



วิจารณ์ผลการทดลอง และสรุปผลการวิจัย

1. การรอดชีวิตของ Phage P1 ในบัฟเฟอร์ที่ 4 °ซ

โดยปกติ Bacteriophage จะสูญเสียการตื่นตัว (biological activity) ได้ง่าย เมื่อเก็บไว้เป็นเวลานาน ปัจจัยภายนอกต่าง ๆ เช่น pH , ความเข้มข้นของบัฟเฟอร์ , ชนิดของบัฟเฟอร์ และอุณหภูมิที่ใช้เก็บ จะมีบทบาทต่อการอยู่รอดของมัน (Billing, E. 1969) จากผลการทดลองหาเปอร์เซ็นต์การรอดชีวิตของ Phage P1 เมื่อเก็บไว้ในโปตัสเซียมฟอสเฟตบัฟเฟอร์ 50 มิลลิโมลาร์ pH 7.0 ที่ 4 °ซ พบว่า ไตเตอร์ของ Phage P1 ค่อย ๆ ลดลงตามเวลาที่เก็บ อย่างไรก็ตาม ในเวลา 1 สัปดาห์ ไตเตอร์นี้จะลดลงเพียง 24 เปอร์เซ็นต์ จึงนับว่า วิธีเตรียม และ เก็บ Phage P1 ที่ใช้นี้ดีพอสมควร และเพียงพอที่จะใช้ในการเก็บ Phage P1 สำหรับการทดลองตลอดทุกขั้นตอนได้

2. ประสิทธิภาพในการเหนี่ยวนำยีนของ Phage P1

จากผลการทดลองพบว่า เปอร์เซ็นต์การเหนี่ยวนำยีนของ Phage P1 เมื่อใช้ Klebsiella pneumoniae เป็นเซลล์เจ้าเรือน จะมีค่าแปรปรวนระหว่าง $16-6.8 \times 10^{-5}$ ขึ้นกับขนาดของ m.o.i. ที่ใช้ เมื่อเทียบค่าที่ได้นี้ กับค่าเปอร์เซ็นต์การเหนี่ยวนำยีนที่พบเมื่อใช้ Escherichia coli เป็นเซลล์เจ้าเรือน คือ $100-1 \times 10^{-5}$ (Lennox, E.S. 1955) จะเห็นได้ว่า Phage P1 จะเหนี่ยวนำยีนเข้า Klebsiella pneumoniae ได้ต่ำกว่าของ Escherichia coli เล็กน้อย อย่างไรก็ตาม ค่าที่ได้นี้ ก็สอดคล้องกับค่าที่รายงานไว้จาก Goldberg, R.B.; Bender, R.A.; and Streicher, S.L. (1974) , Streicher, S.; Gurney, E.; and Valentine, R.C. (1971) .

การเหนี่ยวนำยีนของ Phage P1 เป็นแบบ generalized transduction (Stent, G.S., and Calender, R. 1978) กล่าวคือ โอกาสที่จะเหนี่ยวนำยีนทุกส่วนของโครโมโซมของเซลล์เจ้าเรือนมีเท่าเทียมกัน และมีความสามารถที่จะนำยีนได้เท่ากับขนาดโครโมโซมที่ส่วนหัวของมัน คือ ประมาณ 66×10^6 ดัลตัน (Yarmolinsky, M.B. 1977) เนื่องจาก โครโมโซมของแบคทีเรียมีขนาดประมาณ 2.5×10^9 ดัลตัน (Mandelstam, J., and Mc.Quillen, K. 1976) ดังนั้น การที่เปอร์เซ็นต์เหนี่ยวนำยีนเท่ากับ $16-6.8 \times 10^{-5}$ โอกาสที่จะได้ทรานสดักแทนท์จึงเท่ากับ $16-6.8 \times 10^{-7}$ ด้วยเหตุนี้ในขั้นตอนการทดลองกลายพันธุ์ และ เหนี่ยวนำยีน จึงจำเป็นต้องเตรียม Phage P1 ให้มีจำนวนมากพอที่จะทำทรานสดักชันที่ m.o.i. มีค่ามากกว่า 1.0 เพื่อจำนวนทรานสดักแทนท์ขั้นสุดท้ายจะได้มีมากพอ และโอกาสได้มีวแทนท์ที่ต้องการสูงพอสมควรด้วย

