



บทที่ 3

ผลการวิจัย

1. การวิเคราะห์ความบริสุทธิ์และความเข้มข้นของโครโมโซมอลดีเอนเอ

ผลการวิเคราะห์ความบริสุทธิ์ของโครโมโซมอลดีเอนเอ โดยการวัดการดูดกลืนแสงอุลตราไวโอเลตที่ 260 และ 280 นาโนเมตร และหาอัตราส่วน OD_{260}/OD_{280} ดังแสดงในตารางที่ 3 พบว่า อัตราส่วนของ OD_{260}/OD_{280} ของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 คือ 1.787 1.857 1.794 1.811 และ 1.781 ตามลำดับ ค่าที่ได้ซึ่งเป็นค่าเฉลี่ย 3 ตำแหน่งมีค่าใกล้เคียง 1.8 มาก แสดงว่าดีเอ็นเอที่เตรียมได้มีความบริสุทธิ์สูง (35) ดังนั้นจึงสามารถที่จะนำไปศึกษาการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ได้ โดยไม่ต้องผ่านขั้นตอนการทำให้บริสุทธิ์ต่อไป

ผลการคำนวณหาความเข้มข้นของโครโมโซมอลดีเอนเอจากค่าการดูดกลืนแสงอุลตราไวโอเลตที่ 260 นาโนเมตร โดยค่า OD_{260} เท่ากับ 1 เทียบเท่ากับ ความเข้มข้นดีเอ็นเอ 50 ไมโครกรัมต่อมิลลิตร (35) พบว่าความเข้มข้นของโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 คือ 0.567 0.065 0.480 0.502 และ 2.195 ไมโครกรัม/ไมโครลิตร ตามลำดับ ดังแสดงในตารางที่ 3

ตารางที่ 3 ค่าการดูดกลืนแสงอุลตราไวโอเลตที่ 260 และ 280 นาโนเมตร และความเข้มข้นของโครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326

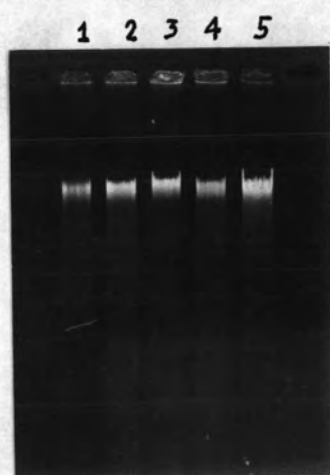
สายพันธุ์	ความเจือจาง (dilution)	OD ₂₆₀	OD ₂₈₀	OD ₂₆₀ /OD ₂₈₀	ความเข้มข้น (ไมโครกรัม/ ไมโครลิตร)
<u>Streptomyces</u> sp.42-9	1 : 50	0.227	0.127	1.787	0.567
<u>Streptomyces</u> sp. 190-1	1 : 50	0.026	0.014	1.857	0.065
<u>S. glaucescens</u>	1 : 50	0.192	0.107	1.794	0.480
<u>S. coelicolor</u> A3(2)	1 : 50	0.201	0.111	1.811	0.502
<u>S. lividans</u> 1326	1 : 50	0.878	0.493	1.781	2.195

2. การวิเคราะห์ความเป็นโมเลกุลที่สมบูรณ์ของดีเอ็นเอ (intact DNA)

เพื่อที่จะให้ผลการวิเคราะห์รูปแบบเฉพาะตัวในการตัดดีเอ็นเอด้วยเรสทริกชัน เอนไซม์ต่าง ๆ ถูกต้องแม่นยำ โมเลกุลของดีเอ็นเอที่นำมาศึกษาจะต้องอยู่ในรูป โมเลกุลสมบูรณ์ ดังนั้นจึงจำเป็นอย่างยิ่งที่จะต้องตรวจสอบว่าดีเอ็นเอที่เตรียมได้ อยู่ในรูปโมเลกุลสมบูรณ์จริง

การวิเคราะห์ความเป็นโมเลกุลที่สมบูรณ์ของดีเอ็นเอ ทำโดยดูจากแถบดีเอ็นเอ ที่ปรากฏภายหลังการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิส จากผลการทดลองในรูปที่ 1 ซึ่งเป็นภาพถ่ายของดีเอ็นเอของ Streptomyces ทั้ง 5 ชนิด ดังกล่าวข้างต้นแถบของ ดีเอ็นเอค่อนข้างสะอาดมีลักษณะที่เป็นหมอกบางๆเป็นทางลาดยาวลงมา (tailing) น้อยมาก ซึ่งแสดงถึงการขาดของสายดีเอ็นเอในกระบวนการสกัดแยกดีเอ็นเอเกิดขึ้น น้อยมาก ดังนั้นดีเอ็นเอที่เตรียมได้นี้สามารถนำไปศึกษาการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ได้

รูปที่ 1 แถบโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ที่ปรากฏภายหลังจากการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ ความต่างศักย์ 10 โวลต์/ซม. ของความยาวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 5.5 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 30 นาโนกรัม



ช่องที่	1	โครโมโซมอลดีเอนเอของ	<u>Streptomyces</u> sp. 42-9
	2	"	<u>Streptomyces</u> sp. 190-1
	3	"	<u>S. glaucescens</u>
	4	"	<u>S. coelicolor</u> A3(2)
	5	"	<u>S. lividans</u> 1326

3. การแปรปัจจัยต่าง ๆ ที่เหมาะสมในการแยกแยกชิ้นส่วนดีเอ็นเอ

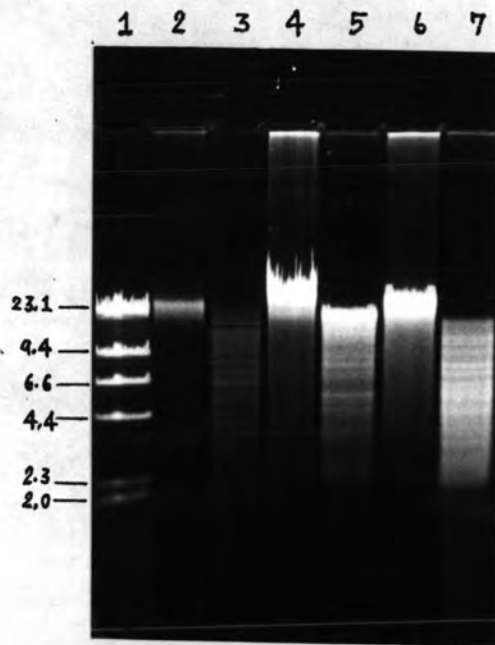
ในการวิเคราะห์รูปแบบเฉพาะตัวของ การตัดดีเอ็นเอด้วย เรสทริกชันเอนไซม์นั้น มีหลายปัจจัยที่เกี่ยวข้อง ได้แก่ ชนิดของเอนไซม์ที่เหมาะสมต่อดีเอ็นเอชนิดต่าง ๆ ความเข้มข้นของเอนไซม์ที่เหมาะสมที่จะให้การตัดดีเอ็นเอเกิดขึ้นอย่างสมบูรณ์ ปัจจัยที่เกี่ยวข้องในการที่จะให้แถบดีเอ็นเอแยกได้ดีที่สุดบนอะกาโรสเจลโดยวิธีอิเล็กโทรโฟรีซิส ซึ่งได้แก่ ความต่างศักย์ ระยะเวลาในการทำอิเล็กโทรโฟรีซิส ความเข้มข้นของอะกาโรสเจล เป็นต้น ในการทดลองนี้จึงจะศึกษาปัจจัยที่จะให้ผลการแยกแยกดีเอ็นเอบนอะกาโรสเจลเกิดขึ้นได้ดีที่สุดโดยจะใช้ เรสทริกชันเอนไซม์เพียงชนิดเดียวก่อนคือ BamHI ทั้งนี้เพราะเรสทริกชันเอนไซม์มีราคาแพง เมื่อได้ปัจจัยที่เหมาะสมแล้ว จึงจะศึกษารูปแบบเฉพาะตัวในการตัดดีเอ็นเอเหล่านี้ด้วยเรสทริกชันเอนไซม์อื่น ๆ

การทดลองการแยกแยกชิ้นส่วนดีเอ็นเอ ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิส โดยแปรปัจจัยต่าง ๆ ได้ผลการทดลองดังนี้

3.1 ปริมาณเรสทริกชันเอนไซม์

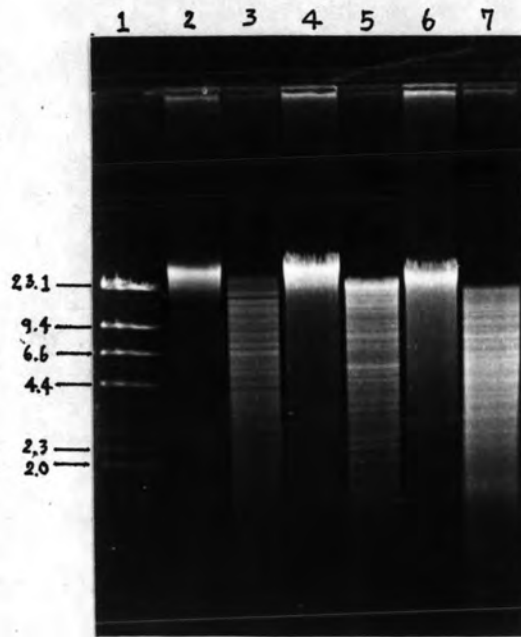
จากผลการทดลองตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 และ S. glaucescens โดยแปรปริมาณเรสทริกชันเอนไซม์ที่แตกต่างกันคือ 2 4 และ 6 หน่วย/ไมโครกรัมของดีเอ็นเอ และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสโดยใช้ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม.ของความยาวเจล ดังรูปที่ 2ก 2ข และ 2ค ตามลำดับ พบว่าปริมาณเรสทริกชันเอนไซม์ 2 หน่วย/ไมโครกรัมของดีเอ็นเอ (รูปที่ 2ก) ตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอได้ไม่สมบูรณ์และชิ้นส่วนของโครโมโซมอลดีเอ็นเอแยกได้ไม่เด่นชัด ปริมาณเรสทริกชันเอนไซม์ 4 หน่วย/ไมโครกรัมของดีเอ็นเอ (รูปที่ 2ข) ตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอได้ค่อนข้างสมบูรณ์ขึ้นและชิ้นส่วนของโครโมโซมอลดีเอ็นเอแยกได้ชัดเจนยิ่งขึ้น และที่ปริมาณเรสทริกชันเอนไซม์ 6 หน่วย/ไมโครกรัมของดีเอ็นเอ (รูปที่ 2ค) ตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอได้สมบูรณ์ที่สุด และชิ้นส่วนของโครโมโซมอลดีเอ็นเอแยกได้ชัดเจนมากที่สุด ดังนั้นจึงเลือกใช้ปริมาณเรสทริกชันเอนไซม์ 6 หน่วย/ไมโครกรัมของดีเอ็นเอ ร่วมกับการแปรปัจจัยอื่น ๆ ต่อไป

รูปที่ 2ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 และ S. glaucescens ภายหลังจากการตัดด้วยเอนไซม์ BamHI 2 หน่วย / โครโมโซมของดีเอ็นเอ โดยการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความขจวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



