

บทที่ 3 วิธีการศึกษา

ขั้นตอนการศึกษาความเสี่ยงของการไหลเวียนของยีนจากพืชจำลองพันธุ์ แบ่งเป็น 3 ขั้นตอนดังนี้

1. การนำเทคนิคการตรวจสอบพืชจำลองพันธุ์มาประยุกต์ใช้โดยการปรับสารเคมีให้อยู่ในรูปชุดตรวจสอบอย่างง่าย

วัสดุและอุปกรณ์

- ซอฟต์แวร์ DNasis (Hitachi software Engineering)
- Software Oligo 4 และระบบปฏิบัติการ Macintosh

สารเคมี

สารเคมีสำหรับสร้างชุดตรวจสอบ Amplification Core kit

- 10X buffer
- Magnesium chloride
- Taq DNA polymerase enzyme
- dNTP 10 mM

สารเคมีในการ run gel

- TAE buffer
- Agarose ME
- EtBr 10 mg/ml
- Loading dye 6x
- เอนไซม์ Taq DNA polymerase

นำเทคนิคการตรวจสอบพืชจำลองพันธุ์ที่รายงานโดย ปิยะศักดิ์ ช่อมพฤกษ์ (2543) มาประยุกต์ใช้โดยทำการศึกษาเพิ่มเติมดังนี้

- 1.1 ตรวจสอบข้อมูลเบื้องต้นที่เกี่ยวข้องกับโครงสร้างของยีนที่พบในพืชจำลองพันธุ์ และลักษณะของพืชพันธุ์ในประเทศ เพื่อวางแผนวิธีการตรวจสอบพืชจำลองพันธุ์ในระบบตรวจสอบข้อมูลพืชจำลองพันธุ์ที่สร้างขึ้น ชนิดของยีนควบคุมและยีนเป้าหมายในพืชจำลองพันธุ์ต่างๆ รวมถึงพืชจำลองพันธุ์ที่มีการอนุญาตปลูกทดสอบภายในประเทศตรวจสอบข้อมูลพืชปลูก โอกาสในการปนพันธุ์ ผลกระทบที่ใช้ในการตรวจสอบด้วยเชื้อ CaMV ในธรรมชาติ ทั้งนี้เพื่อให้แน่ใจว่าคู่มือเฉพาะที่นำมาใช้สามารถใช้ในการตรวจสอบ

พืชจำลองพันธุ์และติดตามการไหลเวียนของยีนจากพืชจำลองพันธุ์ได้อย่างถูกต้องและไม่
ใช้เกิดจากการปนของชิ้นส่วนบริเวณดีเอ็นเอที่ต้องการตรวจสอบจากแหล่งธรรมชาติ

1.1.1 ศึกษาความเหมือนของลำดับเบส (homology) บนพื้นฐานของ ฐานข้อมูลดีเอ็นเอ
และข้อมูลจากลิตธิบัตร์ เพื่อตรวจสอบบริเวณที่ไพรเมอร์เกาะ สืบค้นข้อมูล 35S
โปรโมเตอร์ที่ใช้ในการสร้างตัวเหลืองจำลองพันธุ์ผ่านทางฐานข้อมูลที่พบใน
Genebank และข้อมูลตัวเหลืองจำลองพันธุ์ที่ได้จาก Patent search โดยนำข้อ
มูลที่ได้มาวิเคราะห์โดยใช้โปรแกรม DNasis (Hitachi Software Engineering)
ซอฟต์แวร์ Oligo 4 และระบบปฏิบัติการ Macintosh โดยอาศัยหลักการดังนี้

1. target product ต้องมีขนาดเล็กกว่า 200 bp เพื่อให้สะดวก ในการตรวจ
สอบดีเอ็นเอ
2. คู่ primer ที่ออกแบบได้ ไม่ก่อให้เกิดการจับตัวกันเอง และมีสัดส่วนของ
GC content ที่เหมาะสม

1.2 เตรียมชุดน้ำยาให้อยู่ในรูปชุดตรวจอย่างง่ายซึ่งประกอบด้วยชุด core kit และชุดเอ็นไซม์
ชุดคิด 1 ชุด มี 20 reaction เตรียมได้จากส่วนผสมของปฏิกิริยาดังนี้

1.2.1 ชุด core kit สำหรับ 20 reaction มีปริมาตร 372.75 μ ประกอบด้วย

ความเข้มข้นของ สารที่ใช้เตรียม	ชนิดสารเคมี	ปริมาณที่ใช้ μ
100%	DW	267.75
10x	buffer	110
10 mM	dNTP	10.5
25 mM	MgCl ₂	31.5
10 pmole	3' primer	10.5
10 pmole	5' primer	10.5

หมายเหตุ ปริมาตรชุดสุทธิของ core kit 1ชุด ที่เป็น 440.75 μ เป็นการเผื่อไว้สำหรับความผิดพลาดของเครื่องมือ
เวลาชุด core kit ไปใช้สำหรับปริมาตรที่ใช้จริง = 355 μ ต่อ 20 reaction

