0.49	1.64	0.30	0.53	0.82676685
SMU_732_at	0.62	1.61	0.59	0.65	0.09	0.16	0.02929233	0.94	0.70	1.18	0.18	0.31	0.7480488
SMU_tRNA19_at	0.62	1.62	0.50	0.75	0.11	0.18	0.045097545	0.88	0.68	1.01	0.17	0.29	0.53231966
SMU_1622c_at	0.62	1.62	0.54	0.67	0.10	0.17	0.034114562	0.86	0.62	1.03	0.18	0.31	0.5012731
SMU_1634c_at	0.62	1.62	0.56	0.65	0.09	0.16	0.031087229	0.88	0.67	1.00	0.17	0.29	0.5147494

SMU_1252c_at	0.62	1.62	0.42	0.88	0.14	0.24	0.090490386	0.78	0.44	1.09	0.23	0.41	0.4357956
SMU_96_at	0.61	1.63	0.59	0.66	0.09	0.16	0.029252123	0.91	0.66	1.15	0.19	0.32	0.66227996
SMU_595c_at	0.61	1.63	0.50	0.74	0.10	0.18	0.042160433	1.09	0.60	2.13	0.35	0.61	0.799948
SMU_586_at	0.61	1.64	0.47	0.70	0.11	0.19	0.049781438	1.06	0.67	1.78	0.28	0.48	0.82534343
SMU_1036_at	0.61	1.64	0.32	1.09	0.20	0.34	0.1795064	0.70	0.33	1.04	0.27	0.47	0.3706505
SMU_1210c_at	0.61	1.64	0.52	0.73	0.10	0.18	0.038614325	0.85	0.58	1.05	0.19	0.33	0.48418775
SMU_1349_at	0.61	1.64	0.51	0.68	0.10	0.17	0.036401045	0.97	0.90	1.00	0.14	0.25	0.8267496
SMU_718c_at	0.61	1.64	0.55	0.64	0.09	0.16	0.029630685	0.87	0.55	1.19	0.22	0.38	0.5844298
SMU_2053c_at	0.61	1.65	0.33	0.84	0.18	0.31	0.14640976	0.99	0.93	1.03	0.14	0.24	0.9278004
SMU_235_at	0.61	1.65	0.52	0.74	0.10	0.18	0.039195165	0.89	0.53	1.32	0.24	0.41	0.6718281
SMU_571_at	0.61	1.65	0.50	0.68	0.10	0.17	0.037137005	1.04	0.99	1.16	0.15	0.25	0.7674007
SMU_312_at	0.61	1.65	0.53	0.66	0.10	0.16	0.031351566	0.90	0.72	1.02	0.16	0.28	0.58658546
SMU_1052_at	0.61	1.65	0.57	0.65	0.09	0.16	0.027864292	0.84	0.49	1.21	0.23	0.41	0.5497848
SMU_855_at	0.60	1.67	0.48	0.67	0.10	0.18	0.038727757	0.81	0.53	1.02	0.20	0.35	0.4317191
SMU_394c_at	0.60	1.67	0.56	0.68	0.09	0.16	0.02957681	0.86	0.62	1.02	0.18	0.31	0.49469766
SMU_498_at	0.60	1.67	0.40	0.81	0.13	0.23	0.07455528	0.84	0.59	1.01	0.18	0.32	0.45961905
SMU_09_at	0.60	1.68	0.47	0.70	0.11	0.18	0.040507846	0.98	0.91	1.03	0.14	0.25	0.88208336
SMU_110c_at	0.60	1.68	0.54	0.68	0.10	0.17	0.030160243	0.96	0.59	1.50	0.25	0.43	0.8781948
SMU_tRNA44_s_at	0.60	1.68	0.49	0.78	0.11	0.19	0.045921884	0.81	0.47	1.12	0.23	0.40	0.47146785
SMU_839c_at	0.60	1.68	0.54	0.70	0.10	0.17	0.031652402	0.88	0.59	1.15	0.20	0.35	0.58410317
SMU_613_at	0.60	1.68	0.48	0.74	0.11	0.19	0.041765124	0.81	0.49	1.10	0.22	0.38	0.46867222
SMU_2121c_at	0.59	1.69	0.56	0.63	0.09	0.16	0.025603836	0.87	0.63	1.03	0.18	0.31	0.51257706
SMU_1534c_at	0.59	1.69	0.48	0.79	0.11	0.20	0.048336368	1.08	0.86	1.48	0.20	0.34	0.6718368
SMU_1748_at	0.59	1.70	0.47	0.66	0.10	0.18	0.03646808	1.01	0.72	1.46	0.22	0.37	0.9463926
SMU_996_at	0.59	1.70	0.48	0.65	0.10	0.18	0.035212398	0.95	0.74	1.16	0.17	0.30	0.781653
SMU_837_at	0.59	1.70	0.49	0.67	0.10	0.17	0.032880366	0.88	0.66	1.05	0.17	0.30	0.5566212
SMU_1761c_at	0.59	1.70	0.52	0.64	0.09	0.16	0.027905313	1.06	0.91	1.32	0.17	0.29	0.71463335
SMU_2048_at	0.59	1.70	0.45	0.88	0.13	0.23	0.06905966	0.79	0.41	1.21	0.27	0.46	0.4917162
SMU_313_at	0.59	1.70	0.47	0.66	0.10	0.18	0.035638664	1.01	0.77	1.34	0.19	0.33	0.9496602
SMU_722_at	0.59	1.71	0.54	0.64	0.09	0.16	0.025787624	0.83	0.53	1.07	0.21	0.36	0.47332287