3. การเหนี่ยวนำยีนโดย Phage P1 ที่กลายพันธุ์

จากผลการทดลอง จะเห็นได้ว่า ระหว่างขั้นตอนของการกลายพันธุ์ มีการสูญเสียไตเตอร์ของ Phage P1 มาเป็นลำดับ จนถึงขั้นตอนสุดท้ายก่อนนำมาเหนี่ยวนำยีนเหลือ Phage P1 อยู่เพียง 0.6 เปอร์เซ็นต์ ของ Phage P1 เริ่มต้น ดังนั้น เพื่อให้ได้จำนวน Phage P1 มากถึง 1×10^{10} ก่อนการทรานสดักชัน (เพื่อมี m.o.i. มากกว่า 1) จำเป็นอย่างยิ่งที่ต้องเตรียม Phage P1 เริ่มต้นการทดลองให้มีไตเตอร์สูงมาก คือ อย่างน้อย ต้องไม่ต่ำกว่า 1×10^{12} การใช้ไตเตอร์ที่ต่ำกว่านี้ จะมีผลให้โอกาสที่จะคัดเลือกได้มีวแทนท์ที่ต้องการ ประสบความสำเร็จ

วิธีการเพิ่มไตเตอร์ของ Phage P1 มีสองแบบ คือ การใช้อาหารแข็ง และอาหารเหลว (Swanstrom, M., and Adams, M.H. 1951, Wolf, B.; Newman, A.; and Glaser, D.A. 1968) ทั้งสองวิธี จะให้ไตเตอร์สูงสุดประมาณ $1 - 5 \times 10^{11}$ ต่อ มิลลิลิตร ดังนั้น จึงจำเป็นต้องเตรียมเพิ่มจำนวน Phage P1 ให้มีปริมาณมาก ๆ แล้วจึงตกตะกอนโดยใช้ PEG กับ โซเดียมคลอไรด์ จากนั้นจึงกระจายตัวในบัฟเฟอร์ที่มีปริมาณลดลง 10 ถึง 100 เท่า จึงจะได้ Phage P1 ที่มี ไตเตอร์สูงถึง 10^{12} ตามต้องการ

จากการทดลองนี้พบว่า Polyethylene Glycol 4000 มีความสามารถในการตกตะกอน Phage P1 ได้ 40 - 60 เปอร์เซ็นต์

ข้อมูลที่ได้เกี่ยวกับรูปแบบการเปลี่ยนแปลงปริมาณ Phage P1 ในช่วงการกลายพันธุ์ เป็นจุดสำคัญยิ่งของการคัดเลือกมิวแทนท์โดยวิธีการนี้ ความระมัดระวังในทุกขั้นตอนของการทดลอง และ ความถูกต้องแม่นยำในการประเมินค่าทรานสัคแตนท์ที่จะได้ เป็นส่วนสำคัญที่สุดในความสำเร็จของการแยกมิวแทนท์ในขั้นปลาย

4. ลักษณะทั่ว ๆ ไป ของมิวแทนท์ที่แยกได้

การเลือกใช้ Hydroxylamine เป็นมิวตาเจน สำหรับขบวนการกลายพันธุ์นี้ สืบเนื่องจากกลไกการกลายพันธุ์ของ Hydroxylamine มีฤทธิ์อ่อน คือ ทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงที่เบสตัวเดียวในนิวคลีโอไทด์ โดยเฉพาะไซโตซีน และ คุณสมบัติการให้ lethal effect น้อยกว่า (Freese, E.; Bautz, E.; and Freese, E. B. 1961) และ โอกาสที่จะได้มิวแทนท์ที่เกิดจาก point mutation มีมาก ซึ่งตรงข้ามกับการใช้มิวตาเจนอื่น เช่น N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine ซึ่งมีผลให้เกิด double mutation หรือ deletion มากกว่า (Adelberg, E. A.; Mandel, M.; and Chen, G. C. C, 1965)

จากผลการคัดเลือกมิวแทนท์จากอาหารแข็งที่มีสารต้นตอไนโตรเจนจำกัด พบลักษณะโคโลนิซึ่งปรากฏต่างจาก wild type อย่างเป็นได้ชัดสองแบบ คือ แบบที่หนึ่ง ให้โคโลนิสี แบนราบ และมีขนาดเล็ก ซึ่งลักษณะดังกล่าวเหมือนกับลักษณะของ nif มิวแทนท์ ซึ่ง Streicher, S.; Gurney, E.; and Valentine, R. C. (1971) พบจากการกลายพันธุ์ Klebsiella pneumoniae M5a1 ด้วย N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine (NTG) ส่วนแบบที่สอง ให้โคโลนิขุ่น หนูน และมีสีน้ำตาลเหมือนกับ wild type ต่างกันเฉพาะขนาดที่เล็กกว่าเท่านั้น การปรากฏสีของโคโลนิเป็นสีน้ำตาล ชี้บ่งว่ามิวแทนท์พวกนี้มีความสามารถในการตรึงไนโตรเจนได้ เพราะเอนไซม์ไนโตรซิเนส ประกอบด้วย Iron sulfur โปรตีน เป็นส่วนสำคัญ และการสะสมของเอนไซม์นี้จำนวน