1.2.2 ชุดเอ็นไซม์ *Taq* polymerase ความเข้มข้น 5 unit / μ จำนวน 5.5 μ ต่อ 20
reaction (หมายเหตุ ปริมาตรชุดสุทธิของ เอ็นไซม์ *Taq* polymerase 1ชุด = 5.5 μ เป็นการเผื่ออีก 1
หลอด สำหรับความผิดพลาดของเครื่องมือเวลาชุดเอ็นไซม์ *Taq* polymerase ไปใช้ สำหรับปริมาตรที่ใช้จริง
= 5.0 μ ต่อ 20 reaction)

1.3 ทำการทดสอบประสิทธิภาพและการทำงานของชุดตรวจลอบที่เตรียมได้ โดยนำชุดตรวจลอบที่เตรียมได้ไปทำปฏิกิริยากับดีเอ็นเอมาตรฐานจากถั่วเหลืองจำลองพันธุและดีเอ็นเอที่สกัดได้จากแหล่งต่างๆ รายละเอียดการใช้ชุดคิดเป็นดังนี้

- การเก็บชุดคิดให้เก็บที่ -20°C
- การผสมปฏิกิริยาขนาดใช้งานโดยชุด Core kit ด้วยปริมาตรเท่ากับจำนวนหลอด x 17.75 microlitre และดูดีเอ็นเอ Taq ด้วยปริมาตรเท่ากับ จำนวนหลอด x 0.25 microlitre ผสมให้เข้ากันแล้วเปิดแยกลงในหลอด PCR ขนาด 600 microlitre หลอดละ 18 microlitre ใช้ DNA templet จำนวน 2 microlitre/ 1 หลอดปฏิกิริยา

ในแต่ละรอบของปฏิกิริยา PCR กำหนดอุณหภูมิและเวลา ดังนี้

Denaturation	93°C	60 วินาที
Annealing	50°C	90 วินาที
Extension	72°C	180 วินาที

ทำซ้ำ 50 รอบ

ตรวจสอบดีเอ็นเอที่ได้จากปฏิกิริยาโดยวิเคราะห์บนแผ่นเจลด้วยเทคนิค Electrophoresis แล้วส่องดูได้แสงยูวีที่ความยาวคลื่น 312 นาโนเมตร บันทึกผลการทดลอง

2. ศึกษาความเป็นไปได้ในการปนพันธุถั่วเหลืองจำลองพันธุสู่ระบบการผลิต โดยมีขั้นตอนดังนี้

2.1 ตรวจสอบเมล็ดถั่วเหลืองที่ใช้บริโภค ที่เก็บตัวอย่างได้ในท้องตลาด

2.1.1 สุ่มและเก็บตัวอย่างเมล็ดถั่วเหลืองในท้องตลาด

2.1.2 ตรวจสอบอัตราการงอกของถั่วเหลือง ดังนี้

นำเมล็ดถั่วเหลืองตัวอย่าง แช่น้ำสะอาด 6-8 ชั่วโมง เพาะลงบนกระดาษเพาะขนาด 6×12 หลุม ที่มีวัสดุเพาะชำที่มีอัตราส่วน ขุยมะพร้าว ขี้เถ้าแกลบ และดิน อย่างละ 1 ส่วน ผสมให้เข้ากัน แล้วกลบด้วยวัสดุเพาะลงให้พอดีกับปากหลุม รดน้ำให้ชื้นอยู่ตลอดเวลาเป็นเวลา 7 วัน รอดูจำนวนเมล็ดที่งอกบันทึกผล คำนวณหาค่าเปอร์เซ็นต์การงอกของถั่วเหลือง โดยใช้สูตร

$$\text{เปอร์เซ็นต์การงอก} = \frac{\text{จำนวนเมล็ดที่งอก}}{\text{จำนวนเมล็ดทั้งหมดที่ใช้ในการเพาะ}} \times 100$$

ตรวจซ้ำหลังจากเก็บเมล็ดพันธุ์ไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นระยะเวลา 1, 3 และ 6 เดือนหลัง

- 2.1.3 ตรวจสอบการปะปนพันธุ์ถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ในตัวอย่าง
- 2.2 สํารวจข้อมูลเกี่ยวกับชนิดและวิธีการปลูกถั่วเหลืองพันธุ์พื้นเมือง และเก็บตัวอย่างถั่วเหลืองในแหล่งผลิตในเขตพื้นที่ศึกษา
- 2.2.1 สํารวจแหล่งที่มาที่ไปของเมล็ดพันธุ์ ค้นหาแปลงถั่วเหลืองจำลองพันธุ์จากข้อมูลการศึกษาการปนเปื้อนของถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ในท้องที่ต่างๆในเขตจังหวัดที่ทำการศึกษา ที่ตรวจพบจำนวนตัวอย่างที่ปนเปื้อนสูง ประกอบกับการสอบถามเกษตรกรผู้ปลูกถั่วเหลือง และเจ้าของร้านรับซื้อผลผลิตถั่วเหลืองในพื้นที่ หาแปลงปลูกถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ที่มีอยู่แล้วมาใช้ในการศึกษา
- 2.2.2 สํารวจข้อมูล ชนิดพืชปลูกและวัชพืชในแปลงปลูกเก็บรวบรวมข้อมูลของถั่วเหลืองในเขตพื้นที่ศึกษาโดยการสอบถามข้อมูลจากเจ้าหน้าที่ของรัฐในส่วนที่เกี่ยวข้องกับการปลูกถั่วเหลืองในพื้นที่ เกษตรกร ผู้รวบรวมและค้าเมล็ดพันธุ์ ผู้ประกอบการรับจ้างสีเปลือกถั่วเหลือง ผู้นำชุมชน และกรมวิชาการเกษตร เก็บข้อมูลของพื้นที่แปลงปลูกถั่วเหลืองในข้อ 2.2.1 (แปลงดังกล่าว)