SMU_649_at	0.59	1.71	0.48	0.70	0.10	0.18	0.035136256	0.83	0.56	1.01	0.19	0.33	0.4401022
SMU_73_at	0.59	1.71	0.46	0.75	0.11	0.19	0.044693284	0.82	0.46	1.22	0.25	0.43	0.53234494
SMU_602_at	0.59	1.71	0.43	0.72	0.12	0.20	0.050507434	1.28	0.85	2.48	0.36	0.62	0.40206313
SMU_1470c_at	0.58	1.72	0.56	0.62	0.09	0.16	0.023898857	1.00	0.81	1.23	0.17	0.29	0.9940037

SMU_1902c_at	0.58	1.73	0.51	0.73	0.10	0.18	0.035101626	0.96	0.70	1.27	0.19	0.33	0.84716606
SMU_786_at	0.58	1.73	0.52	0.62	0.09	0.16	0.025844079	0.96	0.64	1.39	0.22	0.38	0.87490207
SMU_515_at	0.58	1.73	0.45	0.67	0.11	0.18	0.037598222	0.99	0.88	1.12	0.15	0.26	0.97002196
SMU_784_at	0.58	1.73	0.43	0.72	0.11	0.20	0.045931727	0.95	0.58	1.46	0.25	0.43	0.83548594
SMU_1855_at	0.58	1.74	0.55	0.60	0.09	0.16	0.022983728	0.84	0.57	1.04	0.19	0.33	0.47394532
SMU_787_at	0.58	1.74	0.50	0.65	0.10	0.17	0.027794726	0.87	0.62	1.08	0.19	0.32	0.54452795
SMU_744_at	0.57	1.74	0.39	0.84	0.14	0.24	0.07187608	0.81	0.41	1.27	0.27	0.47	0.53024507
SMU_1758c_at	0.57	1.74	0.44	0.69	0.11	0.19	0.04018411	0.95	0.73	1.18	0.17	0.30	0.7974323
SMU_731_at	0.57	1.75	0.53	0.62	0.09	0.16	0.02425893	0.97	0.63	1.43	0.23	0.40	0.8951624
SMU_1966c_at	0.57	1.75	0.53	0.66	0.09	0.16	0.02652163	1.01	0.65	1.60	0.25	0.44	0.9603902
SMU_1753c_at	0.57	1.75	0.42	0.69	0.11	0.20	0.045206893	1.01	0.78	1.33	0.19	0.32	0.95270205
SMU_1854_at	0.57	1.75	0.51	0.61	0.09	0.16	0.024438167	0.95	0.54	1.58	0.28	0.48	0.8540746
SMU_531_at	0.57	1.75	0.42	0.95	0.15	0.26	0.08654218	1.27	0.78	2.64	0.40	0.69	0.46132788
SMU_170_at	0.57	1.75	0.45	0.72	0.11	0.19	0.039071575	0.93	0.55	1.47	0.26	0.45	0.7958205
SMU_953c_at	0.57	1.76	0.51	0.61	0.09	0.16	0.023832982	0.87	0.47	1.41	0.27	0.47	0.6703393
SMU_424_at	0.57	1.76	0.48	0.68	0.10	0.17	0.030089723	0.70	0.26	1.35	0.36	0.63	0.473491
SMU_594_at	0.57	1.77	0.47	0.64	0.10	0.17	0.02991044	0.76	0.24	1.86	0.47	0.82	0.62321246
SMU_1831_at	0.57	1.77	0.40	0.67	0.12	0.21	0.04890681	1.17	0.76	2.10	0.31	0.54	0.57273847
SMU_640c_at	0.57	1.77	0.47	0.74	0.11	0.19	0.038802393	0.81	0.40	1.35	0.29	0.51	0.5630804
SMU_1546_at	0.56	1.77	0.46	0.63	0.10	0.18	0.030950766	0.94	0.51	1.60	0.29	0.50	0.83210087
SMU_2116_at	0.56	1.77	0.41	0.73	0.12	0.20	0.046429384	0.82	0.52	1.08	0.21	0.36	0.47155452
SMU_1977c_at	0.56	1.77	0.45	0.64	0.10	0.18	0.031987514	0.95	0.81	1.06	0.15	0.26	0.7639768
SMU_304_at	0.56	1.77	0.46	0.63	0.10	0.17	0.030420814	0.88	0.61	1.12	0.19	0.33	0.5738949
SMU_1757c_at	0.56	1.79	0.41	0.65	0.11	0.20	0.041498046	0.95	0.69	1.26	0.19	0.33	0.82307684
SMU_2097_at	0.56	1.79	0.45	0.64	0.10	0.18	0.030421149	0.95	0.66	1.31	0.20	0.35	0.8226257
SMU_730_at	0.56	1.79	0.52	0.58	0.09	0.16	0.021854311	1.00	0.62	1.63	0.26	0.46	0.99666953
SMU_314_at	0.56	1.79	0.46	0.62	0.10	0.17	0.027887177	0.97	0.75	1.20	0.17	0.30	0.8541789
SMU_623c_at	0.56	1.80	0.45	0.65	0.10	0.18	0.029888298	0.97	0.54	1.68	0.30	0.51	0.91492796
SMU_1064c_at	0.56	1.80	0.52	0.59	0.09	0.16	0.021460464	0.93	0.64	1.26	0.20	0.35	0.75075
SMU_995_at	0.56	1.80	0.49	0.67	0.10	0.17	0.02796146	1.00	0.74	1.35	0.19	0.34	0.9968178