มาก ทำให้สีน้ำตาลของโปรตีนดังกล่าวเด่นชัดขึ้น (Streicher, S., and Valentine, R.C. 1976)

5. คุณสมบัติของ nif มิวแตน

5.1 การเจริญเติบโตบนอาหารเลี้ยงเชื้อแข็ง

การที่พบว่า nif มิวแตน ไม่สามารถเจริญบนอาหารที่ปราศจากสารต้นตอไนโตรเจน ชี้บ่งว่า การกลายพันธุ์ทำให้ Klebsiella pneumoniae M5a1 สูญเสียความสามารถในการสังเคราะห์เอนไซม์ไนโตรจีเนส เมื่อเติมต้นตอไนโตรเจนปริมาณจำกัดลงในอาหารแล้ว พบโคโลนีแบนราบ ขนาดเล็ก แสดงว่า เซลล์เจริญได้บ้างจากปริมาณไนโตรเจนที่เติมลงไป ซึ่งลักษณะแตกต่างจาก wild type ที่สามารถตรึงไนโตรเจนได้อย่างชัดเจน

ผลการทดสอบการให้สีบน 6-Cyanopurine เพลท พบว่า nif มิวแตน จะให้สีต่างกันเป็นสามกลุ่ม คือ สีม่วงเข้ม สีม่วงอ่อน และ สีขาว ผลการทดลองนี้เทียบได้กับการทดลองของ MacNeil, D., and Brill, W.J. (1973) ซึ่งเขาได้ใช้ 6-Cyanopurine เป็นตัวแรงจูงใจไนโตรเจนของ nif มิวแตน โดยพบว่า มิวแตนที่ให้สีขาวบน 6-Cyanopurine เพลท เป็นมิวแตนที่มีความผิดปกติที่ยีนควบคุม (Regulatory gene) เพราะมิวแตนพวกนี้ นอกจากไม่พบแอกติวิตีของการรีดิวส์อะเซทิลีนแล้ว ยังไม่พบ nif โปรตีนถูกถอดรหัสอีกด้วย (Roberts, G.P., et al. 1978) สำหรับมิวแตนที่ให้สีม่วง พบว่ามีความผิดปกติที่ยีนโครงสร้าง (structural gene) มิวแตนพวกนี้ ถ้าเสริมด้วย component บางอย่าง จะหวนคืนแอกติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีน in vitro ได้ โดยใช้ความรู้ดังกล่าวในการเปรียบเทียบจะพบว่า ในจำนวน nif มิวแตน 50 ตัว ที่นำมาทดสอบ 11 ตัวซึ่งให้สีขาวบน 6-Cyanopurine เพลท ควรมีความผิดปกติที่ยีนควบคุม และอีก 39 ตัว ที่ให้สีม่วงบน 6-Cyanopurine เพลท ควรมีความผิดปกติที่ยีนโครงสร้าง

5.2 การเจริญเติบโตในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว

จากการหาแอกติวิตีของเอนไซม์ไนโตรจีเนส โดยวัดความสามารถในการรีดิวส์อะเซทิลีน ของ nif มีวแทนท์ที่ได้จากการเจริญเติบโต เมื่อเติมกลูตามีน 50 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตรลงไ้ด้วยนั้น พบว่า แม้ความขุ่นของเซลล์จะสูง 0.1 - 0.2 หน่วย O.D.₄₂₀ แต่ก็ไม่ปรากฏแอกติวิตีของการรีดิวส์อะเซทิลีน ในขณะที่ wild type ภายใต้สภาวะเดียวกัน พบแอกติวิตีสูงถึง 6.0 ไมโครโมลต่อมิลลิกรัมโปรตีนต่อชั่วโมง แสดงว่า ความสามารถในการเจริญเติบโตของ nif มีวแทนท์ภายใต้สภาวะที่ปราศจากก๊าซออกซิเจนยังคงอยู่ และข้อชี้แนะที่ตามมาก็คือ ขบวนการให้พลังงานและอำนาจรีดิวส์ ของมีวแทนท์มีได้สูญเสียไปแต่อย่างใด เหตุผลที่สนับสนุนคำอธิบายนี้ อีกอย่างหนึ่ง ก็คือ ความล้มเหลวในการเจริญเติบโตของ nif มีวแทนท์ ถ้าปราศจากสารต้นตอไนโตรเจน เพราะในสภาวะเช่นนี้ เซลล์จะต้องสร้างอนุมูลแอมโมเนียมขึ้นใช้เอง