ภาพที่ 4 แสดงภูมิประเทศบริเวณโดยรอบแปลงปลูกถั่วเหลือง ในจังหวัดเชียงใหม่
(24 กันยายน 2543)

- 2.2.3 ตรวจสอบอัตราการงอกของเมล็ดพันธุ์ถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ ที่ได้จากเกษตรกรเจ้าของแปลงในข้อ 2.2.1 โดยวิธีการเช่นเดียวกันกับข้อ 2.1.2
- 2.2.4 ตรวจสอบอัตราการปนพันธุ์จากแปลงเกษตรกร โดยใช้โมเดลทดสอบการปนพันธุ์ระหว่างถั่วเหลืองต่างพันธุ์ โดยอาศัยความแตกต่างของสีดอกในการติดตามดังนี้

1. ใช้ความแตกต่างของสีดอกตัวเหลืองระหว่างกลุ่มพันธุ์ดอกสีขาว (เช่น พันธุ์ เชียงใหม่ 60) และพันธุ์ดอกสีม่วง (เช่น พันธุ์สุโขทัย1, พันธุ์สจ.) เก็บรวบรวมข้อมูล สภาพแวดล้อม และวิธีการเกษตรกรรมของเกษตรกร เช่น แหล่งที่มาของเมล็ดพันธุ์ที่ใช้ ปลูก การใช้ประโยชน์จากผลผลิตตัวเหลือง สภาพทั่วไปของแปลง ข้อมูลพืชที่ปลูกใน แปลงข้างเคียง

2. เก็บข้อมูลในขณะที่ต้นตัวเหลืองออกดอกโดยวิธีสุ่ม โดยแบ่งแปลงปลูกออกเป็นแปลงย่อยๆขนาด 2x2 ตารางเมตร ให้หมายเลขแต่ละแปลงย่อยเรียงลำดับกันไป ใช้ตารางเลขสุ่มในการสุ่มเลือกหมายเลขแปลงย่อยที่จะใช้ในการเก็บข้อมูลตัวอย่าง นับจำนวนต้นที่ดอกสีขาว และต้นดอกสีม่วงที่พบในแต่ละ แปลงย่อย ทำทั้งหมด 30 แปลงย่อย

3.วิเคราะห์ผลการสำรวจ

2.2.5 ตรวจสอบการปนเปื้อนของตัวเหลืองจำลองพันธุ์ด้วยขั้นตอนดังนี้

1. สกัดดีเอ็นเอจากตัวอย่างด้วยวิธี วิซาร์ด เรซิน (Wizard[®]) (Promega) ด้วยวัสดุและอุปกรณ์และวิธีการ ดังต่อไปนี้

วัสดุและอุปกรณ์ที่ใช้

1. สารละลายบัฟเฟอร์สำหรับสกัด (extraction buffer) ประกอบด้วยสารละลาย 4 ชนิด ที่มีความเข้มข้นต่างกันดังนี้

10 mM	Tris-HCl pH 8.0
150 mM	NaCl
2 mM	EDTA
1%	SDS
2. สารละลาย 5 M Guanidine HCl
3. เอนไซม์ proteinase K (20 mg/ml)
4. Shaking hot air incubator
5. Microcentrifuge
6. Syringe ขนาด 3 ml
7. Manifold (Vac-man[™])
8. DNA column (Wizard[™] minicolumn)
9. Resin (Wizard[™] resin)
10. 80% isopropanol

11. ตราขั้วละเอียด
12. หลอด microcentrifuge tube 2 ml ชนิดมีฝาปิดและไม่มีฝาปิด
13. หลอด microcentrifuge tube 1.5 ml
14. เครื่องปั่นบด

