

การโคลนยีนไซโคโลเดกซ์ทีวีน กูลคาโนนกรานสเพอเรส

จาก *Bacillus A₁₁* ใน *Escherichia coli*



นายสรศักดิ์ ศิรินรอดคลศิลป์

วิทยานิพนธ์นี้ เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปรัชญาวิทยาศาสตร์มหาบัณฑิต

ภาควิชาชีวเคมี

บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

พ.ศ. 2536

ISBN 974-583-034-8

ลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

018822

๑๗๑๓๑๔๙๒

MOLECULAR CLONING OF CYCLODEXTRIN GLUCANOTRANSFERASE GENE

FROM *Bacillus A₁₁* IN *Escherichia coli*



Mr. Surasak Siripornadulsil

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements

for the Degree of Master of Science

Department of Biochemistry

Graduate School

Chulalongkorn University

1993

ISBN 974-583-034-8

หัวข้อวิทยานิพนธ์

การคุณค่าของเชื้อกลุ่ม Escherichia coli ต่อการส่งผลกระทบต่อสุขภาพ

โดย

นายสรศักดิ์ ศรีพรผลศิลป์

ภาควิชา

ชีวเคมี

อาจารย์ที่ปรึกษา

อาจารย์ ดร. วิเชียร รัมย์ชัยกิจ

อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม

ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร. พิรดา มงคลกุล



บัญชีวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย อนุมัติให้นับวิทยานิพนธ์บันทึกเป็นส่วนหนึ่ง
ของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญามหาบัณฑิต

..... ลายเซ็น คณบดีบัญชีวิทยาลัย

(ศาสตราจารย์ ดร. ถาวร วัชรากุล)

คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์

..... ลายเซ็น ประธานกรรมการ

(ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร. กฤษณะ ลิมปเสนี)

..... ลายเซ็น อาจารย์ที่ปรึกษา

(อาจารย์ ดร. วิเชียร รัมย์ชัยกิจ)

..... ลายเซ็น อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม

(ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร. พิรดา มงคลกุล)

..... ลายเซ็น กรรมการ

(รองศาสตราจารย์ ดร. วัฒนาลักษ ปานบ้านเก้า)

คําอธิบายหัวเรื่องที่ได้รับอนุญาตในกรอบสีเขียวที่พิมพ์ด้วยตัวบล็อก

ผู้ศึกษา ศิริพรอุดลศิลป์ : การโคลนยืนไชโคลเดกซ์ทริน กจุคานิทรานลัฟอเรล จาก Bacillus A₁₁ ใน Escherichia coli (MOLECULAR CLONING OF CYCODEXTRIN GLUCANOTRANSFERASE GENE FROM Bacillus A₁₁ IN Escherichia Coli)
อ.ที่ปรึกษา: อ.ดร.วิเชียร รังษฤษัยกิจ, อ.ศิริกาญารวม: ผศ.ดร.พิรดา มงคลฤทธิ์,
143 หน้า ISBN 974-583-034-8