5.3 การหาเปอร์เซ็นต์โคทรานสดักชัน กับ his D

การที่พบว่า nif มีวแทนท์ ให้ค่าเปอร์เซ็นต์โคทรานสดักชันแตกต่างกัน ตั้งแต่ 45 - 85 เปอร์เซ็นต์ ให้ความหมายได้เป็นสองนัย คือ หนึ่ง ยืนยันการตรึงไนโตรเจนควรอยู่ร่วมกันเป็นโอเปอรอนใหญ่ใกล้เคียงการสังเคราะห์ฮีสติดีน สอง ตำแหน่งความผิดปกติของยีนของ nif มีวแทนท์บนโอเปอรอนไนโตรจีเนสต่างกัน เนื่องจากเซลล์ตัวรับเป็นตัวเดียวกัน คือ his D ดังนั้น nif มีวแทนท์ที่ให้ค่าเปอร์เซ็นต์โคทรานสดักชันสูง ๆ ควรหมายความว่า มียีนที่ผิดปกตินั้นอยู่ใกล้ his มากกว่าตัวที่มีเปอร์เซ็นต์โคทรานสดักชันต่ำ ข้อที่น่าสังเกต คือ เมื่อเปรียบเทียบค่าเปอร์เซ็นต์โคทรานสดักชันกับการให้สับน 6-Cyanopurine เพลท จะพบว่า nif มีวแทนท์ที่ให้สับน 6-Cyanopurine เพลทซึ่งมีความผิดปกติที่ยีนควบคุม จะอยู่ใกล้ his มากที่สุด ส่วน nif มีวแทนท์ที่ให้สับน 6-Cyanopurine เพลท จะมีตำแหน่งไกลออกไป ข้อมูลนี้เป็นเช่นเดียวกับข้อมูลที่ได้จากการหาตำแหน่งแผนผังกรรมพันธุ์ของโอเปอรอนของเอนไซม์ไนโตรจีเนส โดยการใช้วิธีการทางพันธุศาสตร์ของคนอื่น ๆ (MacNeil, T., et al. 1978)

5.4 การคอนจูเกท ระหว่าง *nif* มีวแทนท์ กับ *Escherichia coli* K12 JC5466 (RP41)

Escherichia coli K12 JC5466 มี RP41 เป็น P พลาสมิด ซึ่งนำยีนต้านยาสามชนิด คือ คานามัยซิน แอมพิซิลลิน และ เตตราซัยคลิน พร้อมยีน *nif*⁺ และ *his*⁻ (Dixon, R.; Cannon, F.; and Kondorosi, A. 1976) RP41 นี้ เป็น พลาสมิดที่มีขอบเขตของเซลล์เจ้าเรือนกว้าง (Datta, N., and Hedges, R.W. 1972^a) ซึ่งควรที่จะเคลื่อนย้ายข้ามสายพันธุ์แบคทีเรียได้ พบว่า RP41 เคลื่อนเข้าสู่ *nif* มีวแทนท์ ได้ด้วยความถี่ $1 - 5 \times 10^{-4}$ ต่อแบคทีเรียตัวรับ 1 ตัว คุณสมบัติซึ่งบ่งชี้ว่า พลาสมิดดังกล่าวเคลื่อนเข้าสู่ *nif* มีวแทนท์จริง คือ การพบความสามารถต้านยาปฏิชีวนะทั้งสามชนิดเกิดขึ้นทันทีในรีคอมบิแนนท์ที่แยกได้ นอกจากนี้ ยังเชื่อว่า ยีนไนโตรจีเนสส์ถูกนำตามเข้าไปด้วย เนื่องจากรีคอมบิแนนท์ทุกตัวสามารถเจริญได้ในอาหารที่ปราศจากต้นตอไนโตรเจนแล้ว ให้ลักษณะโคโลนีเหมือน wild type ทุกประการ