SMU_1635c_at	0.56	1.80	0.44	0.64	0.10	0.18	0.032082204	0.86	0.51	1.24	0.23	0.41	0.5939655
SMU_1951c_at	0.56	1.80	0.48	0.60	0.09	0.16	0.024383137	0.81	0.47	1.14	0.23	0.40	0.485089
SMU_1975c_at	0.56	1.80	0.53	0.59	0.09	0.16	0.021119028	1.00	0.73	1.37	0.20	0.35	0.9905909
SMU_47_at	0.55	1.80	0.52	0.60	0.09	0.16	0.02185917	0.82	0.52	1.07	0.21	0.36	0.4643201

SMU_1487_at	0.55	1.80	0.44	0.69	0.11	0.18	0.03401071	1.25	0.66	2.94	0.47	0.82	0.5615508
SMU_461_at	0.55	1.81	0.45	0.63	0.10	0.17	0.028814267	0.95	0.71	1.21	0.18	0.31	0.7976326
SMU_426_at	0.55	1.81	0.54	0.56	0.09	0.16	0.020237807	0.73	0.36	1.05	0.26	0.45	0.38453868
SMU_1420_at	0.55	1.81	0.49	0.59	0.09	0.16	0.023244916	0.87	0.60	1.10	0.19	0.33	0.55833083
SMU_570_at	0.55	1.82	0.50	0.62	0.09	0.16	0.022744501	0.92	0.76	1.01	0.15	0.27	0.6248067
SMU_983c_at	0.55	1.82	0.42	0.65	0.11	0.19	0.03546544	1.15	0.66	2.28	0.36	0.63	0.6685754
SMU_2133c_at	0.55	1.82	0.44	0.69	0.11	0.18	0.0328873	0.90	0.63	1.17	0.19	0.34	0.6466402
SMU_1695_at	0.55	1.83	0.45	0.61	0.10	0.17	0.027030954	0.88	0.63	1.07	0.18	0.32	0.5503928
SMU_622c_at	0.55	1.83	0.41	0.65	0.11	0.19	0.03467933	0.98	0.54	1.77	0.31	0.54	0.95529366
SMU_499_at	0.54	1.84	0.45	0.65	0.10	0.17	0.028231293	0.90	0.57	1.26	0.22	0.38	0.6663926
SMU_303_at	0.54	1.84	0.45	0.61	0.10	0.17	0.026198372	0.90	0.62	1.17	0.20	0.34	0.62920564
SMU_1762c_at	0.54	1.84	0.43	0.72	0.11	0.19	0.03676161	0.97	0.79	1.15	0.16	0.28	0.8601266
SMU_1976c_at	0.54	1.84	0.52	0.59	0.09	0.16	0.020592788	0.93	0.77	1.06	0.16	0.27	0.69763374
SMU_876c_at	0.54	1.85	0.44	0.69	0.10	0.18	0.031138495	1.11	0.61	2.22	0.36	0.63	0.7593542
SMU_05_at	0.54	1.86	0.46	0.68	0.10	0.18	0.029817522	0.94	0.56	1.50	0.26	0.45	0.8257906
SMU_218_at	0.54	1.86	0.48	0.60	0.09	0.16	0.022105487	0.90	0.71	1.02	0.16	0.28	0.5821061
SMU_172_at	0.54	1.87	0.34	0.75	0.14	0.24	0.064851314	0.98	0.67	1.39	0.21	0.37	0.91692895
SMU_10_at	0.53	1.87	0.51	0.57	0.09	0.16	0.01952343	1.00	0.79	1.27	0.18	0.30	0.9938699
SMU_655_at	0.53	1.87	0.39	0.70	0.12	0.20	0.03963566	0.59	0.19	1.09	0.37	0.64	0.35555196
SMU_1197_at	0.53	1.87	0.40	0.63	0.11	0.19	0.035154704	1.17	0.79	2.00	0.29	0.50	0.5536013
SMU_12_at	0.53	1.88	0.51	0.54	0.09	0.16	0.018810324	1.01	0.79	1.30	0.18	0.31	0.9546466
SMU_719c_at	0.53	1.88	0.41	0.63	0.10	0.18	0.030161027	0.93	0.51	1.59	0.29	0.50	0.8154646
SMU_774_at	0.53	1.89	0.37	0.77	0.13	0.22	0.051934924	0.84	0.31	1.93	0.44	0.76	0.71208405
SMU_840c_at	0.53	1.89	0.46	0.58	0.09	0.16	0.022055404	1.21	0.80	2.22	0.32	0.56	0.49382335
SMU_485_at	0.53	1.89	0.46	0.63	0.10	0.17	0.0240402	0.82	0.53	1.02	0.20	0.35	0.4347029
SMU_310_at	0.53	1.89	0.49	0.56	0.09	0.16	0.019253025	0.91	0.60	1.24	0.21	0.36	0.68965876
SMU_1592_at	0.53	1.89	0.41	0.65	0.11	0.18	0.030893547	0.96	0.74	1.19	0.17	0.30	0.82082725
SMU_428_at	0.53	1.89	0.43	0.69	0.11	0.19	0.031685125	0.80	0.42	1.19	0.26	0.45	0.48948896
SMU_1662c_at	0.53	1.90	0.44	0.60	0.10	0.17	0.024077944	0.86	0.60	1.07	0.19	0.33	0.51672107
SMU_1486c_at	0.53	1.90	0.42	0.73	0.11	0.20	0.038175095	0.95	0.50	1.75	0.32	0.55	0.88771886
SMU_174c_at	0.53	1.90	0.47	0.59	0.09	0.16	0.020950655	0.86	0.51	1.26	0.24	0.41	0.6025449