ได้ทำการโคลนยืนไชโคลเดกซ์ทริน กจุคานิทรานลัฟอเรล (CGTase gene) จาก Bacillus A₁₁ เข้าไปใน Escherichia coli โดยใช้พลาสติก pBR322, pUC18 และ pSE411 เป็นตัวเอ็นเอพาหะตามลำดับ นำตัวเอ็นเอของโคโรโน่จาก Bacillus A₁₁ ที่อยู่ด้วยเรลติกชั่น-เอนไซม์ Sau3AI แบบไม่ล้มยูรัฟ (partial digestion) มาเชื่อมเข้ากับตัวแหน่ง BamHI บนพลาสติก pBR322 และเคลื่อนย้ายรีคอมปิเนนท์พลาสติกที่สร้างขึ้นใหม่เข้าสู่เซลล์เจ้าเรือน E. coli strain HB101 ทำการคัดเลือกทราบลัฟอเรล แม่นที่สำหรับการผลิตเอนไซม์ CGTase โดยการรดแอกติวิตี้อย่าง เอ็นไซม์ ชีงประกอบด้วยการทำ iodine-test, phenol red inclusion complex test (PICT), cyclodextrin trichloroethylene assay (CD-TCE assay) และวิเคราะห์ผลิตภัณฑ์ CDs ด้วย HPLC รีคอมปิเนนท์พลาสติกที่มี CGTase gene ให้รู้ว่า pSV1 มีขนาดของชิ้นตัวเอ็นเอจาก Bacillus A₁₁ ประมาณ 20 - 22 kb เนื่องจาก pSV1 มีขนาดใหญ่และไม่เสถียร จึงทำการโคลนยืนต่อ โดยยื่นรีคอมปิเนนท์พลาสติก pSV1 ด้วยเรลติกชั่น-เอนไซม์ Sau3AI แบบไม่ล้มยูรัฟ และเลือกชิ้นตัวเอ็นเอที่มีขนาดประมาณ 2 - 6 kb และเชื่อมชิ้นตัวเอ็นเอเข้าไปในตำแหน่ง BamHI ของพลาสติก pUC18 เคลื่อนย้ายรีคอมปิเนนท์ตัวเอ็นเอเข้าสู่เซลล์เจ้าเรือน E. coli strain JM101 พบรานลัฟอเรล แม่นที่แล้วด้วย amylolytic activity 3 ทราบลัฟอเรล แม่นที่ แต่แล้วด้วย CGTase activity เพียง 2 ทราบลัฟอเรล แม่นที่ และสำหรับการสร้างทราบลัฟอเรล เอ็นไซม์ CGTase ได้ด้วย IPTG ให้รีคอมปิเนนท์พลาสติกใหม่ นั่ว่า pSV2 และ pSV3 ชีงมีขนาดของชิ้นตัวเอ็นเอจาก Bacillus A₁₁ ประมาณ 6.8 และ 5.2 kb ตามลำดับ เนื่องจากการนำรีคอมปิเนนท์พลาสติก pSV3 มาศึกษา restriction map ทำได้ยาก จึงได้โคลนยืนต่ออีกครั้งโดยย้าย inserted DNA fragment จากรีคอมปิเนนท์พลาสติก pSV3 ไปติดต่อเข้ากับพลาสติก pSE411 โดยใช้เรลติกชั่น-เอนไซม์ PstI และ KpnI และทราบลัฟอเรล เข้า E. coli strain HB101 ให้รีทราบลัฟอเรล แม่นที่และรีคอมปิเนนท์พลาสติกที่สร้างขึ้นใหม่ว่า SV5 และ pSV5 ตามลำดับ เมื่อศึกษา restriction map ของรีคอมปิเนนท์พลาสติก pSV5 พบว่า CGTase gene Bacillus A₁₁ แตกต่างจาก CGTase gene จากลายพันธุ์ ผลการวิเคราะห์ผลิตภัณฑ์ CDs ด้วย PHLC พบว่าทราบลัฟอเรล แม่นที่ SV5 ให้ผลิตภัณฑ์ γ -CD ในสัดส่วนที่มากที่สุดตามด้วย β - และ α -CD สามารถตรวจสอบแบบโปรดักต์ที่มีน้ำหนักโมเลกุลใกล้เคียงและเท่ากับ เอ็นไซม์ CGTase จากทราบลัฟอเรล แม่นที่ SV5 ด้วยเอลติโอล-โพลีอะคริลามิดเจลอิเลคโทรforeชีล



ภาควิชา ชีวเคมี
สาขาวิชา ชีวเคมี
ปีการศึกษา 2535

ลายมือชื่อนิสิต
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา

C325934 : MAJOR BIOCHEMISTRY

KEY WORD: MOLECULAR CLONING OF GENE / CYCLODEXTRIN GLUCANOTRANSFERASE

SURASAK SIRIPORNADULSIL: MOLECULAR CLONING OF CYCLODEXTRIN

GLUCANOTRANSFERASE GENE FROM Bacillus A₁₁ IN Escherichia coli.