ผลการทดลองนี้ ยังแสดงว่า การคอนจูเกทข้ามสายพันธุ์ระหว่าง *Klebsiella pneumoniae* และ *Escherichia coli* เกิดขึ้นได้ และ *nif*⁺ จาก P พลาสมิด ที่เคลื่อนย้ายตามเข้าไป สามารถถอดถ่ายรหัสเป็นเอนไซม์ไนโตรจีเนสทดแทนส่วนที่ถูกทำลายพันธุ์ไปได้ด้วย

5.5 การเจริญเติบโตของรีคอมบิแนนท์ และ wild type ในภาวะตรึงไนโตรเจน

ในการคอนจูเกทพลาสมิดต้านยาที่มี *nif*⁺ เข้าสู่ *nif* มีวแทนท์นั้น ถ้าเซลล์เจ้าเรือนเดิมสามารถเคลื่อนพลาสมิด 1 หน่วย เข้าสู่ *nif* มีวแทนท์ 1 เซลล์แล้ว ย่อมแสดงว่า รีคอมบิแนนท์ที่ได้ ควรจะมียีนการตรึงไนโตรเจนอยู่เป็นสองเท่าของเดิม แต่จากผลการติดตามลักษณะการเจริญเติบโตของ wild type และ รีคอมบิแนนท์ภายใต้ภาวะการตรึงไนโตรเจน พบว่า การเจริญของรีคอมบิแนนท์กลับช้ากว่า wild type เสมอ ในทุกระดับความเข้มข้นของกลูตามีน ย่อมแสดงว่า แม้จะได้รับยีนการตรึง

ไนโตรเจนเพิ่มขึ้น แต่ยังคงมีความไม่สมบูรณ์บางประการในกลไกการถอดรหัสการตรึงไนโตรเจน อยู่

ถ้าพิจารณาถึงรูปแบบการตรึงไนโตรเจน จากแอกติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีน เห็นได้ว่า ทั้ง wild type และ รีคอมบิแนนท์ มีรูปแบบเหมือนกัน กล่าวคือ มีแอกติวิตีสูงสุดที่ประมาณกึ่งกลางระยะเจริญพันธุ์ และแอกติวิตีที่จะลดลงอย่างรวดเร็ว เมื่อเซลล์เข้าสู่ stationary phase ข้อมูลนี้ชี้แนะว่า พลาสมิดและโครโมโซม น่าจะมีขบวนการถอดรหัสเป็นเอนไซม์ไนโตรจีเนสเป็นแบบเดียวกัน

5.6 การตรึงไนโตรเจนของรีคอมบิแนนท์ภายใต้บรรยากาศอาร์กอน

ทราบกันแล้วว่า เอนไซม์ไนโตรจีเนสจะถูกถอดรหัสได้ ถ้ามีปริมาณสารต้นตอไนโตรเจนต่ำลง (Parejko, R.A.; and Wilson, P.W. 1970) ดังนั้น การวัดแอกติวิตีของการรีดิวส์อะเซทิลีนของเซลล์ที่เจริญภายใต้บรรยากาศอาร์กอน แทนบรรยากาศไนโตรเจน จึงเน้นการทดสอบปริมาณของเอนไซม์ไนโตรจีเนสที่ได้จากการถอดและแปลรหัส โดยอาศัยปริมาณจำกัดของกลูตามีนเท่านั้น ผลการทดลองพบว่า การเจริญตั้งแต่ต้นจนถึงจุด ที่ให้แอกติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีนสูงสุดของทั้ง wild type และรีคอมบิแนนท์ จะไม่มีความแตกต่างกันอย่างเห็นได้ชัด สิ่งที่พบแตกต่างกัน คือ ค่าแอกติวิตีสูงสุดของ wild type เดิม จะสูงกว่าของรีคอมบิแนนท์ที่ได้ อย่างมีนัยสำคัญ สิ่งเหล่านี้ชี้แนะว่า อาจมีความแตกต่างของกลไกการถอดรหัส หรือ ความตื่นตัวของโปรตีนที่ถูกถอดรหัสระหว่าง wild type และ รีคอมบิแนนท์

เมื่อเปรียบเทียบแอกติวิตีจำเพาะของการรีดิวส์อะเซทิลีนของรีคอมบิแนนท์กับเปอร์เซ็นต์โคทรานสคริปชัน และ การให้สับน 6-Cyanopurine เพลท ของ nif มิวแตนท์เดิม พบข้อที่น่าสนใจ คือ รีคอมบิแนนท์ที่มาจาก nif มิวแตนท์ที่ให้สีขาว ซึ่งผิดปกติที่ยีนควบคุม จะมีแอกติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีนสูงกว่ากลุ่มที่มาจาก nif มิวแตนท์ที่ให้สีม่วง และ ผิดปกติที่ยีนโครงสร้าง ข้อมูลนี้ชี้แนะว่า โอกาสที่ยีนของพลาสมิดและของโครโมโซมถูกถอดถ่ายรหัสออกมา น่าจะเท่าเทียมกัน แต่ความแตกต่างเกิดที่