SMU_24_at	0.52	1.92	0.48	0.60	0.09	0.16	0.02050539	0.96	0.73	1.23	0.18	0.31	0.84586
SMU_2114c_at	0.52	1.92	0.40	0.59	0.10	0.18	0.02828642	0.93	0.69	1.15	0.18	0.31	0.70291024
SMU_39_at	0.52	1.92	0.38	0.71	0.12	0.20	0.039625227	0.91	0.49	1.55	0.29	0.50	0.7724276

SMU_1754c_at	0.52	1.92	0.39	0.65	0.11	0.19	0.033451248	0.98	0.69	1.37	0.21	0.36	0.933331
SMU_1027_at	0.52	1.92	0.38	0.61	0.11	0.19	0.03300057	0.92	0.68	1.13	0.18	0.31	0.6704875
SMU_1269c_at	0.52	1.93	0.44	0.61	0.10	0.17	0.022994585	0.87	0.61	1.08	0.19	0.33	0.53488725
SMU_1266c_at	0.52	1.93	0.40	0.65	0.11	0.19	0.031051414	0.82	0.54	1.02	0.20	0.34	0.44105378
SMU_474c_at	0.52	1.93	0.43	0.59	0.10	0.17	0.023046654	1.03	0.66	1.64	0.26	0.44	0.91939044
SMU_510c_at	0.52	1.94	0.49	0.56	0.09	0.16	0.018506944	1.01	0.75	1.39	0.20	0.34	0.9438181
SMU_1763c_at	0.52	1.94	0.50	0.53	0.09	0.15	0.017492434	1.02	0.92	1.15	0.15	0.26	0.90324706
SMU_569_at	0.51	1.94	0.48	0.55	0.09	0.16	0.018204484	0.95	0.77	1.11	0.16	0.28	0.7806069
SMU_1488c_at	0.51	1.95	0.43	0.58	0.10	0.17	0.021609245	1.07	0.49	2.51	0.45	0.78	0.8710103
SMU_1675c_at	0.51	1.96	0.41	0.59	0.10	0.17	0.024854954	0.83	0.38	1.48	0.32	0.56	0.6181977
SMU_981_at	0.51	1.97	0.46	0.59	0.09	0.16	0.020366687	0.86	0.59	1.09	0.19	0.33	0.5257047
SMU_2130_at	0.51	1.98	0.36	0.60	0.11	0.20	0.03380984	0.91	0.54	1.37	0.24	0.42	0.71881527
SMU_11_at	0.50	1.98	0.36	0.62	0.12	0.20	0.035680886	1.06	0.90	1.32	0.17	0.29	0.7317475
SMU_673_at	0.50	1.99	0.32	0.65	0.13	0.22	0.048556395	0.87	0.62	1.07	0.18	0.32	0.5377774
SMU_1659c_at	0.50	1.99	0.38	0.61	0.11	0.18	0.028660929	0.88	0.59	1.15	0.20	0.35	0.58394796
SMU_38c_at	0.50	1.99	0.38	0.62	0.11	0.19	0.029952556	0.86	0.42	1.52	0.31	0.54	0.675262
SMU_895_at	0.50	2.00	0.48	0.53	0.09	0.16	0.016987056	1.04	0.88	1.29	0.17	0.29	0.80510896
SMU_305_at	0.50	2.00	0.38	0.58	0.10	0.18	0.026817493	0.88	0.53	1.29	0.24	0.41	0.64733326
SMU_1498c_at	0.50	2.00	0.45	0.54	0.09	0.16	0.018040001	0.86	0.64	1.00	0.17	0.30	0.48792446
SMU_728_at	0.50	2.01	0.35	0.71	0.12	0.21	0.040415857	0.71	0.32	1.12	0.29	0.51	0.40437135
SMU_1996c_at	0.50	2.01	0.40	0.58	0.10	0.17	0.022630148	0.80	0.51	1.01	0.20	0.35	0.41178837
SMU_982_at	0.50	2.02	0.48	0.51	0.09	0.16	0.016400926	0.87	0.52	1.26	0.23	0.40	0.61780685
SMU_1755c_at	0.50	2.02	0.40	0.63	0.10	0.18	0.025477417	0.93	0.68	1.17	0.18	0.32	0.7118877
SMU_239c_at	0.50	2.02	0.30	0.91	0.16	0.28	0.0819946	1.01	0.68	1.53	0.23	0.40	0.95197177
SMU_614_at	0.49	2.02	0.39	0.59	0.10	0.18	0.02386888	0.84	0.44	1.36	0.28	0.48	0.6043952
SMU_1674c_at	0.49	2.03	0.43	0.57	0.09	0.16	0.0194479	0.81	0.42	1.28	0.27	0.47	0.54163426
SMU_2113c_at	0.49	2.03	0.44	0.55	0.09	0.16	0.017979525	0.90	0.60	1.20	0.20	0.35	0.64675903
SMU_13_at	0.49	2.04	0.46	0.52	0.09	0.16	0.016391229	0.88	0.67	1.02	0.17	0.29	0.5371399
SMU_1628_at	0.49	2.04	0.34	0.71	0.12	0.22	0.04307619	1.15	0.59	2.60	0.43	0.75	0.70550716
SMU_427_at	0.49	2.04	0.47	0.53	0.09	0.16	0.016474593	0.69	0.31	1.08	0.29	0.50	0.38112876
SMU_1489c_at	0.49	2.04	0.39	0.61	0.10	0.18	0.023984464	0.86	0.54	1.19	0.22	0.38	0.5757619