วิธีการสกัดดีเอ็นเอ

1. บดตัวอย่างด้วยเครื่องให้เป็นผงละเอียดเนื้อเดียวกัน สุ่มขั้วตัวอย่าง 300 mg ใส่ในหลอด microcentrifuge ขนาด 1.5 ml ที่ผ่านการฆ่าเชื้อ
2. เติมสารละลายบัฟเฟอร์สำหรับสกัด 860 μ l สารละลาย 5 M Guanidine HCl 100 μ l ผสมให้เข้ากัน และเติมเอ็นไซม์ Proteinase K 40 μ l ผสมให้เข้ากันอีกครั้ง
3. บ่มปฏิกิริยาที่ 56 °C เป็นเวลา 3 ชั่วโมง ให้ปฏิกิริยาผสมเข้ากันตลอดเวลา โดยใช้ shaking incubator
4. นำตัวอย่างที่ได้ไปปั่นแยกที่อุณหภูมิต่ำ (4 °C) ด้วยความเร็ว 14500 รอบเป็นเวลา 15 นาที
5. จับดีเอ็นเอในสารละลายที่สกัดได้ด้วยเรซินสังเคราะห์ดังนี้
 - 5.1 จัด column และ Syringe ขนาด 3ml ให้เข้าชุด โดยวาง column ให้สนิทบน manifolds จากนั้นจึงนำหลอด Syringe ที่ติดตั้งหลอดออกวางบน column อีกต่อหนึ่ง ตรวจสอบให้วาล์วของ manifolds อยู่ในตำแหน่งปิด ขั้นตอนนี้ต้องระวังมิให้แกนหลอด Syringe ปนเปื้อนเขียนชื่อตัวอย่างกำกับให้ชัดเจน
 - 5.2 เติมสารละลายเรซินสังเคราะห์ที่เขย่าให้เข้ากันดีแล้วลงสู่ Syringe ที่เตรียมไว้หลอดละ 1 ml
 - 5.3 นำ supernatant ที่ได้จากข้อ 4 จำนวน 400 μ l มาผสมรวมกับละลายเรซินที่เตรียมไว้ในข้อ 5.2 ให้ตรงตามที่ได้เขียนชื่อกำกับ ผสมให้เข้ากัน
 - 5.4 เปิดวาล์วของ manifolds ให้อยู่ในตำแหน่งเปิด และเพิ่มแรงดันโดยเสียบแกนหลอดและกดซ้ำๆ หรือใช้แรงดูดจากปั๊ม เพื่อดึงให้สารผสมเข้าสู่ column
 - 5.5 เมื่อสารผสมเข้าสู่ column จนหมดให้ล้าง column โดยการเติมสารละลาย 80% isopropanol 2 ml เพิ่มแรงดันหรือแรงดูดจากปั๊มอีกครั้ง จนสารละลายเข้าไปล้าง column จนหมด

- 5.6 นำ column ที่ได้มาวางบนหลอด microcentrifuge tube ขนาด 2 ml ที่ไม่มีฝาปิด บั่นให้แห้งโดยใช้ความเร็วรอบ 10000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 2 นาที
- 5.7 ย้าย column ลงบนหลอด microcentrifuge tube ขนาด 1.5 ml ที่ปลอดเชื้อ เติมน้ำกลั่นปลอดเชื้อที่บ่มไว้ที่ 70 °C 100 μ l เข้าสู่ column ปลอ่ยไว้ 1 นาที แล้วทำการบั่นเอาสารละลายดีเอ็นเอที่ต้องการออกโดยใช้ความเร็วรอบ 10000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 1 นาที
- 5.8 นำดีเอ็นเอของถั่วเหลืองตัวอย่างที่ได้ไปทดสอบโดยวิธี PCR โดยใช้ชุดตรวจสอบที่ประยุกต์ขึ้น จากนั้นนำผลผลิตของ PCR ที่ได้มาตรวจสอบโดยการทำ Electrophoresis ดูผลบนเครื่องฉายแสง Ultra-violet บันทึกผล

2.2.6 เปรียบเทียบข้อมูลทั่วไปและข้อมูลการเจริญเติบโต ระหว่างถั่วเหลืองพันธุ์ปกติและถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ ศึกษาเปรียบเทียบจากแปลงที่หาได้ในข้อ 2.2.1 โดยมีการจัดการแปลงปลูกถั่วทั้ง 2 พันธุ์ ในลักษณะเดียวกัน คือกำจัดวัชพืชโดยการถอนออกทุกสัปดาห์ ส่วนในแปลงถั่วจำลองพันธุ์ไม่กำจัดวัชพืช ไม่ฉีดยากำจัดศัตรูพืช และทั้ง 2 แปลงไม่ใส่ปุ๋ยเคมีในแปลงปลูก วัดการเจริญเติบโตของต้นถั่ว ผลผลิต ตลอดจนปริมาณการเกิดปมรากของต้นถั่วเหลืองตัวอย่าง เก็บผลผลิตแยกแต่ละหมายเลขของแต่ละพันธุ์ในแต่ละแปลง บันทึกการเจริญเติบโต เปรียบเทียบค่าเฉลี่ยความสูงและผลผลิตที่ได้ระหว่างถั่วเหลือง 2 พันธุ์ดังกล่าว และเปรียบเทียบกับข้อมูลจากเกษตรกรด้วยวิธี Unpaired T-Test ที่ระดับความเชื่อมั่น 95% และตรวจสอบความสัมพันธ์ของพันธุ์ถั่วเหลืองทั้ง 2 กับการเกิดปมรากของไรโซเบียมในพื้นที่ปลูกจังหวัดเชียงใหม่ ด้วยวิธี Chi² - Test ที่ระดับความเชื่อมั่น 95%

3. ความเป็นไปได้ของการเกิดการถ่ายทอดยีน

ตรวจสอบความเป็นไปได้ของการเกิดการถ่ายทอดยีนจากถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ไปยังสิ่งมีชีวิตอื่นดังนี้