เอนไซม์ในโตรจีเนสที่ถูกถอดรหัสออกมามีความตื่นตัวต่างกัน กล่าวคือ โปรตีนที่ถอดรหัสจากมิวแทนท์ที่มีความผิดปกติที่ยีนควบคุม น่าจะตื่นตัวทั้งหมด จึงสามารถถอดแบบได้ยีนโครงสร้างที่มีความตื่นตัวต่อการตรึงไนโตรเจนทั้งหมด แต่ใน nif มิวแทนท์ที่ผิดปกติที่ยีนโครงสร้าง เมื่อถูกสังเคราะห์ จะถอดรหัสได้โปรตีนที่ตื่นตัว และ ไม่ตื่นตัวปนกัน แอคติวิตีของการรีดิวส์อะเซทิลีนที่ได้จึงต่ำลง

สรุปได้ว่า การใช้พลาสมิดต้านยาที่มียีนการตรึงไนโตรเจนอยู่ด้วย อาจใช้เป็นสื่อจำแนกความแตกต่างของจีโนไทป์ของ nif มิวแทนท์ได้

6. การทดสอบคุณสมบัติของ partial nif มิวแทนท์

6.1 คุณสมบัติเบื้องต้น

จากลักษณะการเจริญ และ สีของโคโลนีของ partial nif มิวแทนท์ ซึ่งไม่ต่างจาก wild type บนอาหารที่ไม่มีต้นตอไนโตรเจน แสดงว่า partial nif มิวแทนท์ มีการสังเคราะห์เอนไซม์ไนโตรจีเนสได้ แต่ที่พบขนาดโคโลนีเล็กกว่า อาจเนื่องมาจาก มีการตรึงไนโตรเจนต่ำลง หรือ การนำผลผลิตขั้นปลายของการตรึงไนโตรเจนไปใช้ได้ไม่เต็มที่

ผลการหาแอคติวิตีของการรีดิวส์อะเซทิลีนในอาหารที่มี และ ไม่มีกลูตามีน พบว่า P2 มีแอคติวิตีสูง ใกล้เคียงกับ wild type ขณะที่ P4 และ P7 มีแอคติวิตีต่ำกว่า บ่งชี้ว่า มิวแทนท์ทั้งสามตัวนี้ มีเอนไซม์ไนโตรจีเนสที่ตื่นตัว แต่มีประสิทธิภาพแตกต่างกัน

6.2 การตรึงไนโตรเจนเมื่อ มีสารต้นตอคาร์บอนต่างชนิดกัน

การที่รูปแบบในการใช้สารต้นตอคาร์บอนสามชนิด คือ กลูโคส แมนนิทอล และ กลูโคเนท ของ P2 ไม่ต่างจาก wild type และมีแอคติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีนเกิดได้มากตามปกติ แต่การเจริญของเซลล์และต่ำกว่า wild type ควรจะหมายความว่า

ว่า ความสามารถในการผลิต ATP และ อานาจาริตัวส์ เพื่อป้อนปฏิกิริยาการตรึงไนโตรเจนของมิวแทนต์ตัวนี้ ควรเหมือนกันกับ wild type ดังนั้น เมื่อมิวแทนต์ให้ค่าเจริญตัวสูงสุดต่ำกว่า wild type ขณะที่ค่าแอดคิวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีนเท่า ๆ กัน น่าจะหมายความว่า มิวแทนต์ได้ใช้ ATP และ อิเล็กตรอนที่ถูกส่งมา เพื่อผลิตอนุมูล - แอมโมเนียมไม่เต็มที่ หรือ หย่อนประสิทธิภาพ เมื่อเทียบกับ wild type อันที่จริงแล้ว ความหมายอีกอย่างหนึ่งก็คือ ทั้งมิวแทนต์และ wild type มีการตรึงไนโตรเจนเหมือนกัน แต่ต่างกันที่การนำเอาอนุมูลแอมโมเนียมไปใช้ กล่าวคือ มิวแทนต์ใช้อนุมูลแอมโมเนียมเพื่อการเจริญเติบโตต่ำกว่า wild type สำหรับในกรณีหลังนี้ เราทราบกันแล้วว่า เอนไซม์ที่เกี่ยวข้องมีอยู่สองตัว คือ Glutamine synthetase และ Glutamate synthase (Nagatani, H.; Shimizu, M.; and Valentine, R.C. 1971) และ เอนไซม์ทั้งสองตัวนี้ ถูกตรึงตำแหน่งยืนห่างไปจากโอเปอรอนของฮีสติดีน (Bachmann, B.J.; Low, K.B.; and Taylor, A.S. 1976) จึงไม่น่าจะเข้ามามีบทบาทในตัวมิวแทนต์ที่แยกได้นี้ สรุปก็คือ P2 และ wild type ควรมีความแตกต่างกันที่ความสามารถในการนำเอาอานาจาริตัวส์ และ ปริมาณ ATP ไปเปลี่ยนเป็นอนุมูลแอมโมเนียมนั่นเอง