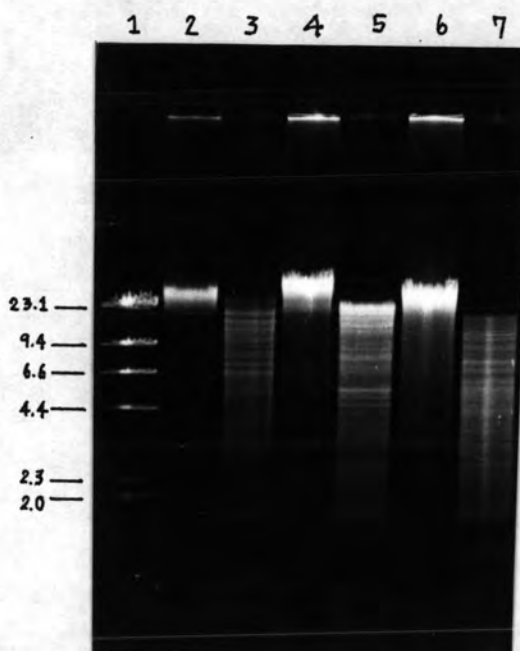
- ช่องที่ 1 λ /Hind III
- 2 โครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอดีเอ็นเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอดีเอ็นเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 2 ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 และ S. glaucescens ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 4 หน่วย / โครโมโซมของดีเอ็นเอ โดยการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /Hind III
 2 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
 3 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
 ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 4 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
 5 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
 ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 6 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
 7 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
 ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 2ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 และ S. glaucescens ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วย / โครโมแกรมของดีเอ็นเอ โดยการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /Hind III
- 2 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

3.2 ความต่างศักย์ในการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิส

เพื่อให้การแยกชิ้นส่วนดีเอ็นเอบนอะกาโรสเจลเป็นไปได้ดีที่สุด ความต่างศักย์ในการทำอิเล็กโทรโฟรีซิสจะเป็นปัจจัยสำคัญปัจจัยหนึ่ง ดังนั้นในการทดลองนี้จึงได้นำชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces ชนิดต่าง ๆ ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วย /ไมโครกรัมของดีเอ็นเอ มาแยกโดยวิธีอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิส โดยแปรความต่างศักย์ต่าง ๆ คือ 6 8 10 12 14 16 และ 18 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล ดังรูปที่ 3ก 3ข 3ค 3ง 3จ 3ฉ และ 3ช ตามลำดับ พบว่าการแยกชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอจะมีความชัดเจนเพิ่มขึ้นเรื่อย ๆ เมื่อเพิ่มความต่างศักย์ขึ้นโดยพบว่าที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล (รูปที่ 3จ) ให้รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอที่แยกกันชัดเจนที่สุด แต่พบว่ายิ่งเพิ่มความต่างศักย์เป็น 16 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล (รูปที่ 3ฉ) หรือ 18 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล (รูปที่ 3ช) ความชัดเจนของรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอกลับลดลงตามลำดับ ดังนั้นในการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสในการทดลองต่อ ๆ ไป จะเลือกใช้ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล

ช่องที่ 1 λ /Hind III

2 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9

3 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

4 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1

5 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

6 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens

7 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

8 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A3(2)

9 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A3(2)

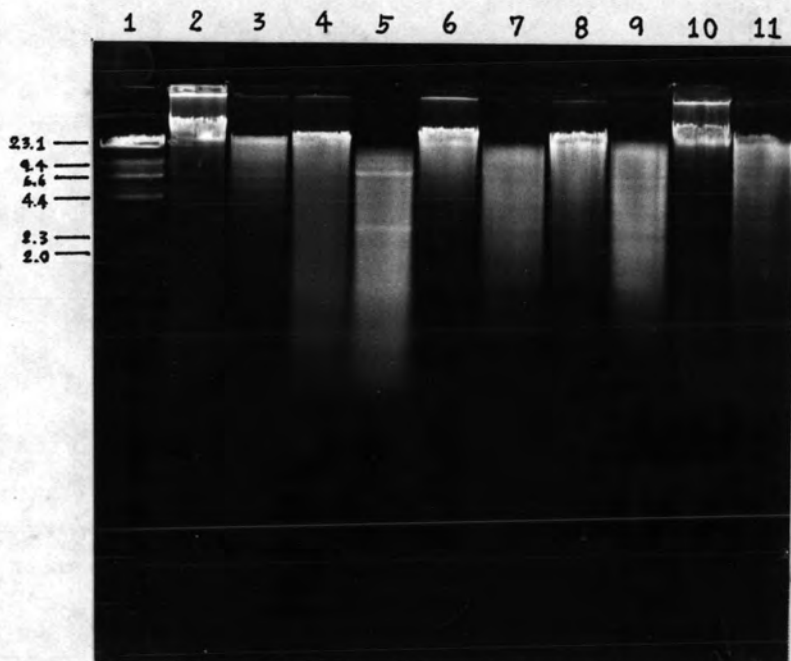
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

10 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326

11 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

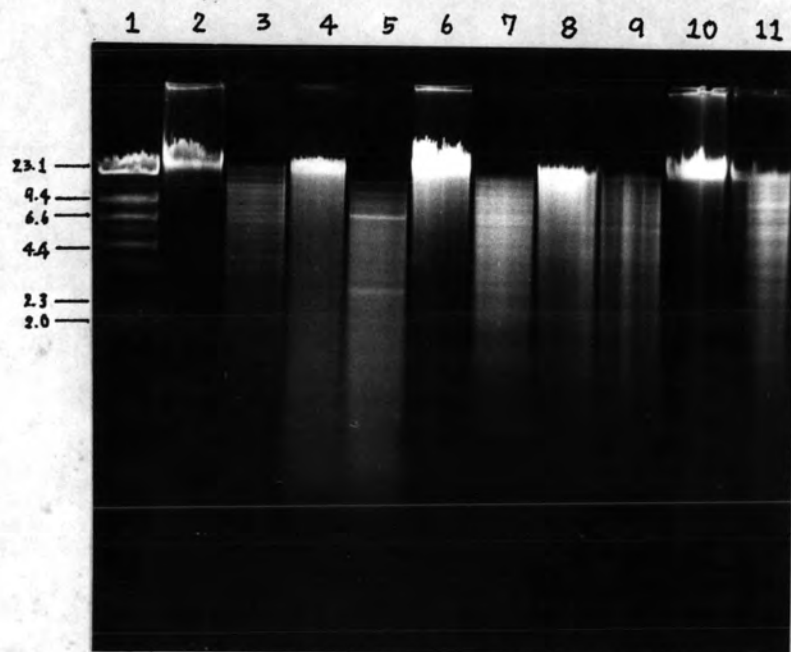
รูปที่ 3ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 6 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 3 ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 8 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

2 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9

3 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

4 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1

5 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

6 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens

7 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

8 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A3(2)

9 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A3(2)

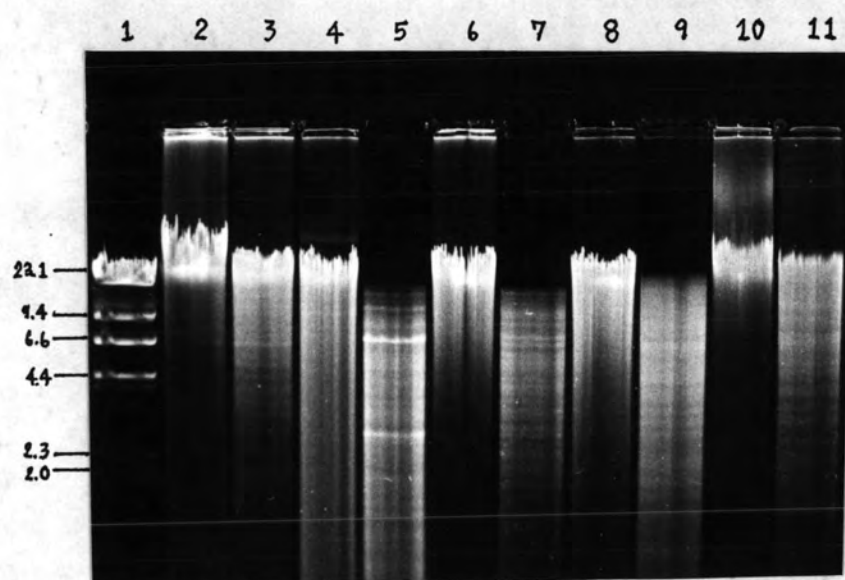
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

10 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326

11 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326

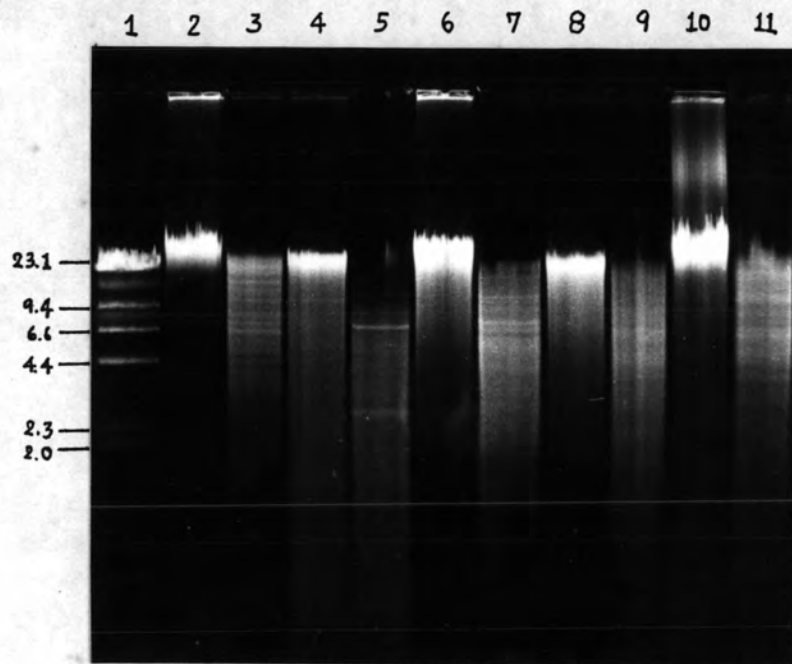
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 3ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces
 sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens
S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากตัด
 ด้วยเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟเรซิสที่
 ความต่างศักย์คงที่ 10 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง
 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7
 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



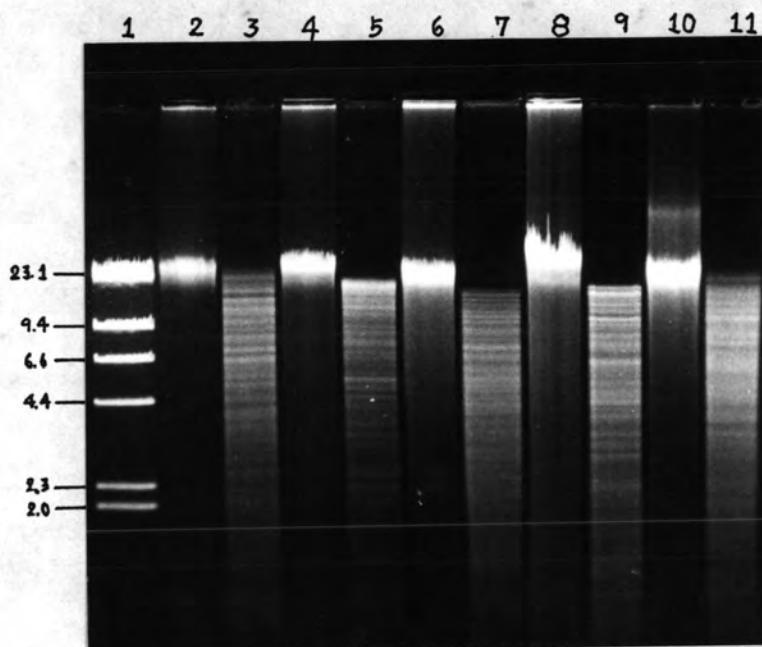
- ช่องที่ 1 λ /Hind III
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 3ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 12 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /Hind III
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