THESIS ADVISOR: VICHIEN RIMPHANITCHAYAKIT, Ph.D., THESIS CO-ADVISOR:

ASSIST. PROF. PEERADA MONGKOLKUL, Ph.D., 143 pp. ISBN 974-583-034-8

The cyclodextrin glucanotransferase (CGTase) gene from Bacillus A₁₁ has been cloned into Escherichia coli using plasmid vector pBR322, pUC18 and pSE411 respectively. Partially Sau3AI-digested chromosomal DNA from Bacillus A₁₁ was ligated to BamHI-cleaved pBR322 and transformed into E. coli strain HB101. CGTase producing transformants were screened and isolated by iodine test, phenol red inclusion complex test, trichloroethylene precipitation and HPLC analysis. The constructed plasmid, pSV1, was isolated and analysed. The cloned CGTase gene was found to be within an approximately 20 - 22 kb insert. Due to its large size and instability, pSV1 was used for subcloning. It was partially digested with Sau3AI and DNA fragments of 2 to 6 kb were isolated and ligated to BamHI-cleaved pUC18. The ligation mixture was then transformed into E. coli strain JM101. Three halo-positive transformants were obtained but only 2 transformants showed CGTase activity which was inducible by IPTG. The plasmids obtained were designated as pSV2 and pSV3, and found to contain an approximately 6.8 and 5.2 kb DNA insert, respectively. For unknown reason, these plasmids were only partially digested with restriction endonuclease used, making it difficult to do restriction mapping. Therefore, the inserted DNA fragment from pSV3 was further subcloned as PstI-KpnI fragment into PstI-KpnI cleaved pSE411. The resulting plasmid and transformant were designated as pSV5 and SV5, respectively. Restriction mapping was performed on pSV5 and it was found that its pattern was different from those of other known CGTase gene. HPLC analysis of SV5-generated products indicated that the cloned CGTase produced γ -CD > β -CD > α -CD. By using SDS-polyacrylamide gel electrophoresis, a protein band with MW equal to CGTase from Bacillus A₁₁ was detected as well as other presumably modified forms of the cloned CGTase.



ภาควิชา.....เคมี.....
สาขาวิชา.....เคมี.....
ปีการศึกษา..... 2535

ลายมือชื่อนักศึกษา.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....

กิตติกรรมประกาศ

ผู้เชื่อมนิครัชกรกรุ๊ป ที่ได้รับพระราชทานปริญญาตรี ค.ว.เชียร์ รัมพันธ์ยศกิจ เป็นอ่องสัง ที่ได้ให้ความกรุณาเป็นที่ปรึกษาให้ความช่วยเหลือ กำลังใจ และความเข้าใจอันมีค่าเชิงต่อผู้เชื่อม ตลอดระยะเวลาที่ผู้เชื่อมศึกษาอยู่ในภาควิชาชีวเคมี

กราบขอบพระคุณผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.พิรดา มงคลกุล ที่ได้กรุณาให้คำปรึกษาที่เป็นประโยชน์อย่างมากในการวิจัยนี้

กราบขอบพระคุณผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.กิพาพร ลิมป์เสนีย์ และรองศาสตราจารย์ ดร.วุฒิเนตร ปานบ้านเกร็ง ที่ได้กราบเป็นกรรมการสอบวิทยานิพนธ์

กราบขอบพระคุณอาจารย์ทุกท่านในภาควิชาชีวเคมีและหน่วยปฏิบัติการพันธุ์ชีววิศวกรรม ที่ได้ให้ความกรุณาให้คำปรึกษา และชี้แนะต่างๆตลอดระยะเวลาการทำงานวิจัย

ขอบพระคุณหน่วยปฏิบัติการพันธุ์ชีววิศวกรรม และภาควิชาชีวเคมี ที่กรุณาให้ความช่วยเหลือค้านสถานที่ อุปกรณ์ เครื่องมือ และสารเคมี ตลอดระยะเวลาการทำงานวิจัย

ขอบคุณสมาชิกในหน่วยปฏิบัติการพันธุ์ชีววิศวกรรมทุกคน รวมทั้งนิสิตปริญญาโท ภาควิชาชีวเคมี เทคโนโลยีชีวภาพ และชีววิทยา ส่วนรับความช่วยเหลือต่างๆ และให้กำลังใจต่อผู้เชื่อม

ขอบคุณ คุณ จิราพร ใจภานุกุนทร์ นิสิตปริญญาโท ภาควิชาเทคโนโลยีชีวภาพ ที่ได้ช่วยอนเคราะห์เงินไว้ซึ่ง CGTase เพื่อใช้ในการทดลอง