SMU_tRNA35_at	0.49	2.05	0.38	0.77	0.13	0.22	0.045170803	0.84	0.59	1.02	0.19	0.32	0.4689377
SMU_80_at	0.49	2.06	0.43	0.56	0.09	0.16	0.018793577	0.83	0.52	1.10	0.21	0.37	0.48937982
SMU_1949c_at	0.49	2.06	0.47	0.50	0.09	0.15	0.015778033	0.84	0.52	1.12	0.21	0.37	0.50871456

SMU_1419_at	0.48	2.07	0.40	0.54	0.10	0.17	0.019483186	0.82	0.53	1.03	0.20	0.35	0.44049647
SMU_01_at	0.48	2.07	0.40	0.54	0.10	0.17	0.020035818	1.01	0.74	1.39	0.20	0.35	0.975605
SMU_1663c_at	0.48	2.07	0.33	0.60	0.12	0.20	0.035390045	0.94	0.57	1.45	0.25	0.43	0.8088924
SMU_1271c_at	0.48	2.08	0.38	0.58	0.10	0.18	0.02298462	0.96	0.61	1.46	0.24	0.42	0.8771934
SMU_1270c_at	0.48	2.10	0.35	0.63	0.11	0.19	0.030515026	0.96	0.60	1.49	0.25	0.43	0.8835799
SMU_985_at	0.48	2.10	0.43	0.55	0.09	0.16	0.017898917	0.91	0.52	1.46	0.26	0.46	0.76020557
SMU_1175_at	0.48	2.10	0.31	0.70	0.13	0.23	0.045702204	0.85	0.55	1.10	0.20	0.35	0.51184267
SMU_1268c_at	0.47	2.11	0.36	0.61	0.11	0.19	0.026551636	0.89	0.54	1.30	0.23	0.41	0.6615878
SMU_1065c_at	0.47	2.11	0.39	0.52	0.10	0.17	0.019126074	0.85	0.52	1.15	0.22	0.38	0.53390956
SMU_219_at	0.47	2.11	0.39	0.52	0.10	0.17	0.019497344	0.89	0.71	1.01	0.16	0.28	0.56125915
SMU_1832_at	0.47	2.12	0.40	0.57	0.10	0.17	0.019940048	1.27	0.80	2.57	0.38	0.67	0.44679984
SMU_136c_at	0.47	2.12	0.43	0.55	0.09	0.16	0.017386008	1.01	0.73	1.39	0.20	0.35	0.9808865
SMU_459_at	0.47	2.12	0.37	0.56	0.10	0.18	0.023015976	0.88	0.50	1.35	0.25	0.44	0.66201067
SMU_1942c_at	0.47	2.13	0.44	0.52	0.09	0.16	0.01593631	0.94	0.71	1.17	0.18	0.31	0.7464786
SMU_1848_at	0.47	2.14	0.38	0.53	0.10	0.17	0.019328794	0.99	0.58	1.68	0.28	0.49	0.98266065
SMU_412c_at	0.47	2.15	0.34	0.70	0.12	0.21	0.03805388	1.19	0.89	1.89	0.26	0.44	0.44781926
SMU_1661c_at	0.47	2.15	0.32	0.57	0.11	0.20	0.030736605	0.92	0.55	1.40	0.25	0.42	0.7558164
SMU_411c_at	0.46	2.16	0.35	0.69	0.12	0.20	0.034277413	1.15	0.88	1.70	0.23	0.39	0.51717407
SMU_1491c_at	0.46	2.17	0.36	0.54	0.10	0.18	0.02198001	0.94	0.62	1.35	0.22	0.38	0.809287
SMU_1620c_at	0.46	2.18	0.34	0.54	0.11	0.19	0.02566778	0.94	0.51	1.62	0.29	0.51	0.8387426
SMU_2159_at	0.46	2.19	0.38	0.50	0.10	0.17	0.018336035	0.88	0.51	1.32	0.25	0.43	0.652161
SMU_135c_at	0.46	2.19	0.44	0.47	0.09	0.15	0.01446193	0.89	0.45	1.57	0.31	0.53	0.74293447
SMU_654_at	0.46	2.19	0.28	0.72	0.14	0.24	0.05016277	0.58	0.18	1.06	0.37	0.64	0.34696326
SMU_382c_at	0.45	2.20	0.39	0.52	0.09	0.16	0.017173706	0.90	0.49	1.47	0.28	0.48	0.72215474
SMU_253c_at	0.45	2.22	0.39	0.53	0.09	0.16	0.017453147	0.81	0.45	1.17	0.24	0.42	0.49532384
SMU_1941c_at	0.45	2.23	0.43	0.48	0.09	0.16	0.014424497	1.01	0.61	1.72	0.28	0.49	0.96222264
SMU_tRNA20_at	0.44	2.25	0.29	0.75	0.14	0.24	0.04862791	1.81	0.93	6.40	0.99	1.71	0.2676163
SMU_1273c_at	0.44	2.25	0.35	0.52	0.10	0.17	0.019811125	0.97	0.59	1.57	0.26	0.46	0.92093676
SMU_438c_at	0.44	2.28	0.41	0.47	0.09	0.16	0.014260149	0.96	0.65	1.37	0.22	0.38	0.857181
SMU_1412c_at	0.44	2.28	0.36	0.49	0.09	0.16	0.017012415	0.80	0.46	1.11	0.23	0.41	0.45936868
SMU_1272c_at	0.44	2.28	0.32	0.55	0.11	0.18	0.024157608	0.95	0.57	1.53	0.26	0.45	0.86258614
SMU_940c_at	0.44	2.28	0.37	0.62	0.11	0.19	0.02579099	0.82	0.54	1.02	0.20	0.34	0.4369132