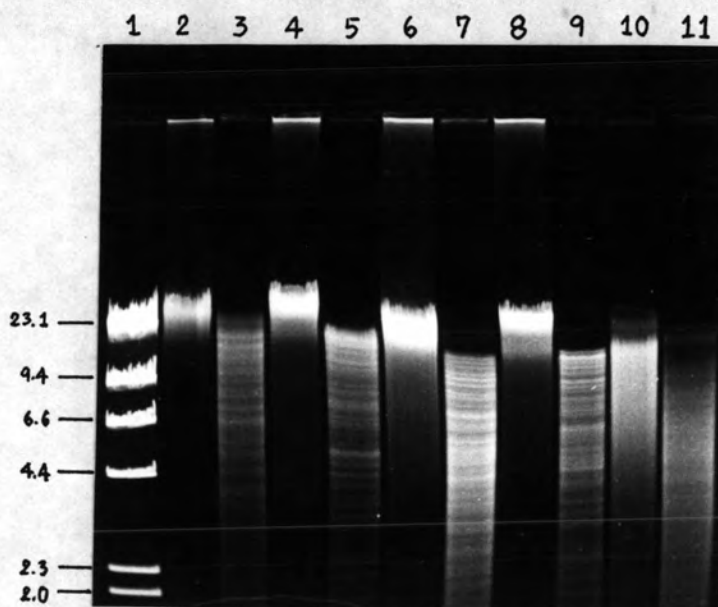
รูปที่ 3๑ รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟเรซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

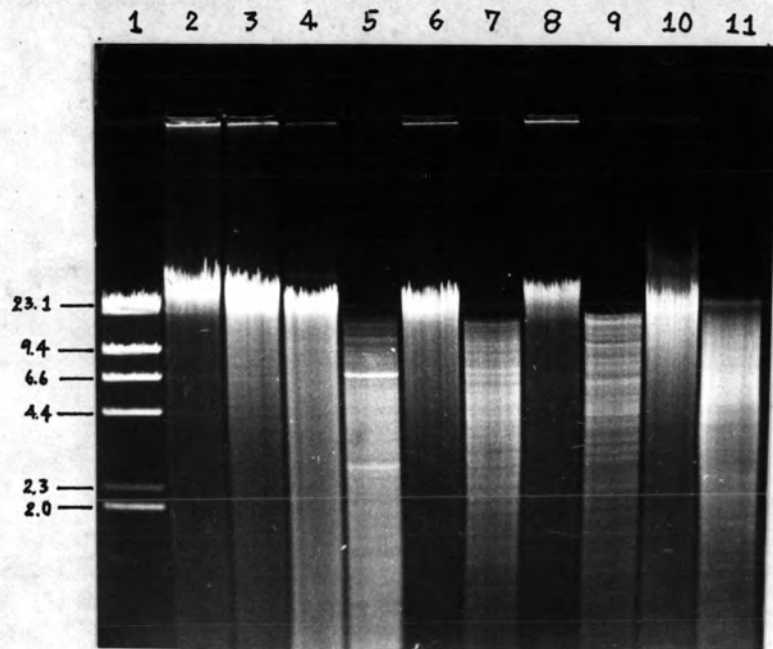
รูปที่ 3a รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 16-โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. coelicolor A3(2)
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 3๗ รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 18-โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



3.3 เวลาในการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิส

ในการที่จะให้ชิ้นส่วนขนาดใหญ่ของดีเอ็นเอแยกออกจากกันได้ชัดเจนยิ่งขึ้น จึงได้ทดลองเพิ่มเวลาของการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสจาก 1 ชั่วโมง 30 นาที ซึ่งเป็นช่วงเวลาการเคลื่อนที่ของสีติดตามจากขั้วลบไปยังขั้วสุดปลายขั้วบวกเป็น 2 ชั่วโมง 30 นาที โดยปล่อยให้สีติดตามหลุดออกไปจากเจลซึ่งคาดว่าชิ้นส่วนของโครโมโซมมอลดีเอ็นเอที่มีขนาดใหญ่จะแยกออกจากกันได้ชัดเจนมากขึ้น ซึ่งจะทำให้สามารถบอกความแตกต่างของโครโมโซมมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces spp. ได้แม่นยำขึ้น ผลการทดลองดังแสดงในรูปที่ 4ก และ 4ข จะสังเกตเห็นได้ว่าเมื่อใช้เวลาในการทำอะกาโรสเจลเป็น 1 ชั่วโมง 30 นาที (รูปที่ 4ก) ยังคงให้รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมมอลดีเอ็นเอที่ชัดเจนมากกว่าที่ 2 ชั่วโมง 30 นาที (รูปที่ 4ข)

3.4 เปอร์เซ็นต์ของอะกาโรสเจล

ความเข้มข้นของอะกาโรสเจลก็มีส่วนสำคัญในการแยกชิ้นส่วนดีเอ็นเอขนาดต่างๆ ออกจากกันได้โดยที่ความเข้มข้นเหมาะสมจะทำให้การแยกชิ้นส่วนดีเอ็นเอเกิดขึ้นได้ดีที่สุด ดังนั้นการทดลองนี้จึงแปรเปอร์เซ็นต์ของอะกาโรสต่าง ๆ กันคือ 0.5 0.6 0.7 และ 0.8% และตรวจสอบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ Streptomyces ต่างๆ ที่ผ่านการตัดด้วยเอนไซม์ BamHI ผลการทดลองดังแสดงในรูปที่ 5ก 5ข 5ค และ 5ง พบว่ารูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมมอลดีเอ็นเอจะชัดเจนเพิ่มขึ้นเรื่อย ๆ เมื่อเพิ่มอะกาโรสเจลจาก 0.5% (รูปที่ 5ก) เป็น 0.6% (รูปที่ 5ข) และ 0.7% (รูปที่ 5ค) ตามลำดับ แต่เมื่อเพิ่มอะกาโรสเจลเป็น 0.8% (รูปที่ 5ง) ความชัดเจนของรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมมอลดีเอ็นเอจะลดลง ดังนั้น อะกาโรสเจล 0.7% จะให้รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนของโครโมโซมมอลดีเอ็นเอชัดเจนที่สุด

รูปที่ 4 รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces
 sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens
S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากตัดด้วย
 เรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความ
 ต่างศักย์ 14 โวลต์/ ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง
 30 นาที (รูปที่ 4ก) และ 2 ชั่วโมง 30 นาที (รูปที่ 4ข) บน
 อะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละ
 ช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม

ช่องที่ 1 λ /Hind III

2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9

3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1

5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens

7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)

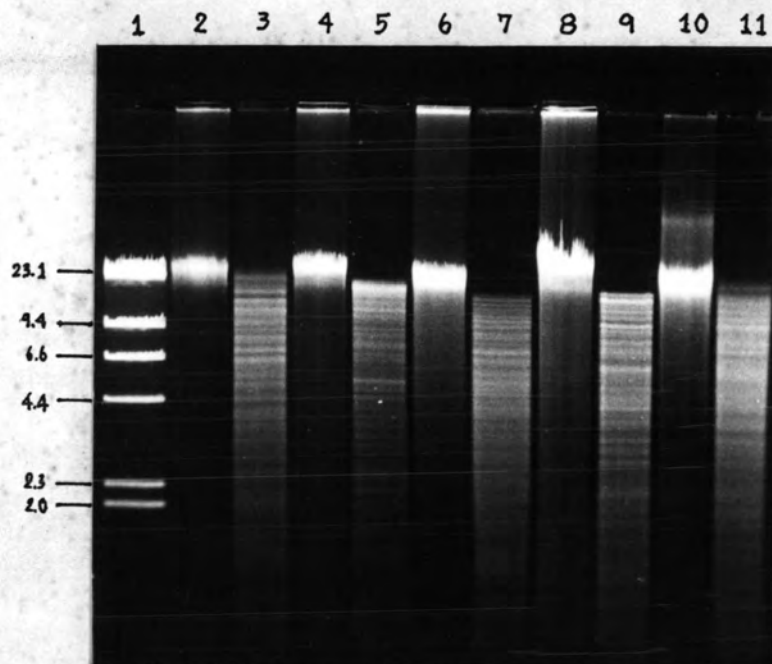
9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

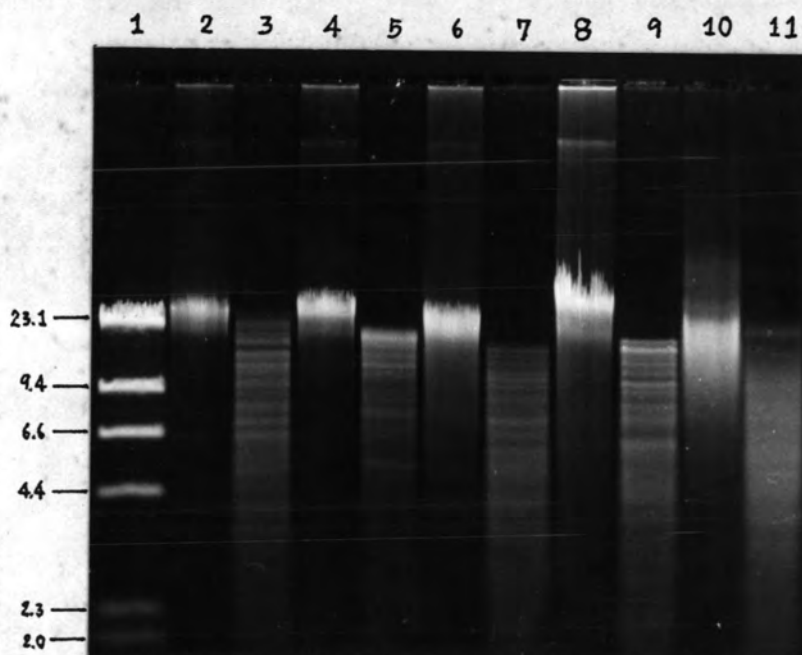
10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326

11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326

ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI



รูปที่ 4ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอภายหลังจากการทำอะกาโรส เจลอิเล็กโทรโฟรีซิส 1 ชั่วโมง 30 นาที

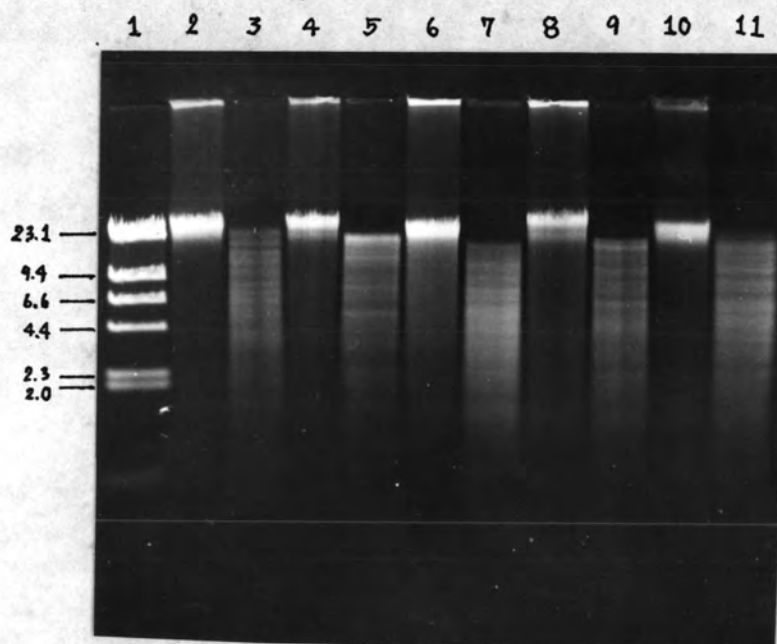


รูปที่ 4ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอภายหลังจากการทำอะกาโรส เจลอิเล็กโทรโฟรีซิส 2 ชั่วโมง 30 นาที

ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A3(2)
- 9 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

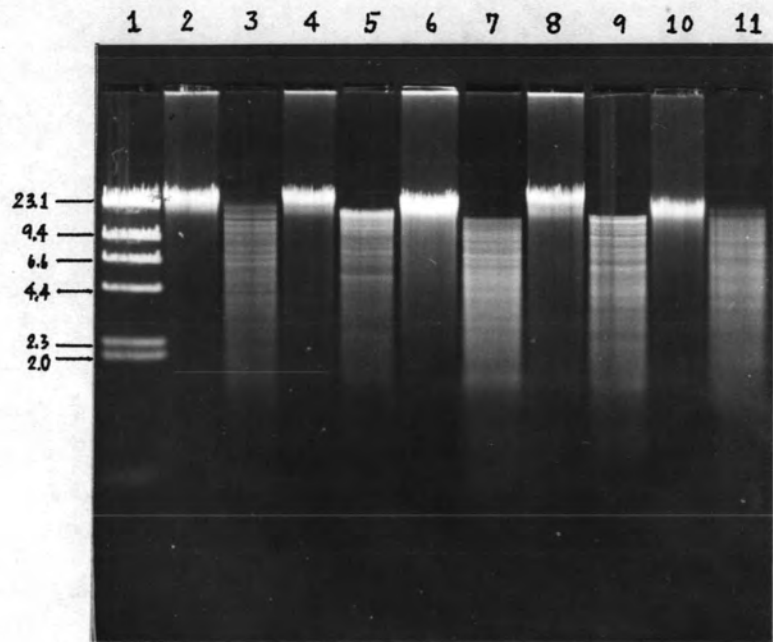
รูปที่ 5ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. เป็นเวลา 1 ชั่วโมง บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.5% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

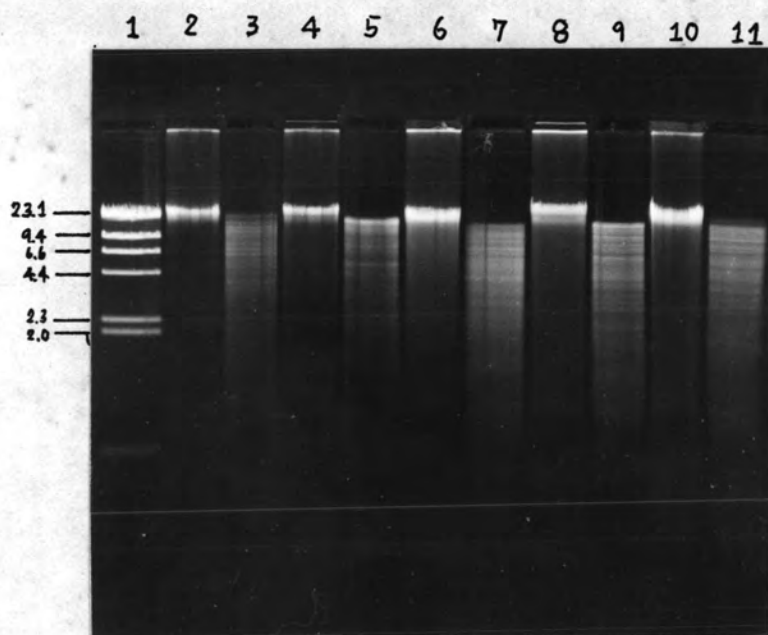
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. coelicolor A3(2)
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเลขของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 5๗ รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลติเอนของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. เป็นเวลา 1 ชั่วโมง บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.6% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /Hind III
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

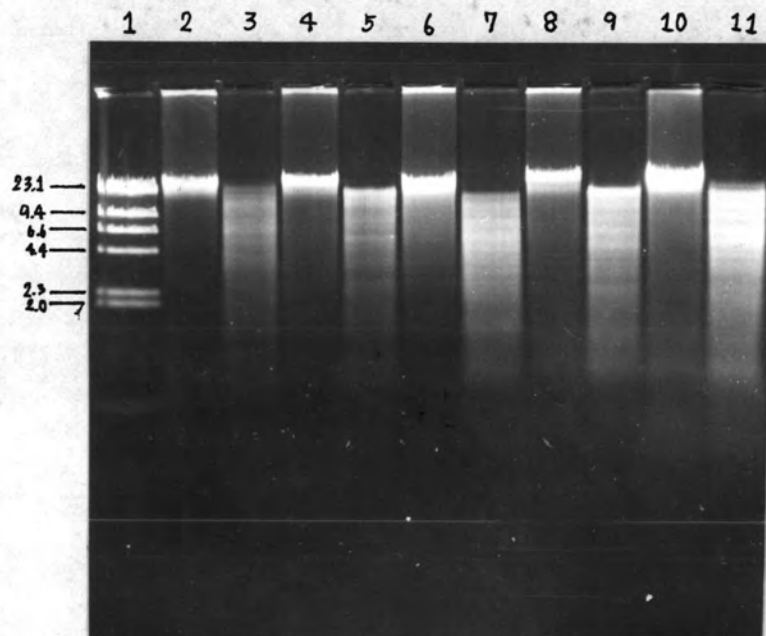
รูปที่ 5ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. เป็นเวลา 1 ชั่วโมง บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A3(2)
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 5ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากตัดด้วยเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. เป็นเวลา 1 ชั่วโมง บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.8% และมีความยาว 7 ซม. โดย แต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



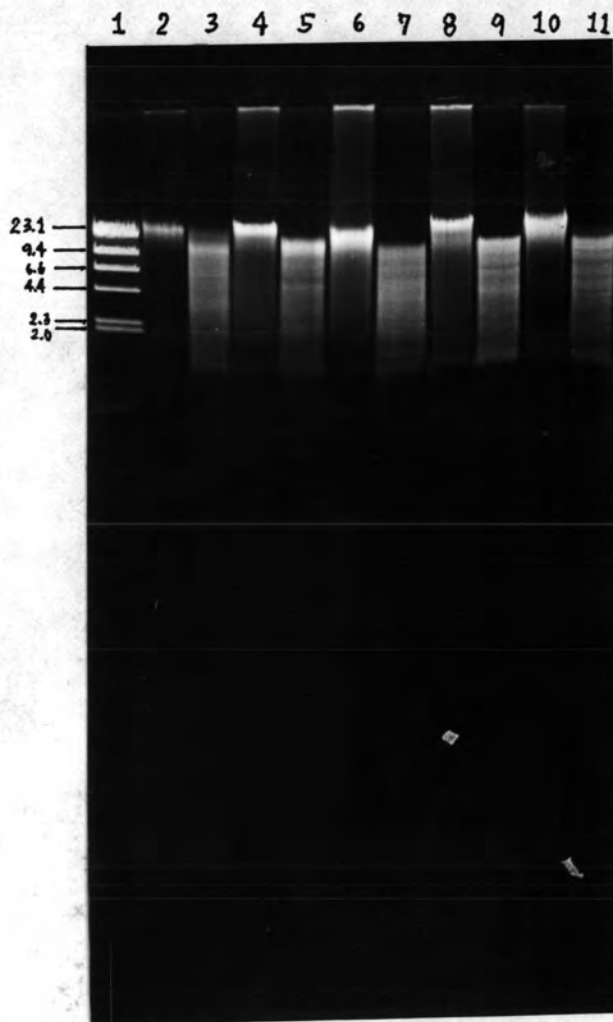
3.5 ความยาวของเจล

การเพิ่มความยาวของแผ่นอะกาโรสเจลก็อาจทำให้การแยกของชิ้นส่วน ดีเอ็นเอขนาดใกล้เคียงออกจากกันได้ดียิ่งขึ้น ดังนั้นการทดลองนี้จึงได้เพิ่มความยาวของแผ่นเจลเป็น 15 ซม. แต่จากผลการทดลองพบว่ารูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วน โครโมโซมอดีเอ็นเอบนอะกาโรสเจล ที่มีความยาว 7 ซม. (รูปที่ 4ก) ภายหลังจากการทำอิเล็กโทรโฟรีซิสเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที มีรูปแบบการเรียงตัวที่ชัดเจนมากกว่าเมื่อเพิ่มความยาวของเจลเป็น 15 ซม. และใช้เวลาในการทำอิเล็กโทรโฟรีซิสเป็นเวลา 1 ชั่วโมง (รูปที่ 6ก) หรือเพิ่มเวลาการทำอิเล็กโทรโฟรีซิสเป็นเวลา 3 ชั่วโมง (รูปที่ 6ข)

ช่องที่ 1 λ /HindIII

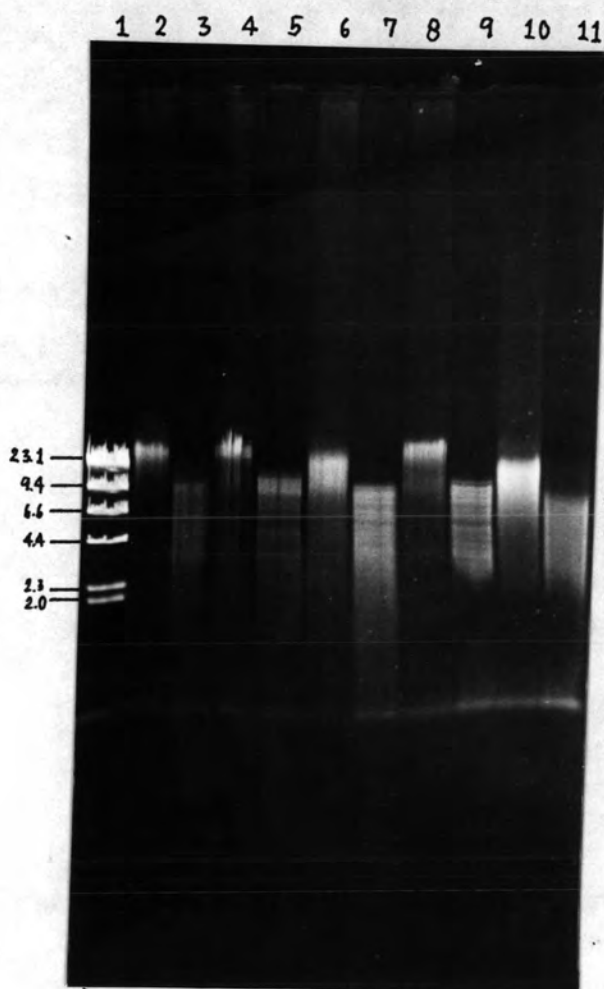
- 2 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. coelicolor A(3)2
- 9 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 6ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วย เรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วย/ไมโครกรัมดีเอ็นเอ โดยทำ อิเล็กโตรโฟเรซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ชม. ของความยาวเจล เป็น เวลา 1 ชั่วโมง บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความ ยาว 15 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A (3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 6 ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces
 sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens
S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วย
 เเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วย/ไมโครกรัมดีเอ็นเอ โดยทำ
 อิเล็กโทรโฟเรซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ชม. ของความยาวเจล เป็น
 เวลา 3 ชั่วโมง บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความ
 ยาว 15 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



4. การเลือกชนิดของเอนไซม์ที่ เหมาะสมในการตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอ

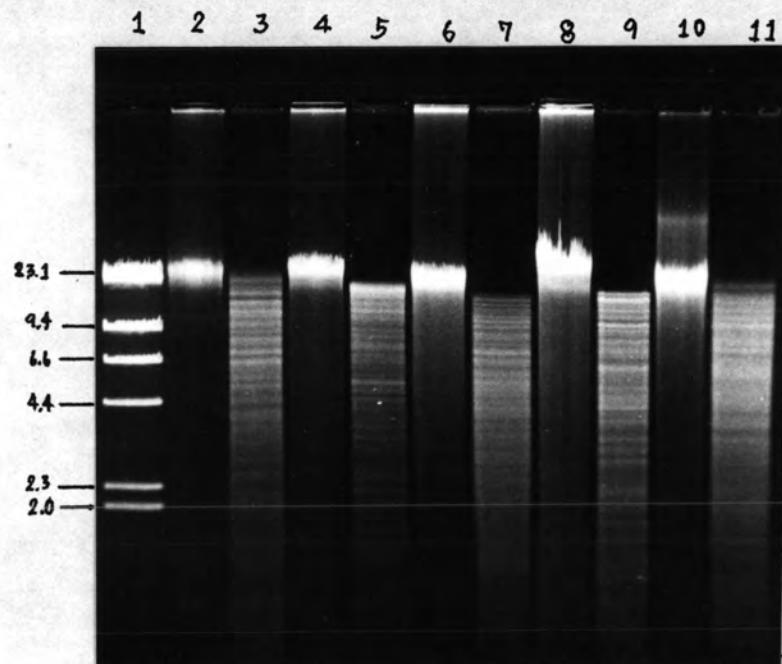
การเลือกชนิดของเอนไซม์ที่ เหมาะสมในการตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอ ทำโดยการตรวจสอบรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอภายหลังการตัดด้วย เอนไซม์ชนิดต่าง ๆ ได้แก่ BamHI (รูปที่ 7ก) BglII (รูปที่ 7ข) EcoRI (รูปที่ 7ค) HindIII (รูปที่ 7ง) PstI (รูปที่ 7จ) Sau3AI (รูปที่ 7ฉ) และ XbaI (รูปที่ 7ช) ซึ่งเอนไซม์แต่ละชนิดดังกล่าวจะตัดดีเอ็นเอที่ บริเวณจดจำ (recognition site) ซึ่งเป็นบริเวณที่มีการเรียงตัวของนิวคลีโอไทด์ จำเพาะ ดังนี้คือ G¹GATCC A¹GATCT G¹AATTC A¹AGCTT C¹TGCA ¹GATC และ T¹CTAGA ตามลำดับ (36) ผลการทดลอง พบว่า PstI (รูปที่ 7จ) สามารถตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอได้อย่างสมบูรณ์ และได้ชิ้นส่วนของโครโมโซมอลดีเอ็นเอที่แตกต่างกันอย่างชัดเจน รองลงมาคือ BamHI (รูปที่ 7 ก) BglII (รูปที่ 7 ข) และ EcoRI (รูปที่ 7 ค) ตามลำดับ ถึงแม้ว่า BglII และ EcoRI จะตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอได้ไม่สมบูรณ์ แต่ก็ยัง ได้ชิ้นส่วนดีเอ็นเอที่แตกต่างกันชัดเจน ส่วน HindIII (รูปที่ 7ง) ตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ได้ไม่สมบูรณ์ จึงทำให้การ แยกชิ้นส่วนดีเอ็นเอไม่เด่นชัด นอกจากนั้นโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 ไม่มีบริเวณจดจำที่จะถูกตัดได้ด้วย HindIII

ผลการทดลองนี้พบว่าเอนไซม์ XbaI และ Sau3AI ไม่ เหมาะสมที่จะใช้ตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces ชนิดต่าง ๆ ที่นำมา ศึกษา นี้ ทั้งนี้เพราะโครโมโซมอลดีเอ็นเอเหล่านี้ไม่มีบริเวณจดจำจำเพาะที่จะถูกตัดโดย XbaI ในขณะที่ Sau3AI มีความถี่สูงในการตัดโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces จึงทำให้ได้ชิ้นส่วนขนาดเล็กมากมาย ซึ่งหลุดออกจากอะกาโรส เจลไปในระหว่างการทำอะกาโรส เจลอิเล็กโทรโฟรีซิส

ช่องที่ 1 λ /HindIII

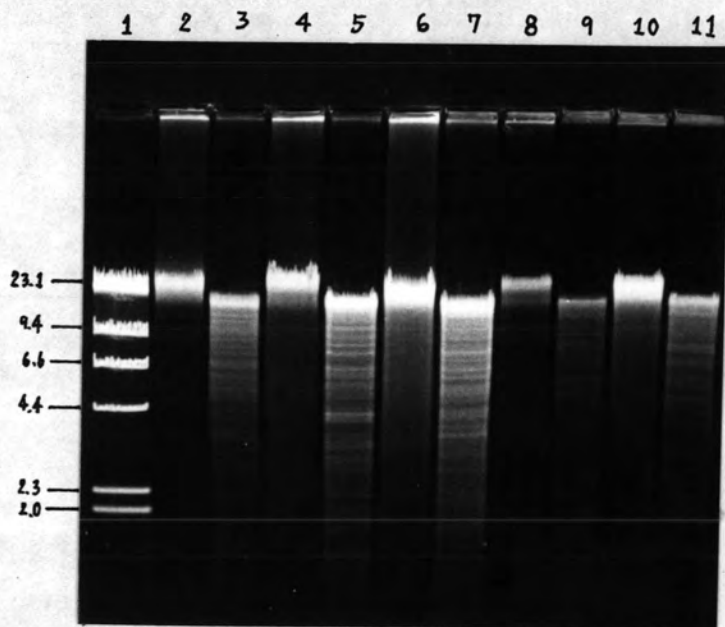
- 2 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. coelicolor A(3)2
- 9 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 7ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



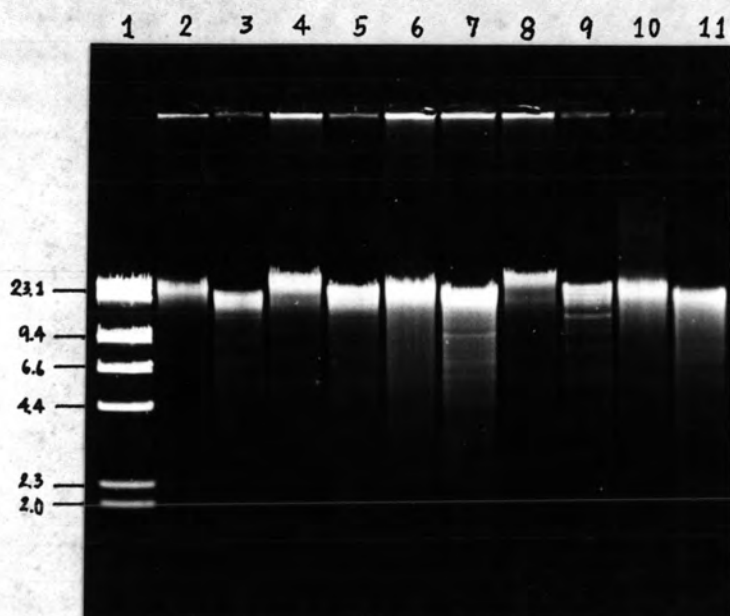
- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII

รูปที่ 7 ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglIII และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A(3)2
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI

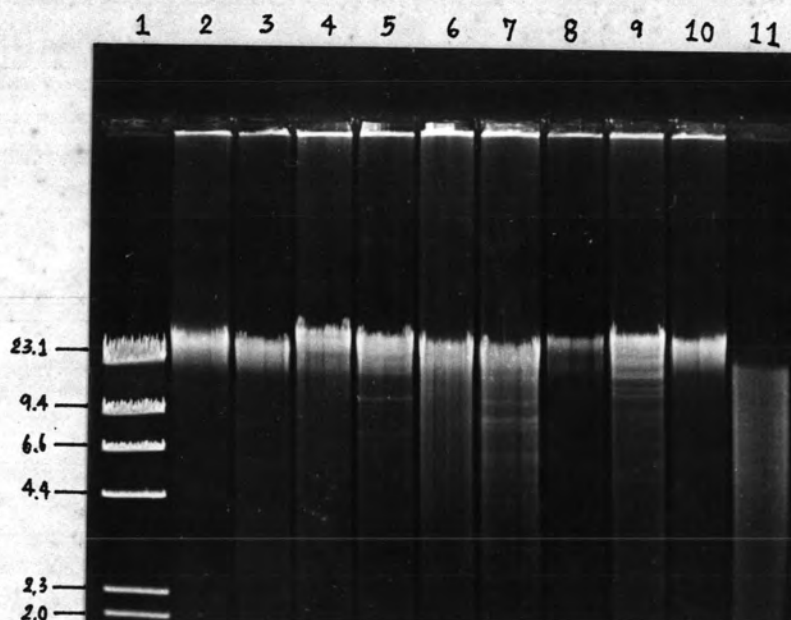
รูปที่ 7ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเอนไซม์ EcoRI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /HindIII

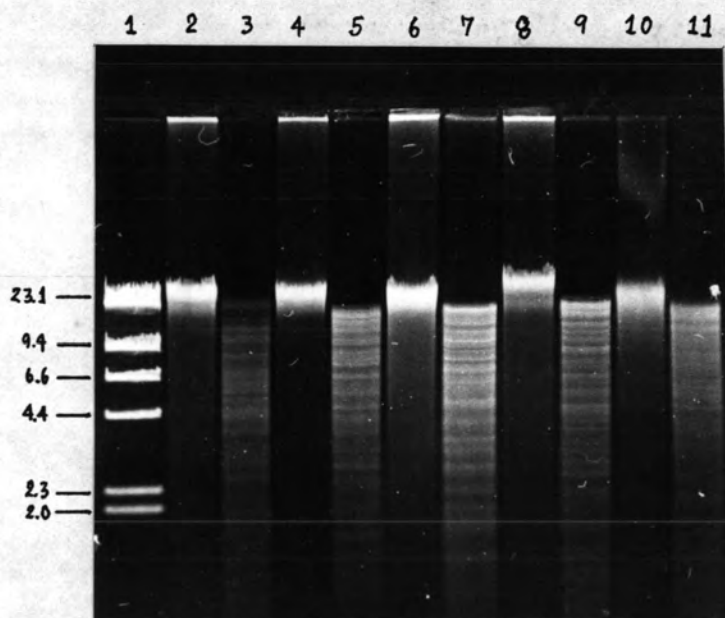
- 2 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
- 3 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ HindIII
- 4 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
- 5 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ HindIII
- 6 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
- 7 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ HindIII
- 8 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. coelicolor A(3)2
- 9 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ HindIII
- 10 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. lividans 1326
- 11 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ HindIII

รูปที่ 7ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ HindIII และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟเรซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



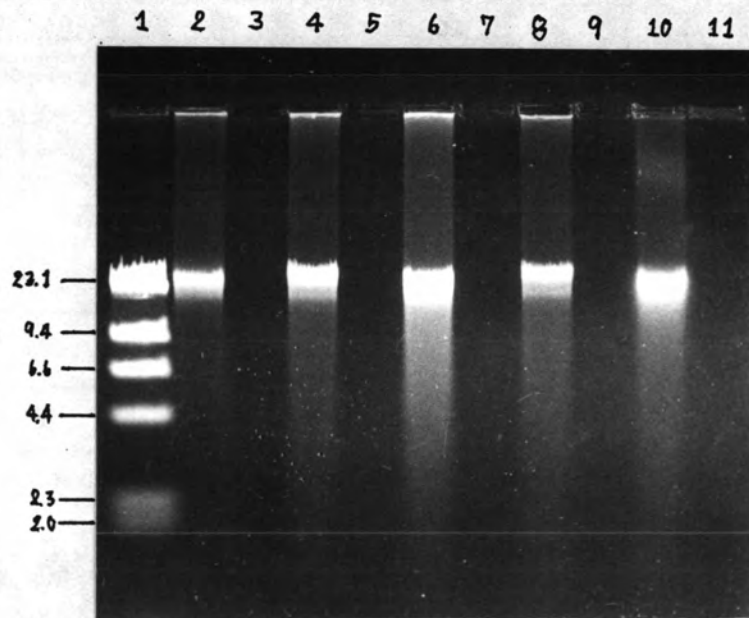
- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI

รูปที่ 7๑ รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟริซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



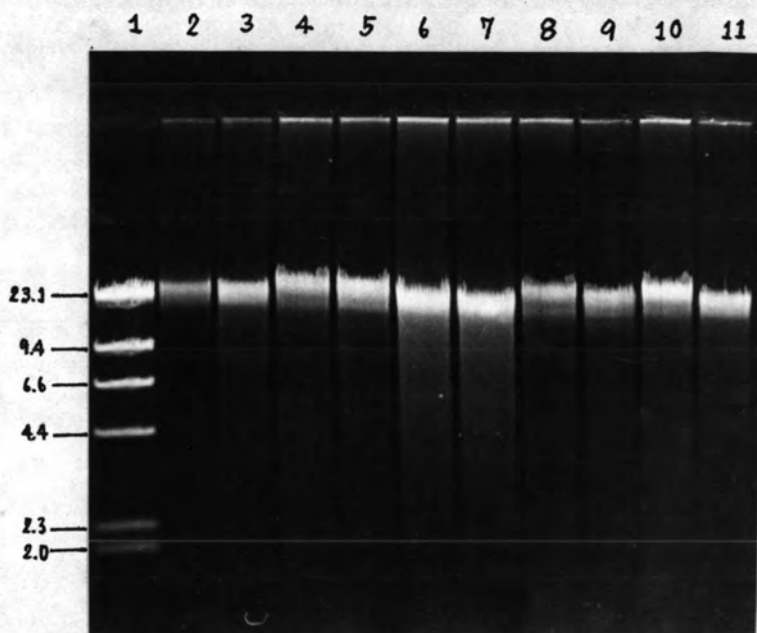
- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ Sau3AI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ Sau3AI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ Sau3AI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ Sau3AI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ Sau3AI

รูปที่ 7ฉ รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ Sau3AI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟริซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ XbaI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 190-1
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ XbaI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. glaucescens
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ XbaI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. coelicolor A(3)2
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ XbaI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ S. lividans 1326
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ XbaI

รูปที่ 7 ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ XbaI และทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์ / ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



5. วิเคราะห์ความสัมพันธ์ของรูปแบบการเรียงตัวของแถบชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ Streptomyces ที่ทราบชนิดบนอะกาโรสเจลที่ผ่านการทำอิลเลกโทรโฟรีซิส

ผลการทดลองเลือกชนิดของเรสทริกชันเอนไซม์ที่เหมาะสมในการตัดโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces ต่าง ๆ ที่ทราบชนิดแน่นอนแล้ว ดังผลการทดลองในรูปที่ 7ก - 7ง พบว่า PstI (รูปที่ 7จ) เป็นเรสทริกชันเอนไซม์ที่เหมาะสมที่สุด เพราะให้ผลการตัดที่ค่อนข้างสมบูรณ์ รองลงมาคือ BamHI (รูปที่ 7ก) BglII (รูปที่ 7ข) และ EcoRI (รูปที่ 7ค) ตามลำดับ ดังนั้นจึงนำผลการทดลองที่ได้ดังกล่าวมาวิเคราะห์ความสัมพันธ์ระหว่างชนิดของ Streptomyces กับรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอ และขนาดของชิ้นส่วนดีเอ็นเอ การหาขนาดของชิ้นส่วนดีเอ็นเอทำได้โดยใช้ ดีเอ็นเอที่ย่อยด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ HindIII เป็นขนาดดีเอ็นเอมาตรฐาน โดยนำมาสร้างกราฟความสัมพันธ์ระหว่าง \log_{10} ของขนาดชิ้นส่วนดีเอ็นเอและระยะทางที่ดีเอ็นเอเคลื่อนที่ ผลการวิเคราะห์การตัดโครโมโซมดีเอ็นเอด้วย PstI BamHI BglII และ EcoRI ได้แสดงไว้ในตารางที่ 4ก 4ข 4ค และ 4ง ตามลำดับ พบว่าลักษณะรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ Streptomyces ที่ทราบชนิดทั้ง 5 ชนิดมีความแตกต่างกันอย่างเห็นได้ชัด เมื่อจัดแบ่งเป็นแถบเด่น (prominent band) ของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไปและชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb

ตารางที่ 4ก ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp.

42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens
S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจาก
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI (จากรูปที่ 7จ)

เชื้อ	ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอนเอที่มี ขนาด 10 kb ขึ้นไป(kb)			ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอนเอที่มี ขนาดต่ำกว่า 10 kb(kb)			
<u>Streptomyces</u> sp.42-9	22.0	15.0	13.0	8.4			
			11.0				
<u>Streptomyces</u> sp.190-1	17.0	14.0	10.5	6.4	5.4	4.5	3.7
				2.7			
<u>S. glaucescens</u>	20.0	15.0	11.0	9.4	8.0	7.0	4.6
<u>S. coelicolor</u> A3(2)	17.0	15.0	12.0	9.4	6.4		
			10.5				
<u>S. lividans</u> 1326	22.0	14.0	10.5	7.0	5.8	4.6	

ตารางที่ 4 ข ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp.
 42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens
S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังการ
 ตัดด้วยเอนไซม์ BamHI (จากรูปที่ 7ก)

เชื้อ	ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอ็นเอที่มี ขนาด 10 kb ขึ้นไป(kb)			ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอ็นเอที่มี ขนาดต่ำกว่า 10 kb(kb)			
<u>Streptomyces</u> sp.42-9	23.1	17.5	14.0	8.0	7.2	6.2	
<u>Streptomyces</u> sp.190-1		-		7.4	4.8	3.6	3.2
				2.4	2.2		
<u>S. glaucescens</u>	15.5	14.5	11.5	9.4	7.2	6.2	
			10.0				
<u>S. coelicolor</u> A3(2)	20.0	18.0	11.5	6.2	4.3	3.3	3.0
<u>S. lividans</u> 1326	21.0			9.4	7.2	3.5	

หมายเหตุ เครื่องหมาย - หมายถึง ไม่พบชิ้นส่วนขนาดดังกล่าว

ตารางที่ 4ค ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp.

42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens
S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจาก
 ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII (จากรูปที่ 7ข)

เชื้อ	ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอนเอที่มี ขนาด 10 kb ขึ้นไป(kb)		ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอนเอที่มี ขนาดต่ำกว่า 10 kb(kb)			
<u>Streptomyces</u> sp.42-9	12.0	11.0	9.0	8.0	7.6	6.6
<u>Streptomyces</u> sp.190-1	10.0		8.5	7.5	6.2	5.8
			4.4	4.0		
<u>S. glaucescens</u>	-		8.0	6.6	6.0	5.6
			5.2	4.5	4.4	4.0
			3.7			
<u>S. coelicolor</u> A3(2)	13.0	10.0	8.6	7.0	6.0	5.2
<u>S. lividans</u> 1326	15.0		8.6	8.4	7.4	6.0
			5.6	5.2		

เครื่องหมาย - หมายถึง ไม่พบชิ้นส่วนขนาดดังกล่าว

ตารางที่ 4ง ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp.

42-9 Streptomyces sp. 190-1 S. glaucescens
S. coelicolor A3(2) และ S. lividans 1326 ภายหลังจาก
 ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI (จากรูปที่ 7ค)

เชื้อ	ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอนเอที่มี ขนาด 10 kb ขึ้นไป(kb)		ชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัดของ โครโมโซมอลดีเอนเอที่มี ขนาดต่ำกว่า 10 kb(kb)			
<u>Streptomyces</u> sp.42-9	15.0		9.0	8.0	6.8	6.0
<u>Streptomyces</u> sp.190-1	13.0	10.5	9.4	8.5	7.0	
<u>S. glaucescens</u>		-	8.5	7.0	6.0	5.4
<u>S. coelicolor</u> A3(2)	13.5	10.5	6.0			
<u>S. lividans</u> 1326		-	8.5	6.6	5.4	

เครื่องหมาย - หมายถึง ไม่พบชิ้นส่วนขนาดดังกล่าว

6. วิเคราะห์ความสัมพันธ์ของรูปแบบการเรียงตัวของแถบชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ Streptomyces ที่ไม่ทราบชนิดกับ Streptomyces ที่ทราบชนิดบนอะกาโรสเจลที่ผ่านการทำ อิเล็กโทรโฟรีซิส

6.1 วิเคราะห์ความสัมพันธ์ของรูปแบบการเรียงตัวของแถบชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ Streptomyces sp.20306 Streptomyces sp.41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 กับ Streptomyces ที่ทราบชนิด

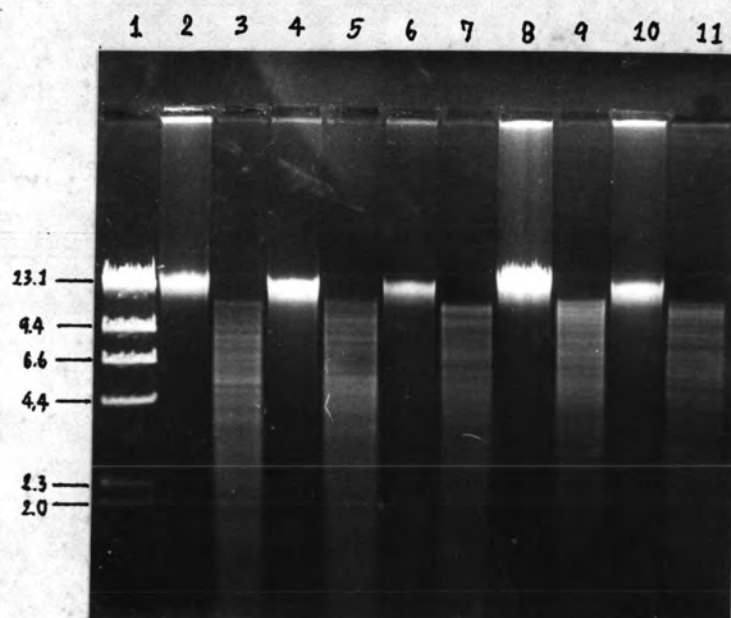
วิเคราะห์ลักษณะรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอและขนาดของชิ้นส่วนดีเอ็นเอตามวิธีดังกล่าวข้างต้น โดยใช้เรสทริกชันเอนไซม์ที่สามารถบอกความแตกต่างได้ชัดเจนคือ PstI BamHI BglII และ EcoRI ดังผลการทดลองรูปที่ 8ก 8ข 8ค และ 8ง ตามลำดับ และหาขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอ ภายหลังการตัดด้วย PstI BamHI BglII และ EcoRI ดังตารางที่ 5ก 5ข 5ค และ 5ง ตามลำดับ พบว่าแถบเด่นของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป และชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb ของ Streptomyces ที่ไม่ทราบชนิดดังกล่าว มีบางชิ้นส่วนที่มีขนาดเท่ากับชิ้นส่วนของ Streptomyces ที่ทราบชนิด ตัวอย่างเช่น

ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่ปรากฏเด่นชัดของ Streptomyces sp. 20306 ภายหลังการตัดด้วย PstI ดังแสดงไว้ในตาราง 5ก เปรียบเทียบกับขนาดชิ้นส่วนดังกล่าวของ Streptomyces ที่ทราบชนิดจากตาราง 4ก พบว่าชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 20306 มีขนาด 14.0 kb เท่ากันกับ Streptomyces sp. 190-1

ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่ปรากฏเด่นชัดของ Streptomyces sp. 111-04 ภายหลังการตัดด้วย BglII ดังแสดงในตาราง 5ค เปรียบเทียบกับขนาดชิ้นส่วนดังกล่าวของ Streptomyces ที่ทราบชนิดจากตาราง 4ค พบว่า Streptomyces sp. 111-04 มีขนาด 10.0 และ 6.0 kb เท่ากันกับ S. coelicolor

- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 41-10
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 41-10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 111-04
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 111-04
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 11-4
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 11-4
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI

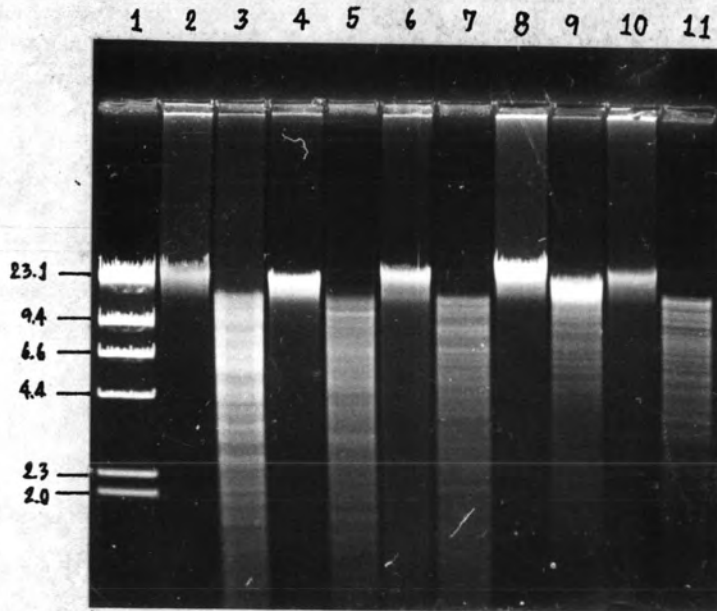
รูปที่ 8ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากการตัดเรสทริกชันเอนไซม์ PstI 6 หน่วย/ไมโครกรัม ดีเอ็นเอ โดยทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมี ดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /HindIII

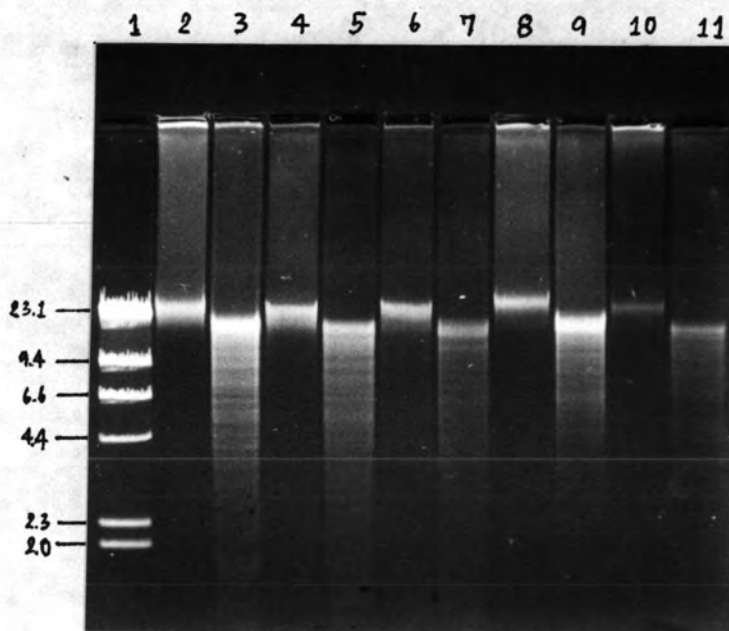
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 41-10
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 41-10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 111-04
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 111-04
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 11-4
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 11-4
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

รูปที่ 8 ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากตัดเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วย/ไมโครกรัม ดีเอ็นเอ โดยทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมี ดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



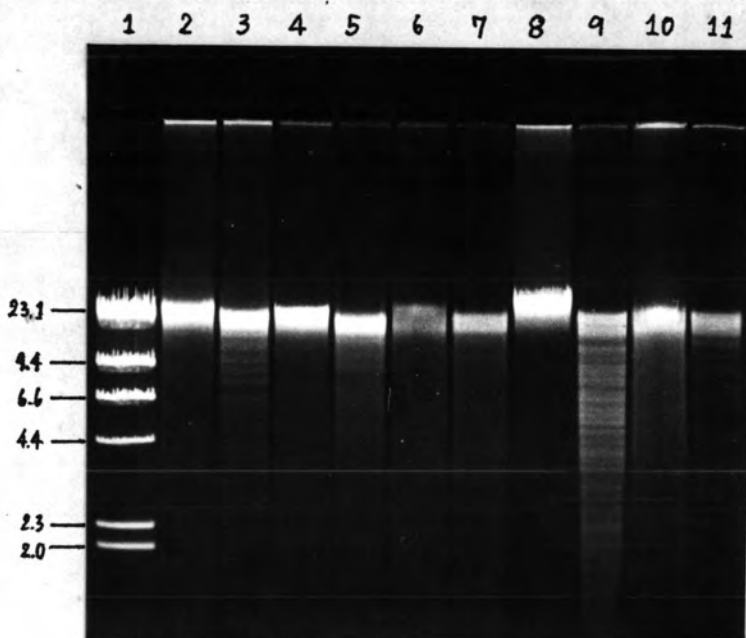
- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 20306
 - 3 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 20306
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 4 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 41-10
 - 5 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 41-10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 6 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 111-04
 - 7 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 111-04
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 8 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
 - 9 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
 - 10 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 11-4
 - 11 โครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 11-4
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII

รูปที่ 8ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากการตัดเรสทริกชันเอนไซม์ BglII 6 หน่วย/ไมโครกรัม ดีเอนเอ โดยทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม.ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมี ดีเอนเอ 330 นาโนกรัม



- ช่องที่ 1 λ /HindIII
- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306
 - 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 41-10
 - 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 41-10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 111-04
 - 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 111-04
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
 - 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 8.3.7
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 - 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 11-4
 - 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 11-4
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI

รูปที่ 8ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากตัดเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI 6 หน่วย/ไมโครกรัม ดีเอ็นเอ โดยทำอะกาโรสเจลอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่าศักย์ 14 โวลต์/ซม.ของความยาวเจล เป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมี ดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ตารางที่ 5ก ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI (จากรูปที่ 8ก)

เชื้อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอนเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป (kb)				ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอนเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb (kb)			
	<u>Streptomyces</u> sp. 20306	14.0				8.8	8.0	6.6
					5.2			
<u>Streptomyces</u> sp. 41-10	13.0	10.5			8.0	7.0		
<u>Streptomyces</u> sp. 111-04	12.0	10.0			6.8	5.8		
<u>Streptomyces</u> sp. 8.3.7	14.0	12.5	10.0		7.6			
<u>Streptomyces</u> sp. 11-4	15.0	12.0	10.5		8.4	7.6	6.6	5.6
					5.2			

ตารางที่ 5 ข ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI (จากรูปที่ 8 ข) :

เชื้อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมดีเอ็นเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมดีเอ็นเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb
<u>Streptomyces</u> sp. 20306	-	4.2 3.3 3.0 2.5 2.4 2.1
<u>Streptomyces</u> sp. 41-10	11.0	7.0 4.8 2.9 1.75
<u>Streptomyces</u> sp. 111-04	14.5 12.0	9.0 8.6 6.8 2.1
<u>Streptomyces</u> sp. 8.3.7	11.0 10.5	9.0 7.2 6.6 6.0 5.8
<u>Streptomyces</u> sp. 11-4	14.5 12.5 11.0 10.0	9.4 5.0 3.5

เครื่องหมาย - หมายถึง ไม่พบชิ้นส่วนขนาดดังกล่าว

ตารางที่ 5ค ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากตัดด้วยเอนไซม์ BglII (จากรูปที่ 8ค).

เชื้อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอ็นเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป		ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอ็นเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb			
<u>Streptomyces</u> sp. 20306		-	8.6	7.0	6.6	5.8
					5.2	
<u>Streptomyces</u> sp. 41-10	10.5		8.2	7.2	5.8	5.2
<u>Streptomyces</u> sp. 111-04	11.2	10.0	6.0			
<u>Streptomyces</u> sp. 8.3.7	10.0		8.0	6.2		
<u>Streptomyces</u> sp. 11-4	14.0	11.2	10.0			

เครื่องหมาย - หมายถึง ไม่พบชิ้นส่วนขนาดดังกล่าว

ตารางที่ 5ง ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 20306 Streptomyces sp. 41-10 Streptomyces sp. 111-04 Streptomyces sp. 8.3.7 และ Streptomyces sp. 11-4 ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI (จากรูปที่ 8ง) .

เชื้อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอนเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป		ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอนเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb			
<u>Streptomyces</u> sp. 20306	12.0	10.0	8.8	8.0	6.8	
<u>Streptomyces</u> sp. 41-10		-	9.2			
<u>Streptomyces</u> sp. 111-04		-				
<u>Streptomyces</u> sp. 8.3.7	13.0	11.5	9.4	8.0	6.8	5.4
<u>Streptomyces</u> sp. 11-4	14.0	11.5	8.0			

6.2 วิเคราะห์ความสัมพันธ์ของรูปแบบการเรียงตัวของแถบชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp. 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces sp. 10 กับ Streptomyces ที่ทราบชนิด

วิเคราะห์ลักษณะรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอและขนาดของชิ้นส่วนดีเอ็นเอตามวิธีดังกล่าวข้างต้น โดยใช้เรสทริกชันเอนไซม์ที่สามารถบอกความแตกต่างได้ชัดเจนคือ PstI BamHI BglII และ EcoRI ดังผลการทดลองรูปที่ 9ก 9ข 9ค และ 9ง ตามลำดับ และหาขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอ ภายหลังจากตัดด้วย PstI BamHI BglII และ EcoRI ดังตารางที่ 6ก 6ข 6ค และ 6ง ตามลำดับ พบว่าแถบเด่นของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป และชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb ของ Streptomyces ที่ไม่ทราบชนิดดังกล่าว มีบางชิ้นส่วนที่มีขนาดเท่ากับชิ้นส่วนของ Streptomyces ที่ทราบชนิด ตัวอย่างเช่น

ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่ปรากฏเด่นชัดของ Streptomyces sp. 50-5 ภายหลังจากตัดด้วย PstI ดังแสดงไว้ในตาราง 6ก เปรียบเทียบกับขนาดชิ้นส่วนดังกล่าวของ Streptomyces ที่ทราบชนิดจากตาราง 4ก พบว่าชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 50-5 มีขนาด 12.0 และ 9.4 kb เท่ากันกับ S. coelicolor A3(2)

ขนาดชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอที่ปรากฏเด่นชัดของ Streptomyces sp. 43-5 ภายหลังจากตัดด้วย BamHI ดังแสดงในตาราง 5ข เปรียบเทียบกับขนาดชิ้นส่วนดังกล่าวของ Streptomyces ที่ทราบชนิดจากตาราง 4ข พบว่า Streptomyces sp. 43-5 มีขนาด 10.0 และ 7.2 kb เท่ากันกับ S. glaucescens