ขอบคุณเจ้าหน้าที่ในภาควิชาชีวเคมีทุกคน ใจความช่วยเหลือเรื่องทั่วไประหว่างการทำงานวิจัย

ท้ายสุดนี้ ผู้เชื่อมขอขอบคุณบัณฑิตวิทยาลัย สำหรับความอนุเคราะห์ด้านทุนวิจัย

สารบัญ



หน้า

บทคัดย่อภาษาไทย.....	๔
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	๕
กิจกรรมประจำ.....	๖
สารบัญ.....	๗
สารบัญตาราง.....	๘
สารบัญรูป.....	๙
คำย่อ.....	๑๐
บทที่	
1. บทนำ.....	๑
2. เครื่องมือวัสดุ-เคมีภัณฑ์และวิธีการทดลอง	
2.1 เครื่องมือ.....	๓๗
2.2 วัสดุภัณฑ์.....	๓๘
2.3 เคมีภัณฑ์.....	๓๙
2.4 พลasmid เอ็นเอและดีเอ็นเอมาตรฐานที่ใช้ในการทดลอง.....	๓๙
2.5 แบคทีเรียที่ใช้ในการทดลอง.....	๔๐
2.6 เครื่องแก้วและสารละลายน้ำ.....	๔๒
2.7 การสกัดเอ็นเอ	
2.7.1 การสกัดดีเอ็นเอของดีไซโรนิซึมจาก <i>Bacillus A₁₁</i>	๔๒
2.7.2 การสกัดพลasmid เอ็นเอโดยวิธีอัลคาไลน์ (Alkaline Extraction).....	๔๓
2.8 การย่อยดีเอ็นเอด้วยเอนไซม์ Restriction endonuclease.....	๔๕
2.9 อะการอยส์เจลอิเลคโพรีเซส.....	๔๖

สารบัญ (ต่อ)

บทที่		หน้า
	2.10 การทำ molecular cloning ของ CGTase gene ในพลาสมิค pBR322	
	2.10.1 การเตรียมดีเอ็นเอที่เหมาะสมสำหรับ cloning จากโคโรนโซม	
	จาก <i>Bacillus A₁</i>	47
	2.10.2 วิธีเตรียม alkaline phosphatase-treated	
	plasmid pBR322.....	48
	2.10.3 วิธีเชื่อมดีอีเอกซ์กับดีเอ็นเอ (ligation).....	48
	2.10.4 วิธีการทำกรานสฟอร์เมชัน (transformation).....	49
	2.10.5 การจำแนกและคัดเลือกกรานสฟอยด์เมนท์ที่ได้รับ CGTase gene	
	2.10.5.1 Replica plating.....	50
	2.10.5.2 Starch Hydrolytic Activity	
	(Amylolytic Activity).....	51
	2.10.5.3 Phenol red inclusion complex test (PICT)	51
	2.10.5.4 Cyclodextrin-trichloroethylene assay	
	(CD-TCE assay).....	52
	2.11 การโคลนยืดต่อเนื่อง (subcloning) ของ CGTase gene ใน	
	พลาสมิค pUC18.....	53
	2.12 การโคลนยืดต่อเนื่อง (subcloning) ของ CGTase gene ใน	
	พลาสมิค pSE411.....	55
	2.13 ศึกษาบริเวณต่างๆ ที่เขนใช้ CGTase กระจายอยู่ในเซลล์ของ <i>E. coli</i>	55
	2.14 การวิเคราะห์ผลิตภัณฑ์ไซโคลเดกซ์ทริมัท High Performance Liquid	
	Chromatography (HPLC).....	56

สารบัญ (ต่อ)