จากการศึกษาที่ผ่านมา เกี่ยวกับตำแหน่งเกาะติด (binding site) ของสับสเตรทต่าง ๆ ของเอนไซม์ไนโตรจีเนส *in vitro* พบว่า อย่างน้อยที่สุด จะมีตำแหน่งเกาะติดของสับสเตรทของเอนไซม์ตัวนี้ 5 ตำแหน่ง (Zumft, W.G., and Mortenson, L.E. 1975) ในจำนวนนี้ ตำแหน่งเกาะติดของไนโตรเจน และ อะเซทิลีน เป็นคนละตำแหน่งกัน ดังนั้น ถ้าการกลายพันธุ์เกิดที่ตำแหน่งการรีดิวส์ไนโตรเจนตำแหน่งเดียว การรีดิวส์อะเซทิลีนก็จะคงเป็นปกติ แต่การเจริญของเซลล์จะต่ำลง เนื่องจากการรีดิวส์ไนโตรเจนเป็นอนุมูลแอมโมเนียมเกิดน้อยลง อย่างไรก็ตาม เนื่องจากการส่งผ่านอิเล็กตรอน และ การป้อนพลังงานจากกลูโคสเกิดขึ้นได้ปกติ แต่การรีดิวส์ไนโตรเจนลดลง จะเกิดการสะสมของอิเล็กตรอน มากขึ้นในเซลล์ ซึ่ง Dalton, H., and Mortenson, L.E. (1972) เชื่อว่า กรณีเช่นนี้ ปฏิกิริยา ATP-dependent Hydrogen Evolution น่าจะเกิดมากขึ้น

สำหรับ P4 และ P7 นั้น มีรูปแบบของการรีดิวส์อะเซทิลีนต่ำ การเจริญของเซลล์สูงตามปกติ แต่การใช้สารต้นตอคาร์บอนสามชนิดไม่ต่างกันเลย ซึ่งผลที่ได้นี้ต่างจาก wild type อย่างชัดเจน ข้อมูลนี้อาจแสดงว่า ยีนที่เกี่ยวข้องกับการนำ ATP และ อานาจการรีดิวส์มาใช้ มีความผิดปกติบางประการ ทำให้แอกติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีนต่ำลง ขณะที่การเจริญของเซลล์ปกติ ส่วนความขุ่นของเซลล์ซึ่งเท่า ๆ กัน อาจมาจากสาเหตุหลายประการ เช่น การสังเคราะห์เอนไซม์ในไตรเจเนสเกิดน้อยลง แต่ประสิทธิภาพของการตรึงไนโตรเจนอาจดีขึ้น หรือ การเจริญเติบโตสืบเนื่องจากการใช้กลูตามีนเป็นสารต้นตอไนโตรเจนเป็นส่วนมาก หรือ สาเหตุที่ยังอธิบายไม่ได้อื่น ๆ

แม้ผลที่ทดลองที่ได้ ไม่สามารถสรุปตำแหน่งการผิดปกติของยีนได้แน่ชัด แต่สิ่งที่น่าสนใจ คือ การพบโคไลนิที่เล็กลงของ partial nif มิวแทนท์ มีผลมาจากลักษณะสองประการ คือ การมีแอกติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีนต่ำ แต่เซลล์เจริญได้ดี และมี - แอกติวิตีการรีดิวส์อะเซทิลีนสูงขณะที่เซลล์เจริญได้น้อย

6.3 ประสิทธิภาพในการใช้กลูโคสของ partial nif มิวแทนท์ เทียบกับ wild type

การทดลองนี้ ไม่เติมต้นตอไนโตรเจนลงในอาหารที่ทดสอบ เพื่อแน่ใจว่า การเจริญของเซลล์วัดได้ทั้งหมด ต้องได้ข้อมูลแอมโมเนียมาจากการตรึงไนโตรเจนเท่านั้น