SMU_758c_at	0.44	2.29	0.33	0.54	0.10	0.18	0.02244015	1.10	0.81	1.62	0.22	0.39	0.67055786
SMU_941c_at	0.44	2.29	0.37	0.58	0.10	0.18	0.021839986	0.80	0.49	1.04	0.21	0.37	0.42631766

SMU_2069_at	0.44	2.30	0.29	0.55	0.12	0.20	0.030964358	0.84	0.46	1.27	0.26	0.44	0.56406194
SMU_896_at	0.43	2.30	0.37	0.52	0.09	0.16	0.01690667	1.07	0.96	1.27	0.16	0.27	0.6663685
SMU_460_at	0.43	2.30	0.32	0.55	0.11	0.18	0.024065828	0.88	0.49	1.38	0.26	0.46	0.66326636
SMU_1724c_at	0.43	2.31	0.39	0.48	0.09	0.16	0.014658851	0.84	0.51	1.14	0.22	0.38	0.5182264
SMU_662_at	0.43	2.34	0.30	0.53	0.11	0.19	0.025449771	0.77	0.31	1.49	0.36	0.62	0.55996275
SMU_1187c_at	0.43	2.34	0.37	0.54	0.10	0.17	0.01834109	0.83	0.52	1.12	0.22	0.37	0.5020516
SMU_1369_x_at	0.43	2.34	0.37	0.48	0.09	0.16	0.015145498	0.73	0.34	1.15	0.28	0.49	0.42472917
SMU_309_at	0.43	2.35	0.35	0.51	0.10	0.17	0.01732824	0.80	0.46	1.11	0.23	0.40	0.46189785
SMU_936_at	0.42	2.35	0.38	0.47	0.09	0.16	0.014446029	1.18	0.67	2.47	0.39	0.68	0.61432415
SMU_2056_at	0.42	2.37	0.33	0.51	0.10	0.17	0.019141942	0.76	0.37	1.19	0.28	0.48	0.4589179
SMU_984_at	0.42	2.38	0.37	0.47	0.09	0.16	0.014587674	1.03	0.60	1.82	0.30	0.52	0.9251433
SMU_2131_at	0.42	2.39	0.37	0.47	0.09	0.16	0.014735539	0.87	0.55	1.18	0.21	0.37	0.5762114
SMU_1254_at	0.42	2.40	0.31	0.58	0.11	0.19	0.024891017	0.75	0.28	1.48	0.37	0.64	0.53612924
SMU_88c_at	0.42	2.40	0.30	0.53	0.11	0.18	0.023224339	0.83	0.29	1.93	0.45	0.77	0.697182
SMU_885c_at	0.42	2.41	0.36	0.50	0.09	0.16	0.015933303	0.80	0.42	1.23	0.26	0.46	0.5090404
SMU_2055_at	0.42	2.41	0.37	0.48	0.09	0.16	0.014887143	0.75	0.33	1.28	0.31	0.54	0.48349962
SMU_961_at	0.41	2.42	0.33	0.49	0.10	0.17	0.017336484	1.21	0.72	2.46	0.38	0.66	0.5521424
SMU_1211_at	0.41	2.44	0.30	0.49	0.10	0.18	0.020276593	1.07	0.59	2.11	0.35	0.61	0.8265673
SMU_1931_at	0.41	2.46	0.37	0.44	0.09	0.16	0.013470806	0.93	0.45	1.78	0.34	0.59	0.8336685
SMU_933_at	0.40	2.48	0.32	0.50	0.10	0.17	0.018003855	1.28	0.83	2.54	0.37	0.65	0.41598642
SMU_1631_at	0.40	2.48	0.36	0.43	0.09	0.16	0.013445991	0.77	0.43	1.07	0.24	0.41	0.41591612
SMU_393_at	0.40	2.49	0.37	0.42	0.09	0.15	0.013149582	0.78	0.42	1.12	0.25	0.43	0.44744858
SMU_688_at	0.40	2.49	0.37	0.43	0.09	0.15	0.013129645	0.78	0.43	1.08	0.24	0.41	0.42698333
SMU_1950_at	0.40	2.50	0.31	0.49	0.10	0.17	0.018318444	0.82	0.40	1.37	0.29	0.51	0.5743955
SMU_1369_at	0.40	2.50	0.31	0.47	0.10	0.17	0.017321516	0.73	0.34	1.15	0.29	0.49	0.42621037
SMU_1891c_at	0.39	2.56	0.35	0.41	0.09	0.16	0.013121367	0.82	0.39	1.44	0.31	0.54	0.60339206
SMU_81_at	0.39	2.58	0.35	0.46	0.09	0.16	0.014458722	0.82	0.44	1.26	0.26	0.45	0.5464298
SMU_2094c_at	0.38	2.61	0.33	0.43	0.09	0.16	0.013823613	0.77	0.31	1.49	0.36	0.62	0.5588995
SMU_651c_at	0.38	2.62	0.18	0.70	0.17	0.29	0.06681661	0.73	0.26	1.51	0.39	0.68	0.5293331
SMU_1892c_at	0.38	2.62	0.35	0.41	0.09	0.15	0.012664032	0.83	0.36	1.59	0.35	0.61	0.64686257
SMU_1897_at	0.38	2.64	0.34	0.43	0.09	0.16	0.013255726	0.91	0.63	1.20	0.20	0.34	0.6840816
SMU_962_at	0.37	2.69	0.27	0.44	0.10	0.18	0.019581135	1.06	0.59	2.01	0.34	0.58	0.8572587