บทที่		หน้า
2.14.1 การเตรียมสารละลายน้ำตรฐาน.....	56	
2.14.2 การเตรียมสารละลายน้ำอ่อน		
2.14.2.1 เตรียมจากตะกอนที่ได้จากการ CD-TCE assay.....	58	
2.14.2.2 เตรียมจาก reaction mixture.....	58	
2.14.3 สภาวะในการวิเคราะห์ด้วยเครื่อง HPLC.....	58	
2.15 การศึกษาถึงความแตกต่างในการสร้างโปรตีนจากเชลล์เจ้าเรือน (<i>E.coli</i> strain HB101), ทรายสฟอร์แมนที่ได้รับพลาสมิด pSE411 และ pSV5 คายเอสตีเอส-โพลีอะไซรอลามิกเจลชนิดแผ่น		
2.15.1 การเตรียมเอกสาร-โพลีอะไซรอลามิกเจล 10 เปอร์เซ็นต์....	59	
2.15.2 การเตรียมสารละลายน้ำอ่อนและเอนไซม์ CGTase ที่ต้องการ วิเคราะห์.....	60	
2.15.3 การทำอิเลคโทรโฟรีซิส.....	60	
3. ผลการทดลอง		
3.1 การสร้างและการคัดเลือกชีโภณบันแน่พลาสมิด pSV1		
3.1.1 การเตรียมดีเอ็นเอที่เหมาะสมสำหรับ cloning จากโครโนโซม		
จาก <i>Bacillus A₁</i>	62	
3.1.2 การโคลน CGTase gene.....	63	
3.1.3 การคัดเลือกทรายสฟอร์แมนที่ได้รับ CGTase gene		
3.1.3.1 ผลการวัด Amylololytic Activity.....	65	
3.1.3.2 ผลการทำ Phenol red inclusion complex test, (PICT).....	66	

สารบัญ (ต่อ)

บทที่	หน้า
3.1.3.3 ผลของ Cyclodextrin-trichloroethylene assay (CD-TCE assay).....	67
3.1.4 การวิเคราะห์ CDs ที่เกิดจากทรานส์ฟอร์มэнท์ SV1 โดยวิธี HPLC.....	71
3.2 การสร้างและการคัดเลือกรีคอมบิแนนท์พลาสมิค pSV2, pSV3 และ pSV4	
3.2.1 การเตรียมชิ้นคิเอ็นเอกีเพื่อเหมาะสมจากรีคอมบิแนนท์พลาสมิค pSV1..	74
3.2.2 การโคลนยืดต่อเนื่อง (subcloning) ของ CGTase gene.....	76
3.2.3 การคัดเลือกทรานส์ฟอร์มэнท์ที่ได้รับ CGTase gene	
3.2.3.1 ผลการวัด Amylolytic Activity.....	78
3.2.3.2 ผลการท่า Phenol red inclusion complex test (PICT).....	78
3.2.3.3 ผลการศึกษาถึงอิทธิพลของ IPTG ที่มีต่อการแสดง CGTase activity ของทรานส์ฟอร์มэнท์ SV2 และ SV3 โดยการท่า PICT.....	80
3.2.3.4 ผลของ Cyclodextrin-trichloroethylene assay (CD-TCE assay).....	82
3.2.4 ผลการศึกษาขนาดของรีคอมบิแนนท์พลาสมิค pSV2 และ pSV3....	82
3.2.5 ผลการย่อรีคอมบิแนนท์พลาสมิค pSV3 ด้วยเอนไซม์ Restriction endonuclease.....	84
3.3 การสร้างและการคัดเลือกรีคอมบิแนนท์พลาสมิค pSV5	
3.3.1 การโคลนยืดต่อเนื่องของ CGTase gene จากรีคอมบิแนนท์พลาสมิค pSV3.....	86

สารบัญ (ต่อ)

บทที่	หน้า
3.3.2 ผลการวัด Amylolytic Activity.....	89
3.3.3 ผลการทำ Phenol red inclusion complex test (PICT)	89
3.3.4 ผลของ Cyclodextrin-trichloroethylene assay (CD-TCE assay).....	89
3.3.5 การวิเคราะห์ CDs ที่เกิดจากกรานสฟอร์แมนก์ SV5 โดยวิธี HPLC.....	92
3.3.6 ผลของการศึกษาถึงความแตกต่างในการสร้างโปรตีนจากเซลล์ เจ้าเรือ (<i>E.coli</i> strain HB101), กรานสฟอร์แมนก์ที่ได้รับ [†] พลาสมิค pSE411 และ pSV5 ด้วยເອສີເອສ-ໂພລືອະໄຄຣລາໄນມ เจลชันด์แພ่น.....	96
3.3.7 ศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบิเนนท์พลาสมิค pSV5.....	96
4. สรุปและวิจารณผลการทดลอง.....	108
เอกสารอ้างอิง.....	121
ภาคผนวก.....	131
งานเพิ่มเติมหลังวิทยานิพนธ์.....	141
ประวัติผู้เขียน.....	143