3.1 ตรวจสอบความเป็นไปได้ในการไหลเวียนของยีนผ่านทาง การถ่ายละอองเรณูดังนี้

3.1.1 ศึกษาความมีชีวิตของละอองเรณูโดยวิธีดังต่อไปนี้

1) เลือกดอกถั่วเหลืองใกล้บานเป็นวัสดุทดลอง

- 2) หยด Glycerol ลงบน slide สะอาดที่เตรียมไว้ 1 slide ต่อ 1 ดอก
 - 3) นำ Forceps ดึงกลีบดอกตัวเหลืองออก นำดอกตัวเหลืองจิ้มลงในหยด glycerol ใช้เข็มเขี่ยกลุ่มละอองเรณูให้กระจายทั่วกันบนแผ่น slide
 - 4) เตรียม Slide เปล่า ติดฉลากจำนวนเวลา จำนวน 56 slide แบ่งเป็น 2 ชุด ชุดละ 23 slide ต่อ 1 ดอก
 - ชุดที่ 1 ติดฉลากจำนวนชั่วโมง 0,1,3,5,.....,53
 - ชุดที่ 2 ติดฉลากจำนวนชั่วโมง 0,2,4,6,.....,54
 - 5) นำ Loop ไปแตะส่วนผสมในข้อที่ 3 ถ่ายลงใน slide ที่เตรียมไว้
 - 6) จับเวลาตามจำนวนชั่วโมงที่กำหนด และทำการย้อมละอองเรณูด้วยสีย้อม Airborne pollen ที่มีชื่อว่า Calberla solution ตามเวลาที่ติดไว้ในฉลาก โดยละอองเรณูที่มีชีวิตจะติดสีชมพู ส่วนที่ตายแล้ว จะเห็นละอองเรณูติดสีน้ำตาล
- 3.1.2 ศึกษาระยะทางและการเคลื่อนที่ของละอองเรณู ที่ระยะต่างๆดังนี้ 0, 25, 50, 75, 100, 125 เมตร โดย
- 1) ใช้ตะเกียบไม้ไผ่ผ่าปลายด้านบนลงมา 1 นิ้ว
 - 2) ทา Glycerol ลงบน slide ด้านหนึ่งให้ทั่ว ติด label ระยะห่างจากแปลงตัวเหลืองไว้อีกด้านหนึ่ง เสียบตรงร่องตะเกียบไม้ไผ่ที่เสียบไว้
 - 3) นำไปปักตามระยะทางต่างๆ ที่กำหนด จากแปลงตัวเหลืองในทิศทางตามแนวลมพัด
 - 4) ตรวจนับละอองเรณูตัวเหลืองที่ติดอยู่บน Slide เปรียบเทียบกับ slide มาตรฐานละอองเรณูตัวเหลือง

3.2 ตรวจสอบความเป็นไปได้ในการถ่ายยีนออกสู่สิ่งมีชีวิตในระบบนิเวศ

3.2.1 ตรวจสอบการไหลเวียนของยีนจากพืชจำลองพันธุ์ไปสู่พืชและวัชพืชตระกูลเดียวกัน

1. ตรวจสอบเมล็ดพันธุ์ที่เกษตรกรใช้ปลูกในแปลงศึกษา ทั้งพันธุ์ สจ.5 และดั้งเหลืองจำลองพันธุ์ โดยการสกัดดีเอ็นเอตัวอย่างด้วยวิธี วิชารด เรซิน Wizard[®] Miniprep DNA Purification (Promega) และตรวจสอบโดยการเพิ่มชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณ 35S โปรโมเตอร์ด้วย PCR ผลผลิตจากปฏิกริยานำมาแยกขนาดด้วยสนามไฟฟ้าคงที่ ด้วยเทคนิค Agarose gel electrophoresis เทียบกับ 100 base pair ladder เปรียบเทียบระหว่าง ถั่วจำลองพันธุ์ และถั่วพันธุ์มาตรฐาน (Non-GMOs)

2. ตรวจสอบต้นถั่วเหลืองที่เลือกใช้ในการเก็บข้อมูลที่เกษตรกรใช้ปลูกในแปลงศึกษา ทั้งถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ และพันธุ์ สจ.5 ที่อยู่ในแปลงข้างเคียงห่างกันในระยะ 0-25 เมตร พันธุ์ละ 30 ต้น รวมทั้งวัชพืชที่เป็นพืชตระกูลถั่ว ที่ขึ้นอยู่ในแปลงถั่วเหลือง จำลองพันธุ์ เพื่อการสกัดดีเอ็นเอจากใบอ่อนหรือลำต้นด้วยวิธี CTAB และตรวจสอบ โดยการเพิ่มขึ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณ 35S โปรโมเตอร์ด้วย PCR ผลผลิตจากปฏิกิริยา นำมาแยกขนาดด้วยสนามไฟฟ้าคงที่ ด้วยเทคนิค Agarose gel electrophoresis เทียบกับ 100 base pair ladder เปรียบเทียบระหว่างถั่วจำลองพันธุ์และถั่วพันธุ์ มาตรฐาน (Non-GMOs) เพื่อให้แน่ใจว่าถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ เป็นพืชจำลองพันธุ์จริง และถั่วเหลืองพันธุ์พันธุ์ สจ. 5 และวัชพืชตระกูลถั่วที่จะนำมาใช้ในการศึกษาเป็นพืช ธรรมชาติ (Non-GMOs)