SMU_1900_at	0.37	2.69	0.33	0.42	0.09	0.16	0.013042828	0.87	0.55	1.18	0.21	0.37	0.57678425
SMU_1898_at	0.37	2.71	0.30	0.41	0.09	0.16	0.014724626	0.90	0.50	1.46	0.27	0.47	0.73347217

SMU_1764c_at	0.37	2.71	0.33	0.45	0.09	0.16	0.014385835	0.97	0.87	1.05	0.15	0.25	0.83771175
SMU_497c_at	0.37	2.71	0.30	0.46	0.10	0.17	0.01586368	0.68	0.24	1.33	0.37	0.65	0.4549074
SMU_935_at	0.37	2.72	0.32	0.45	0.09	0.16	0.014920952	1.08	0.63	1.99	0.32	0.55	0.79395473
SMU_1282_at	0.37	2.73	0.27	0.51	0.10	0.18	0.020393603	0.82	0.40	1.39	0.30	0.52	0.5866196
SMU_1406c_at	0.37	2.73	0.34	0.40	0.09	0.15	0.012529648	0.81	0.42	1.27	0.27	0.47	0.5313066
SMU_1368_at	0.36	2.76	0.19	0.65	0.15	0.25	0.049859934	0.71	0.24	1.49	0.40	0.69	0.51192045
SMU_932_at	0.36	2.78	0.28	0.45	0.10	0.17	0.016800018	1.27	0.82	2.53	0.37	0.65	0.4344906
SMU_1400c_at	0.36	2.80	0.33	0.39	0.09	0.15	0.012399803	0.86	0.48	1.31	0.26	0.44	0.6072361
SMU_1490c_at	0.36	2.81	0.27	0.46	0.10	0.17	0.017761268	0.77	0.43	1.05	0.23	0.40	0.4108037
SMU_1398_at	0.35	2.84	0.35	0.36	0.09	0.15	0.011719608	0.77	0.43	1.07	0.24	0.41	0.42118928
SMU_1889c_at	0.35	2.86	0.26	0.48	0.10	0.18	0.019869812	0.75	0.33	1.25	0.30	0.52	0.46999797
SMU_2146c_at	0.35	2.86	0.30	0.42	0.09	0.16	0.013963338	0.83	0.54	1.05	0.20	0.35	0.4624159
SMU_134_at	0.35	2.87	0.31	0.38	0.09	0.15	0.012568862	0.96	0.62	1.44	0.23	0.41	0.87789434
SMU_770c_at	0.34	2.91	0.25	0.43	0.10	0.17	0.017844595	1.07	0.93	1.32	0.16	0.28	0.6755696
SMU_1899_at	0.34	2.92	0.31	0.37	0.09	0.15	0.012334004	0.89	0.59	1.21	0.21	0.36	0.64202124
SMU_661_at	0.34	2.95	0.28	0.42	0.09	0.16	0.014730888	0.73	0.25	1.52	0.40	0.69	0.5301642
SMU_383c_at	0.34	2.96	0.28	0.39	0.09	0.16	0.013304782	0.80	0.39	1.31	0.29	0.50	0.53150433
SMU_490c_at	0.34	2.98	0.29	0.43	0.10	0.16	0.015195923	0.88	0.60	1.14	0.20	0.34	0.5798452
SMU_2040_at	0.33	2.99	0.30	0.42	0.09	0.16	0.014164239	0.69	0.27	1.22	0.34	0.58	0.4259921
SMU_934_at	0.33	3.02	0.29	0.41	0.09	0.16	0.013973515	0.96	0.57	1.57	0.27	0.46	0.88785785
SMU_600c_at	0.33	3.04	0.26	0.37	0.09	0.16	0.014554177	0.78	0.40	1.18	0.26	0.46	0.4658239
SMU_1862_at	0.33	3.06	0.26	0.41	0.10	0.17	0.015320106	1.07	0.72	1.71	0.25	0.44	0.77027243
SMU_670_at	0.32	3.13	0.21	0.41	0.11	0.18	0.020374056	0.90	0.65	1.13	0.19	0.32	0.63132215
SMU_671_at	0.32	3.14	0.17	0.46	0.13	0.22	0.03260125	0.97	0.62	1.46	0.24	0.41	0.8949133
SMU_1780_at	0.31	3.24	0.29	0.33	0.09	0.15	0.011562903	0.73	0.30	1.29	0.33	0.57	0.46791574
SMU_653c_at	0.31	3.26	0.15	0.52	0.14	0.25	0.043803923	0.57	0.17	1.14	0.40	0.69	0.3671911
SMU_444_at	0.28	3.53	0.23	0.32	0.09	0.15	0.012925283	1.02	0.89	1.21	0.16	0.27	0.8791134
SMU_652c_at	0.28	3.63	0.13	0.50	0.14	0.24	0.040310815	0.57	0.18	1.02	0.36	0.62	0.3348413
SMU_1725_at	0.27	3.67	0.22	0.38	0.10	0.16	0.015670972	0.97	0.51	1.79	0.32	0.56	0.9309154
SMU_672_at	0.26	3.85	0.15	0.37	0.11	0.19	0.024647199	0.82	0.51	1.08	0.21	0.37	0.4663042
SMU_503c_at	0.26	3.90	0.24	0.27	0.09	0.15	0.011570277	0.91	0.53	1.44	0.26	0.45	0.7497114
SMU_609_at	0.26	3.92	0.22	0.28	0.09	0.15	0.012026123	0.92	0.44	1.79	0.35	0.60	0.8282602