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
1. สมบัติของไซโคลเดกซ์ทรีน.....	4
2. การนำผลิตภัณฑ์ไซโคลเดกซ์ทรีนไปใช้ในอุตสาหกรรมประтекต่างๆ ในประเทศไทย ผู้ปั้นตั้งแต่ปี ค.ศ. 1984-1987.....	7
3. Method and patent for cyclodextrin production.....	8
4. แสดงปริมาณการใช้ CDs ในตลาดโลก.....	14
5. สรุปกลไกการทำงานของเอนไซม์ CGTase.....	16
6. สรุปความสัมพันธ์ระหว่างความพยายามของสับสเตรตกับการเร่งปฏิกริยาที่เกิดขึ้น ของเอนไซม์ CGTase.....	18
7. แสดงคุณสมบัติของเอนไซม์ CGTase ที่สร้างจากแบคทีเรียสายพันธุ์ต่างๆ.....	22
8. Molecular cloning of CGTase gene.....	24
9. เปรียบเทียบปริมาณของเอนไซม์ CGTase ที่ผลิตได้จาก wild-type ดู <i>Klebsiella oxytoca</i> M5a1 (α -CGTase) และ Alkalophilic <i>Bacillus</i> 1-1 (β -CGTase) ตามลำดับ กับรีโคนบิแวนท์ไซคลนที่ใช้ <i>E. coli</i> และ <i>B. subtilis</i> เป็นเชลล์เจ้าเรือน.....	33
10. แสดงปริมาณของเอนไซม์ β -CGTase ของ β -CGTase จาก Alkalophilic <i>Bacillus</i> No. 38-2 ในบริเวณต่างๆ ของเชลล์เจ้าเรือน (host cell) ชนิดต่างๆ.....	35
11. แบคทีเรียที่ใช้ในการทดลอง.....	41



สารบัญรูป

รูปที่

หน้า

1. โครงสร้างไซโคโลเดกซ์ทรินชนิด α-, β- และ γ- ตามลำดับ.....	2
2. กลไกการเกิดปฏิกิริยา cyclization ของเอนไซม์ α-CGTase จาก <i>Klebsiella oxytoca</i> M5a1.....	20
3. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pCM100.....	25
4. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pDS10.....	26
5. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pCM1110.....	27
6. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pCS8.....	28
7. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pTUE202, pTUE217, pTUB703 และ pTUB766 ตามลำดับ.....	29
8. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pUCP1.....	30
9. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pBC22.....	31
10. Restriction map ของรีคอมบิแนทพลาสมิດ pMT2.....	32
11. แผนภูมิแสดงการเตรียมสารละลายน้ำเอนไซม์จากส่วนต่างๆ ของเชลล์.....	57
12. ผลของการย่อยคีอีนของโคโรโนโซมจาก <i>Bacillus A₁</i> , แบบ partial digestion ด้วย Sau3AI และการย่อยพลาสมิດ pBR322 ด้วย BamHI.....	64
13A. ผลการทดสอบคุณภาพสารละลายน้ำเอนไซม์บนจานอาหารเรืองแสง LB-starch agar ของเชลล์เจ้าเรื่อง.....	68
13B. ผลการทดสอบคุณภาพสารละลายน้ำเอนไซม์บนจานอาหารเรืองแสง LB-starch agar ของทรายส์ฟอร์แมนท์ของเชลล์เจ้าเรื่องที่ได้รับ inserted DNA fragment จาก <i>Bacillus A₁</i> , ไม่ pBR322.....	69
14. ผลการทดสอบ Phenol red inclusion complex test ของทรายส์ฟอร์แมนท์ SV1.....	70