3. ตรวจสอบการไหลเวียนของยีนจากถั่วจำลองพันธุ์ไปสู่ถั่วเหลือง สจ.5 ที่เกิดจากการ ผสมข้ามต้นและทำการตรวจสอบการถ่ายยีนไปสู่วัชพืชตระกูลถั่วโดยการสกัดดีเอ็น เอตัวอย่างด้วยวิธี วิซาร์ด เรซิน Wizard[®] Minipreps DNA Purification (Promega) และตรวจสอบโดยการเพิ่มขึ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณ 35S โปรโมเตอร์ด้วย PCR ผลผลิตจากปฏิกิริยานำมาแยกขนาดด้วยสนามไฟฟ้าคงที่ ด้วยเทคนิค Agarose gel electrophoresis บันทึกผลการตรวจ

3.2.2 ตรวจสอบการไหลเวียนของยีนจากพืชจำลองพันธุ์ไปสู่จุลชีพ ดังนี้

1. เพาะเลี้ยงจุลชีพในดิน บริเวณรอบๆ รากของต้นถั่วเหลืองโดยนำดินรอบราก ถั่วเหลืองพันธุ์ สจ. 5 และถั่วเหลืองพันธุ์จำลองพันธุ์จำนวน 1 กรัม มาใส่ในน้ำกลั่นที่ นึ่งฆ่าเชื้อแล้ว 5 ml เขย่าให้เข้ากัน ตูตสารละลายดินดังกล่าวมา 100 μ l เพาะ เลี้ยงในอาหารเหลวสูตร Nutrient broth เป็นเวลา 16 ชม.

2. ตรวจสอบชนิดของจุลชีพโดยเทคนิค Streak plate

3. ตรวจวิเคราะห์จุลชีพโดยการสกัดดีเอ็นเอตัวอย่างด้วยวิธี วิซาร์ด เรซิน (Promega) และตรวจสอบโดยการเพิ่มขึ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณ 35S โปรโมเตอร์ ด้วย PCR ผลผลิตจากปฏิกิริยานำมาแยกขนาดด้วยสนามไฟฟ้าคงที่ ด้วยเทคนิค Agarose gel electrophoresis

3.2.3 ตรวจสอบการไหลเวียนของยีนจากพืชจำลองพันธุ์ไปสู่แบคทีเรียในปมรากดังนี้

1. ขณะที่ต้นถั่วออกดอกสุ่มชุดต้นถั่วจากแปลงที่เป็นถั่วเหลืองพันธุ์ สจ.4 และ ถั่ว เหลืองจำลองพันธุ์ มาศึกษาการเกิดปมรากไรโซเบียม แปลงละ 5 ต้นบันทึกผล และตรวจชนิดพืชตระกูลถั่วที่พบในแปลงถั่วเหลืองจำลองพันธุ์

2. นำปมรากแก้วและวิชพืชตระกูลถั่วทั้ง 2 แปลงมาทำความสะอาดด้วยน้ำกลั่น โดยตัดรากทั้งสายแล้วจึงแยกปมของแต่ละต้น
 3. ฟอกฆ่าเชื้อด้วยสารละลายคลอริก 2% ผสม Tween 1-2 หยด นาน 5 นาที
 4. ล้างน้ำกลั่นที่ฆ่าเชื้อ 1 ครั้ง ล้างต่อด้วย 70% EtOH นาน 1 นาที แล้วล้างด้วยน้ำกลั่นซ้ำอีก 2 ครั้ง
 5. นำไปเลี้ยงในอาหารเหลว YMA Congo Red Media 7-14 วัน ตามชนิด ไรโซเบียมที่ขึ้นกับชนิดพืชตระกูลถั่ว (มักราบ 7 วัน, ถั่วลิสงและถั่วเหลือง 14 วัน) นำขึ้นวางบนอาหาร Congo red agar ดูว่ามีการปนเปื้อนเนื้อเยื่อหรือไม่ ถ้ามีกลับไปเริ่มที่ข้อ 4 ใหม่ จนกว่าจะหมดการปนเปื้อน
 6. ตัดปมรากออกเป็นชิ้นบางใส่ลงในหลอดทดลองที่บรรจุอาหาร YM Congo Red (เหลว) 10 ml เลี้ยงเชื้อที่อุณหภูมิห้อง เก็บเซลล์ ไรโซเบียม โดยการ Centrifuge ทำการสกัดดีเอ็นเอตัวอย่างด้วยวิธี เรซิน วิซาร์ด Wizard® Minipreps DNA Purification (Promega) และตรวจสอบโดยการเพิ่มขึ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณ 35S โปรโมเตอร์ด้วย PCR ผลผลิตจากปฏิริยานำมาแยกขนาดด้วยสนามไฟฟ้าคงที่ด้วยเทคนิค Agarose gel electrophoresis
- 3.2.4 ตรวจสอบการไหลเวียนของยีนจากพืชจำลองพันธุ์ไปสู่จุลินทรีย์ในทางเดินอาหารของแมลง และแมลงผสมเกสร และผลกระทบต่อเซลล์ลำไส้แมลงผึ้งโพรงไทย ด้วยวิธีการดังต่อไปนี้
- 3.2.4.1 ผลต่อผึ้งที่บริโภคถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ ในสภาพทดลอง
1. เลี้ยงผึ้งโพรง 2 กลุ่ม กลุ่มแรกให้ทานแบ่งถั่วเหลืองพันธุ์มาตรฐาน ผสมน้ำผึ้งบริสุทธิ์เป็นกลุ่มควบคุม กลุ่มที่ 2 ให้ทานแบ่งถั่วเหลืองจำลองพันธุ์ผสมน้ำผึ้งบริสุทธิ์เป็นชุดทดสอบ
 2. เลี้ยงไปเป็นเวลาหนึ่งเดือน จึงเริ่มเก็บแมลงมาตัดลำไส้ เพื่อเพาะเลี้ยงจุลินทรีย์ในลำไส้ผึ้ง
 3. นำชิ้นส่วนลำไส้มาเลี้ยงในอาหาร LB เหลว โดยแบ่งเป็นสองกลุ่มคือ กลุ่มที่คัดเลือกให้อาหารที่มียาปฏิชีวนะ kanamycin กับกลุ่มปกติ
 4. เก็บเซลล์ด้วยวิธี Centrifuge
 5. สกัด DNA ตรวจสอบการไหลเวียนของยีนโดยเทคนิค PCR และตรวจสอบผลทาง Gel electrophoresis