SMU_2108c_at	0.25	4.03	0.24	0.26	0.08	0.15	0.011471872	0.63	0.21	1.16	0.36	0.63	0.3860284
SMU_2106c_at	0.25	4.05	0.24	0.26	0.08	0.15	0.011468328	0.65	0.24	1.17	0.35	0.60	0.39668608

SMU_2107c_at	0.24	4.09	0.23	0.26	0.08	0.15	0.011638718	0.62	0.22	1.05	0.33	0.57	0.35004488
SMU_2096c_at	0.21	4.72	0.17	0.26	0.09	0.15	0.013462841	0.67	0.23	1.25	0.36	0.63	0.42658854
SMU_1251_at	0.21	4.74	0.19	0.22	0.08	0.14	0.011949518	0.71	0.25	1.40	0.38	0.65	0.48866203
SMU_1509c_at	0.21	4.77	0.17	0.24	0.08	0.15	0.012896165	0.68	0.24	1.32	0.37	0.64	0.4529894
SMU_768c_at	0.20	5.08	0.19	0.21	0.08	0.14	0.012067157	1.01	0.96	1.07	0.14	0.25	0.93614537
SMU_496c_at	0.19	5.13	0.18	0.21	0.08	0.14	0.012178902	0.70	0.29	1.20	0.32	0.56	0.42603615
SMU_186_at	0.11	9.13	0.10	0.12	0.07	0.12	0.013498449	0.76	0.43	1.01	0.23	0.40	0.38479534
SMU_145_at	0.09	10.59	0.08	0.11	0.07	0.12	0.014140572	0.65	0.24	1.14	0.34	0.59	0.3870362
SMU_1657c_at	0.08	12.17	0.06	0.13	0.07	0.12	0.016028695	0.69	0.27	1.21	0.33	0.58	0.42384756
SMU_1658c_at	0.07	15.34	0.04	0.14	0.07	0.12	0.018734878	0.61	0.20	1.11	0.36	0.63	0.36642042
SMU_930c_at	0.06	17.48	0.04	0.08	0.06	0.10	0.014974237	0.57	0.16	1.11	0.39	0.68	0.35828048
SMU_184_at	0.05	19.68	0.05	0.06	0.06	0.10	0.01371037	0.84	0.48	1.23	0.24	0.42	0.55588603
SMU_182_at	0.04	22.75	0.04	0.06	0.05	0.09	0.014073879	0.92	0.68	1.15	0.18	0.31	0.6885601
SMU_183_at	0.04	26.43	0.03	0.04	0.05	0.09	0.01341077	0.93	0.64	1.24	0.20	0.35	0.7355658
SMU_185_at	0.02	49.83	0.02	0.02	0.04	0.06	0.012188653	0.73	0.35	1.11	0.28	0.48	0.40982604

CURRICULUM VITAE

Pratanporn Arirachakaran (Prapaiwong) was born on May 5, 1959 in Bangkok. She started her first year education at Suen Dek Elementary school where she had grown to love learning. She then continued on at Rajinee Bon School and Triam Udom Suksa, Phya-Thai. She earned her degree of Doctor of Dental Surgery from Chulalongkorn University in 1982, where she had graduated as well as received her internship training. During those times, she also did private practice until she was married to Srihasak and moved to the U.S. to further his education. Pratanporn waited until her two lovely children, Amy Alisara and Ally Achaya were 11 and 6, before she continued working on her career. Enrolled in a postgraduate program, she received a certificate in Medical Science of Oral Medicine again from Chulalongkorn University. Afterwards, she briefly joined the Srinakharinwirot Dental School as faculty staff in the department of Oral Surgery and Oral medicine. She then returned to Chulalongkorn University to work in the Infectious Unit and later decided that she wanted to further her education as her children were growing up. In 2002 she was appointed as a faculty member in the Department of Microbiology, Faculty of Dentistry, Chulalongkorn University. While Pratanporn is continuing her work towards gaining her Ph.D., Amy has been in college working on her degree and Ally is receiving her high school education. They are her inspiration for setting an example that a woman can attain an advanced education as long as she sets her mind to it.