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่

หน้า

15.	ลักษณะของโคมไฟแกมของผลิตภัณฑ์ CDs ที่เกิดจากกราฟฟอร์แมนท์ SV1 จากการวิเคราะห์ด้วยเครื่อง HPLC.....	72
16.	ผลการศึกษาขนาดและการย่ออย่างรีคอมบินเนทพลาสติก pSV1 แบบ partial digestion ด้วย Sau3AI.....	75
17.	ผลการย่ออยพลาสติก pUC18 ด้วย BamHI.....	77
18.	ผลการทดสอบด้วยสารละลายไอโอดีนบนจานอาหารเลี้ยงเชื้อ LB-starch agar ของกราฟฟอร์แมนท์ SV2, SV3 และ SV4.....	79
19.	ผลการทดสอบ Phenol red inclusion complex test ของ กราฟฟอร์แมนท์ SV1, SV2 และ SV3.....	81
20.	ผลของอิกซิเพลของ IPTG ต่อการแสดงออกตัวของเอนไซม์ CGTase ของ กราฟฟอร์แมนท์ SV2 และ SV3.....	83
21.	ผลการศึกษาขนาดและการย่ออยพลาสติก pSV2 และ pSV3	85
22.	ผลการทดสอบด้วยสารละลายไอโอดีนบนจานอาหารเลี้ยงเชื้อ LB-starch agar ของกราฟฟอร์แมนท์ SV2 และ SV3.....	88
23.	ผลการทดสอบด้วยสารละลายไอโอดีนบนจานอาหารเลี้ยงเชื้อ LB-starch agar ของกราฟฟอร์แมนท์ SV5.....	90
24.	ผลการทดสอบ Phenol red inclusion complex test ของ กราฟฟอร์แมนท์ SV5.....	91
25.	ลักษณะของโคมไฟแกมของผลิตภัณฑ์ CDs ที่เกิดจากกราฟฟอร์แมนท์ SV5 จากการวิเคราะห์ด้วยเครื่อง HPLC.....	93

สารบัญ (ต่อ)

รูปที่

หน้า

26.	รูปแบบของโปรตีนของเอนไซม์ CGTase กับแยกผ่านคอลัมน์ดีอี-เชลลูลูลส์, โปรตีนที่สร้างจากเชลล์เจ้าเรื่อง และ ทรายสฟอร์แมนท์ แยกโดย เอสตี-เอส-โพลีอะไครโลาไมด์เจลอะเลคโตรโฟรีซซ์ 97
27.	ผลของการศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค [*] pSV5 บนօกากໂຣສເຈລ 1.2 ເປືອ່ເຊັນຕີ 101
28.	ผลของการศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค [*] pSV5 บนօກາໂຣສເຈລ 1.0 ເປືອ່ເຊັນຕີ 102
29.	ผลของการศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค [*] pSV5 บนօກາໂຣສເຈລ 1.2 ເປືອ່ເຊັນຕີ 103
30.	ผลของการศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค [*] pSV5 บนօກາໂຣສເຈລ 1.5 ເປືອ່ເຊັນຕີ 104
31.	ผลของการศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค [*] pSV5 บนօກາໂຣສເຈລ 1.2 ເປືອ່ເຊັນຕີ 105
32.	ผลของการศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค [*] pSV5 บนօກາໂຣສເຈລ 1.2 ເປືອ່ເຊັນຕີ 106
33.	Restriction map ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค pSV5 107
34.	ผลของการศึกษาขนาดและ restriction site ของรีคอมบ์แนทพลาสมิค [*] pSV5 บนօກາໂຣສເຈລ 1.0 ເປືອ່ເຊັນຕີ 142

ការងារ

Ap^r	= Apicillin resistance
BSA	= Bovine serum albumin
CaCl_2	= Calcium chloride
CD	= Cyclodextrin
CD-TCE assay	= Cyclodextrin-trichloroethylene assay
CGTase gene	= Cyclodextrin Glucanotransferase gene
CHCl_3	= Chloroform
CIP	= Calf intestine phosphatase
EDTA	= Ethylene diamine tetraacetic acid
HPLC	= High Performance Liquid Chromatography
IPTG	= Isopropylthio- β -galactoside
kb	= kilobase pair (10^3 base pair)
LB	= Luria-Bertani medium
ml	= millilitre (10^{-3} litre)
NaCl	= Sodium chloride
PICT	= Phenol red inclusion complex test
RNase	= Ribonuclease
SDS	= Sodium dodesil sulfate
Tet^r	= Tetracyclin resistance
Tet^s	= Tetracyclin sensitive
Tris	= Tris (hydroxy methyl) aminomethane
X-gal	= 5-bromo-4-chloro-3-indolyl- β -D-Galactoside