6. นำฝิ่งทั้ง 2 รั้งที่เลี้ยงมานาน 4 เดือนมาตรวจสอบสภาพลำไส้ โดยการเตรียมตัวอย่างในพาราฟิน ผสมด้วย Acid Haemalaum แล้วส่องดูด้วยกล้องจุลทรรศน์ เทคนิคการเตรียมตัวอย่างทำดังนี้
 - 1). นำตัวอย่างลำไส้และกระเพาะอาหารของฝิ่งมาตรึงในสารละลาย 10% formaldehyde
 - 2). ตึงน้ำออกจากตัวอย่างด้วยการแช่ในสารละลายแอลกอฮอล์ (Ethanol) 80%, 90%, 95% และ 100% 2 ครั้ง ครั้งละ 15 นาที ตามลำดับ แล้วแช่ตัวอย่างในสารละลายไซลีน (Xylene) ครั้งละ 15 นาที
 - 3). นำตัวอย่างบรรจุใส่สารละลายพาราฟินที่หลอมละลายที่อุณหภูมิ 68 องศาเซลเซียส
 - 4). ลดอุณหภูมิจนถึงอุณหภูมิต่ำ
 - 5). ตัด Section ด้วย Microtome และนำแผ่นตัวอย่างที่ทำ Section ได้วางบนแผ่นสไลด์
 - 6). สกัดพาราฟินออกโดย แช่ในสารละลาย ไซลีน 2 ครั้ง และแช่ในสารละลายแอลกอฮอล์ 100% 100% 90% 80% 70% ครั้งละ 2 นาที ตามลำดับ
 - 7). ผลมสีดังนี้ สารละลาย Heamatoxylin แบบ Acid Haemalaum 3-5 นาที และ 1% Eosin 3-5 นาที ก่อนแช่ในสารละลายแอลกอฮอล์ 100% 100% 90% 80% 70% ครั้งละ 2 นาที ตามลำดับ ปิดด้วยกระจกปิดสไลด์ ส่องดูด้วยกล้องจุลทรรศน์ที่กำลังขยาย 400 เท่า บันทึกผล

3.2.4.2 ผลต่อแมลงในกลุ่มผสมเกสรที่เกี่ยวข้องกับละอองเรณู และน้ำหวานจากดอกของถั่วเหลือง จำลองพันธุ์ ในสภาพธรรมชาติ

1. นำแมลงที่จับในระหว่างการทดลอง(ตามที่ระบุไว้ข้างต้น)มาตรวจสอบดูละอองเรณูที่ติดอยู่
2. นำแมลงจาก ข้อ 1 มาตัด Section ผ่าเอาลำไส้มาจัดเรียงในอาหาร LB เหลว ประมาณ 16 ซม. ทำการ Centrifuge เก็บเซลล์ มาตรวจและวิเคราะห์การไหลเวียนของยีน โดยการสกัดดีเอ็นเอตัวอย่างด้วยวิธีชาร์ตเรซิน Wizard® (Promega) และตรวจสอบโดยการเพิ่มชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณ 35S โปรโมเตอร์ด้วย PCR ผลผลิตจากปฏิกิริยานำมาแยกขนาดด้วยสนามไฟฟ้าคงที่ด้วยเทคนิค Agarose gel electrophoresis

3.2.5 เสถียรภาพของดีเอ็นเอในชุดดินต่างๆของประเทศ

การตรวจสอบเสถียรภาพของดีเอ็นเอในชุดดินต่างๆของประเทศ มีวัตถุประสงค์
อุปกรณ์และวิธีการศึกษาดังนี้

วัสดุและอุปกรณ์

1. ชุดดินกำแพงแสน
2. ชุดดินทรายมาบบอน
3. ชุดดินรังสิต
4. ชุดดินวาริน
5. ชุดดินชัยบาดาล
6. Plasmid pCAMBIA 1301 จากเชื้อ *Agrobacterium tumefaciences*
เป็นดีเอ็นเอมาตรฐาน ในการทดสอบกับชุดดิน 5 ชุด