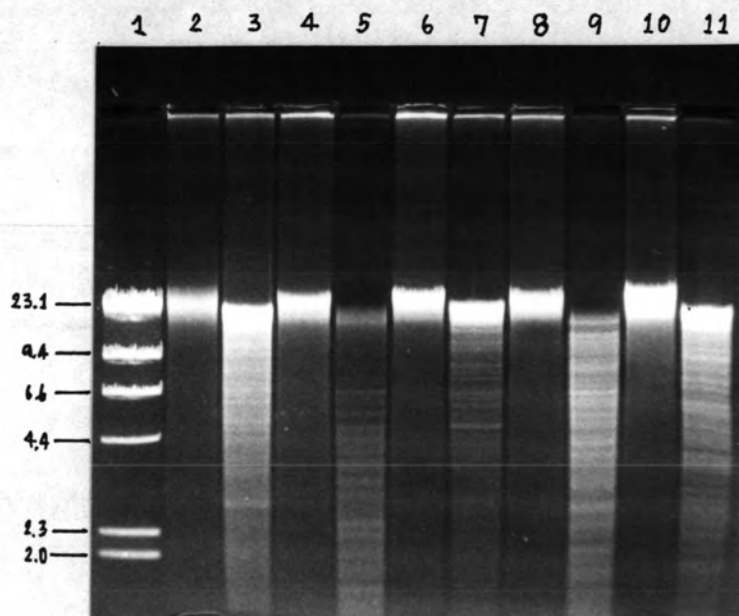
จากผลการวิจัยดังกล่าว ถึงแม้ว่าจะมีชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอของ Streptomyces ต่าง ๆ บางชิ้นส่วนที่มีขนาดเท่ากันก็ตาม แต่เมื่อเปรียบเทียบรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมดีเอ็นเอแล้ว พบว่าแตกต่างกันโดยสิ้นเชิง ดังนั้นจึงคาดว่า Streptomyces ที่ไม่ทราบชนิดเหล่านี้ไม่จัดอยู่ในกลุ่ม Streptomyces

ที่ทราบชนิดทั้ง 5 ชนิดที่นำมาใช้ในการวิจัยนี้ แต่ถ้าจำนวนสายพันธุ์มาตรฐานที่นำมา
ศึกษามากกว่านี้ก็จะสามารถจำแนกและจัดหมวดหมู่ Streptomyces ที่ไม่ทราบชนิดได้

ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI

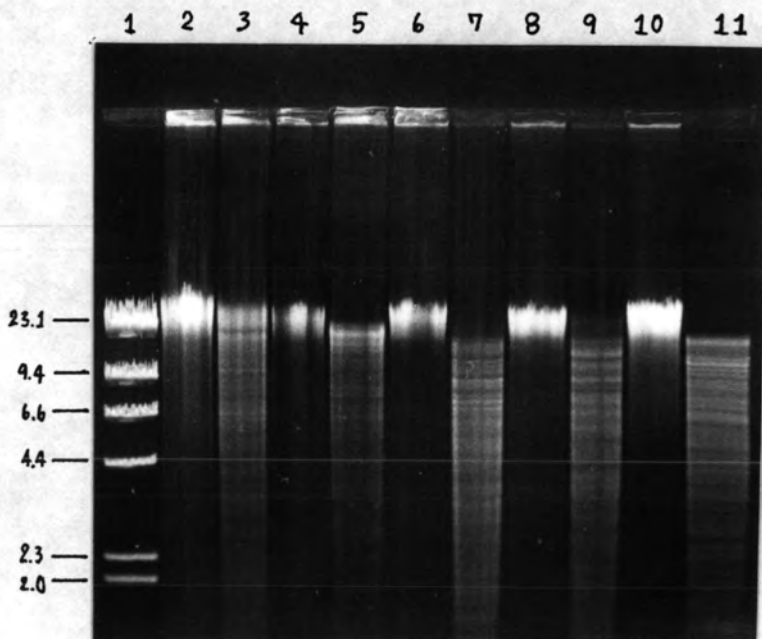
รูปที่ 9ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp. 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces sp. 10 ภายหลังจากตัดด้วยเอนไซม์ PstI 6 หน่วย/ไมโครกรัมดีเอ็นเอ โดยทำอิเล็กโทรโฟเรซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI

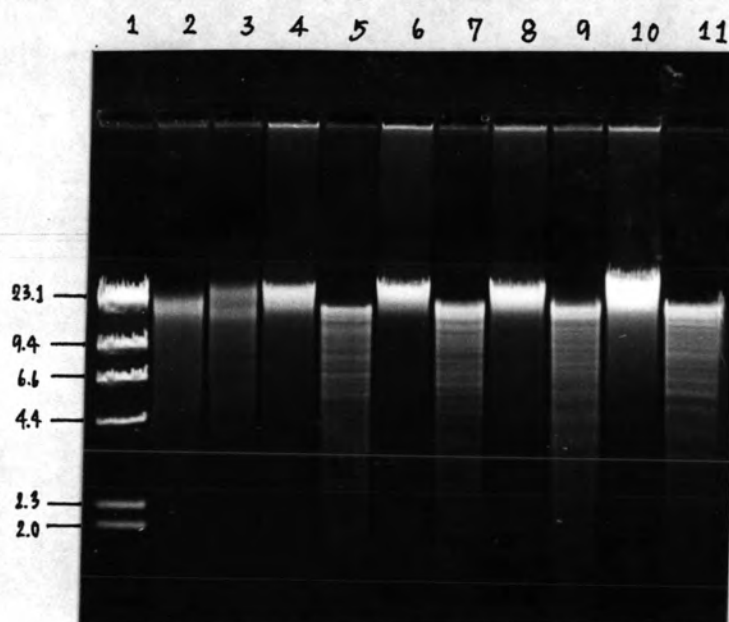
รูปที่ 9ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp. 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces sp. 10 ภายหลังจากตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วย/ไมโครกรัมดีเอ็นเอ โดยทำอิเล็กโทรโฟริซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BglII

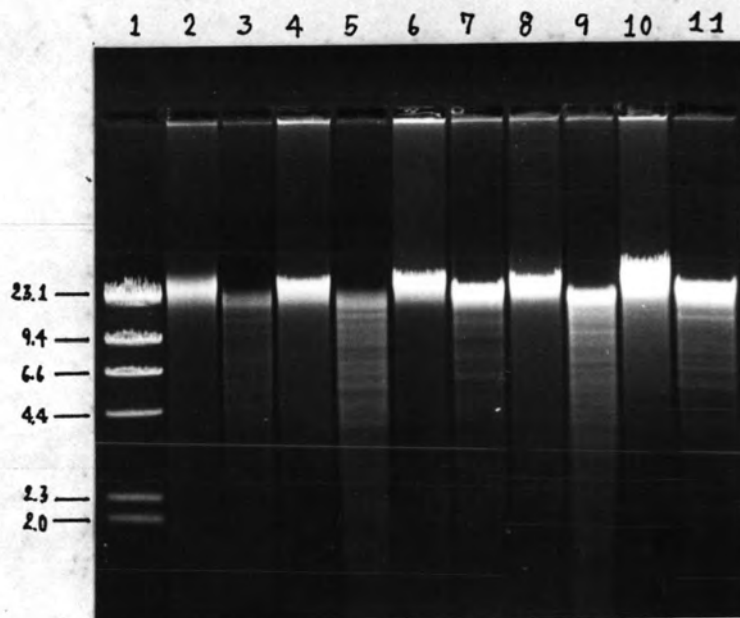
รูปที่ 9ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp. 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp. 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces sp. 10 ภายหลังจากตัดด้วยเอนไซม์ BglII 6 หน่วย/ไมโครกรัมดีเอ็นเอ โดยทำอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ช่องที่ 1 λ /Hind III

- 2 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
- 3 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
- 4 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
- 5 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 1-13
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
- 6 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
- 7 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 43-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
- 8 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
- 9 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-5
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
- 10 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
- 11 โครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 10
ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI

รูปที่ 9ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอนเอของ Streptomyces sp. 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp. 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces sp. 10 ภายหลังจากตัดด้วยเอนไซม์ EcoRI 6 หน่วย/ไมโครกรัมดีเอ็นเอ โดยทำอิเล็กโทรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์ 14 โวลต์/ซม. ของความยาวเจลเป็นเวลา 1 ชั่วโมง 30 นาที บนอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7% และมีความยาว 7 ซม. โดยแต่ละช่องมีดีเอ็นเอ 330 นาโนกรัม



ตารางที่ 6ก ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp.
 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp.
 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces
 sp. 10 ภายหลังการตัดด้วยเอนไซม์ PstI
 (จากรูปที่ 9ก) .

เชื้อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอ็นเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป (kb)			ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอ็นเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb (kb)			
<u>Streptomyces</u> sp. 50-13	-			9.4	8.8	6.0	4.9
				4.6	3.8	3.6	2.75
<u>Streptomyces</u> sp. 1-13	16.0			6.6	5.4	4.9	3.2
				2.8	2.4		
<u>Streptomyces</u> sp. 43-5	11.5	10.5		9.0	8.2	7.6	6.6
				5.8	5.0		
<u>Streptomyces</u> sp. 50-5	17.5	16.0	13.5	9.4	8.4	6.8	6.6
		12.0		5.4	5.2		
<u>Streptomyces</u> sp. 10		10.5		9.4	9.0	7.6	7.0
				6.0	5.6		

เครื่องหมาย - หมายถึง ไม่พบชิ้นส่วนขนาดดังกล่าว

ตารางที่ 6 ข ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ Streptomyces sp.
 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp.
 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces
 sp. 10 ภายหลังการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI
 (จากรูปที่ 9 ข)

เชื้อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอ็นเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป (kb)	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอลดีเอ็นเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb (kb)
<u>Streptomyces</u> sp. 50-13	19.0	9.0 6.2
<u>Streptomyces</u> sp. 1-13	17.0 14.0 13.0	7.4
<u>Streptomyces</u> sp. 43-5	11.2 10.0	8.4 8.0 7.4 7.2 7.0
<u>Streptomyces</u> sp. 50-5	12.0 10.5	8.8 8.4 8.0 7.4
<u>Streptomyces</u> sp. 10	15.5 10.5 10.0	9.4 9.0 8.8

ตารางที่ 6ค ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมอดีเอ็นเอของ Streptomyces sp.
 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp.
 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces
 sp. 10 ภายหลังจากการตัดด้วยเอนไซม์ BglII
 (จากรูปที่ 9ค)

เชื้อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอดีเอ็นเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป (kb)			ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมอดีเอ็นเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb (kb)			
	<u>Streptomyces</u> sp. 50-13	25.0	15.5	12.0	8.6		
<u>Streptomyces</u> sp. 1-13	17.0	13.5	12.0	8.2	7.0	5.8	
<u>Streptomyces</u> sp. 43-5	12.5	10.5		9.4	8.6	7.0	6.4
<u>Streptomyces</u> sp. 50-5	12.5			9.4	7.6	6.2	5.8
<u>Streptomyces</u> sp. 10	13.0			9.4	8.6	6.2	5.4

ตารางที่ 6ง ขนาดของชิ้นส่วนโครโมโซมคลีเอนเอของ Streptomyces sp.
 50-13 Streptomyces sp. 1-13 Streptomyces sp.
 43-5 Streptomyces sp. 50-5 และ Streptomyces
 sp. 10 ภายหลังการตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI
 (จากรูปที่ 9ง) .

ชื่อ	ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมคลีเอนเอ ที่มีขนาด 10 kb ขึ้นไป (kb)		ขนาดชิ้นส่วนที่ปรากฏเด่นชัด ของโครโมโซมคลีเอนเอ ที่มีขนาดต่ำกว่า 10 kb (kb)			
<u>Streptomyces</u> sp. 50-13	12.0	10.0	7.0			
<u>Streptomyces</u> sp. 1-13	12.5		9.0	8.2	6.5	6.0
			5.2			
<u>Streptomyces</u> sp. 43-5	11.0		8.2	7.0	4.1	
<u>Streptomyces</u> sp. 50-5		-	9.0	5.8		
<u>Streptomyces</u> sp. 10	11.0		7.0	6.4	5.8	5.2

เครื่องหมาย - หมายถึง ไม่พบชิ้นส่วนขนาดดังกล่าว