วิธีการทดลอง

ขั้นตอนการเตรียม Plasmid pCAMBIA 1301 จากเชื้อ *Agrobacterium tumefaciences*

1. เลี้ยงเชื้อแบคทีเรีย *Agrobacterium tumefaciences* ที่มี plasmid pCAMBIA 1301 จาก Glycerol Stock ในอาหารเหลว LB + kanamycin 20 ppm ที่อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส บนเครื่องเขย่าที่ 200 rpm เป็นเวลา 16 ชั่วโมง
2. สกัดพลาสมิด pCAMBIA 1301 จากเชื้อ *Agrobacterium tumefaciences* โดยรวบรวมแบคทีเรียที่ได้ในข้อ 1 ย้ายลงในหลอด Eppendorf ขนาด 1.5 ml นำไปปั่นด้วยความเร็วสูง นาน 5 นาที ทิ้งของเหลวส่วนบน เก็บ pellet เชื้อที่ตกตะกอนอยู่ก้นหลอด ทำการการสกัด plasmid pCAMBIA 1301 โดยการย่อยสลายเซลล์ด้วย Lysozyme buffer 200 μ l ทำให้เซลล์แตกโดยการเติม alkaline Solution จำนวน 400 μ l ปรับสภาพสารละลายเป็นกลางโดยการเติม KOAc จำนวน 300 μ l แล้วนำไปวางบนน้ำแข็ง 10 นาที จะมีตะกอนสีขาวขุ่นจะค่อยเกิดขึ้น นำไปปั่นเก็บตะกอนดีเอ็นเอที่ความเร็ว 14,000 รอบ/นาที นาน 5 นาที ทิ้งตะกอน เก็บสารละลายส่วนบนมาทำการสกัดด้วย phenol Chloroform 1 ครั้ง ด้วยปริมาตรที่เท่ากัน นำไปปั่นที่ความเร็ว 14,000 รอบ/นาที นาน 5 นาที ทิ้งตะกอน เก็บสารละลายส่วนบนมาตกตะกอนดีเอ็นเอด้วย Iso-propanal 600 μ l จะเกิดตะกอน DNAแขวนลอย อยู่ใน

สารละลาย นำไปปั่นที่ความเร็ว 14,000 รอบ/นาที นาน 5 นาที ทิ้งสารละลายส่วนบนเก็บตะกอน DNA มาล้างด้วย 70% EtOH 1ml ปั่นที่ความเร็วรอบ 80% ของความเร็วสูงสุด ทิ้งสารละลายส่วนบน เก็บ pellet ตะกอน DNA ไปทำให้แห้งใน thermal centrifuge ที่อุณหภูมิ 45 องศา นาน 10-15 นาที เพื่อกำจัด EtOH ที่ค้างอยู่ ละลายตะกอน DNA ด้วย TE buffer 20-30 μ l เก็บสารละลายดังกล่าวที่ -20 องศาเซลเซียส

ขั้นตอนการกราดตรวจสอบเสถียรภาพของดีเอ็นเอในชุดดิน ทั้ง 5

1. บรรจุดินตัวอย่างทั้ง 5 ชุด ใส่ในกระถางขนาด 5 นิ้ว กระถางละ 1 กิโลกรัม ชุดดินละ 4 กระถาง
2. แบ่งสารละลาย plasmid pCAMBIA 1301 ใส่ลงในหลอด Eppendorf ขนาด 1.5 ml หลอดละ 3 μ l จำนวน 15 หลอด เติมน้ำ DW ลงไปหลอดละ 47 μ l
3. รด plasmid pCAMBIA 1301 ลงในชุดดินแต่ละชุดจำนวนชุดดินละ 3 กระถาง โดยจะมีชุดควบคุมที่ไม่รด plasmid pCAMBIA จำนวนชุดดินละ 1 กระถาง
4. รดน้ำกลั่นจำนวน 30 ml ทุกวันในตอนเช้า
5. เก็บตัวอย่างดินทุก 7 วัน เริ่มตั้งแต่วันที่ รด plasmid pCAMBIA 1301 ลงในดิน จนครบระยะเวลา 140 วัน
6. สกัดดีเอ็นเอจากดินด้วยวิธีที่ดัดแปลงจาก Clegg, C. D และคณะ 1997 ดังนี้
 - 1) ชั่งเนื้อดิน 500 มิลลิกรัม เติมน้ำ Polyvinylpyrrolidone (PVPP) 200 มิลลิกรัม และเติม 3 มิลลิลิตร ของ Phosphate Buffer pH8.0 ที่ประกอบด้วย โซเดียมคลอไรด์ 150 mM EDTA 100 mM ใน Phosphate Buffer ที่มี 1% SDS
 - 2) บ่มตัวอย่างดินจากข้อ 1 ที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง
 - 3) ตกตะกอน DNA ด้วย Polyethylene Glycol (PEG) 6000 ที่ความเข้มข้น 15% ที่ 4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 คืน
 - 4) ปั่นรวบรวมตะกอน DNA และละลายใน TE และนำ DNA ที่ได้ไปตรวจการคงตัวของ 35S Promoter Element ต่อไปด้วยเทคนิค PCR