ผลการทดลองพบว่า ปริมาณกลูโคสที่ใช้ของ wild type และ partial nif มิวแทนท์ทั้งสาม ไม่มีความต่างกัน กล่าวคือ สามารถใช้กลูโคสได้เท่ากัน เมื่อเซลล์เจริญถึง stationary phase แต่อัตราการใช้กลูโคสของ wild type เร็วกว่า partial nif มิวแทนท์ ชี้บ่งว่า การเมตาบอลิซึมกลูโคส เพื่อป้อนพลังงานแก่ขบวนการตรึงไนโตรเจน ไม่แตกต่างกัน

การทดสอบใน P2 พบว่า มีความแตกต่างของความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณ กลูโคสที่ใช้ กับ ความขุ่นของเซลล์อย่างเห็นได้ชัด และมีนัยสำคัญทางสถิติ สนับสนุนสมมติฐาน ในข้อ 6.2 ที่ว่า น่าจะเกิดความผิดปกติที่ตำแหน่งการเปลี่ยนไนโตรเจนเป็นแอมโมเนียม หรือ การนำแอมโมเนียมไปใช้ และ ไม่น่าจะมีความผิดปกติของการนำ ATP หรือ อำนาจ การรีดิวซ์มาใช้ เพราะการรีดิวซ์อะเซทิลีนเป็นเอทิลีน ยังคงเกิดได้ตามปกติ ฉะนั้น ตำแหน่งเกาะติดของอะเซทิลีน , ATP และ อำนาจการรีดิวซ์ควรจะไม่เปลี่ยนแปลง

สำหรับ P4 และ P7 นั้น พบแอกติวิตีการรีดิวซ์อะเซทิลีนต่ำ ขณะที่เซลล์ สามารถเจริญได้ แม้ไม่มีต้นตอไนโตรเจน ย่อมแสดงว่า มีการตรึงไนโตรเจนเกิดขึ้นได้ตามปกติ ฉะนั้น น่าจะผิดปกติที่ยีนซึ่งเกี่ยวข้องกับตำแหน่งเกาะติด หรือ การรีดิวซ์ - อะเซทิลีน หรือ การเปลี่ยนแปลงที่ทำให้ประสิทธิภาพการตรึงไนโตรเจนเพิ่มขึ้น แม้จะมี ปริมาณเอนไซม์ลดลง

แม้การอธิบายผลที่ได้จากการทดสอบ partial nif มิวแทนท์ ยังหา ข้อสรุปไม่ได้ แต่จากการพบคุณสมบัติเหล่านี้ ช่วยให้เห็นว่า ระบบการควบคุมการทำงานของเอนไซม์ไนโตรจีเนส มีความสลับซับซ้อน และน่าศึกษาอย่างยิ่ง เชื่อว่า มิวแทนท์ ที่สร้างขึ้นเหล่านี้ น่าจะช่วยคลี่คลายความรู้เกี่ยวกับขบวนการตรึงไนโตรเจนได้บ้าง ถ้านำ ไปศึกษาสิกลงไปถึงระดับโมเลกุล ซึ่งจะเป็นประโยชน์อย่างยิ่งต่อการปรับปรุงประสิทธิภาพ การตรึงไนโตรเจนได้ในอนาคต

สรุปผลการวิจัย

คุณสมบัติของ nif มีวแทนท์ที่แยกได้

1. สูญเสียคุณสมบัติการตรึงไนโตรเจน ในขณะที่คุณสมบัติอื่น ๆ เหมือนเดิมทุกประการ
2. การตรึงไนโตรเจนที่เสียไปนี้ อาจเนื่องมาจากความผิดปกติของยีนที่ตำแหน่งต่าง ๆ กัน โอกาสที่ผิดปกติที่ยีนโครงสร้าง จะประมาณสาม เท่าของยีนควบคุม
3. สามารถคอนจูเกทข้ามสายพันธุ์กับ Escherichia coli ซึ่งมีพลาสมิดต้านยา และยีนการตรึงไนโตรเจนเชื่อมติดอยู่ ด้วยความถี่ $1 - 5 \times 10^{-4}$ และ ภายหลังการคอนจูเกท ยีนการตรึงไนโตรเจนยังอยู่ได้ในรูปของพลาสมิดอีกด้วย
4. รูปแบบและโอกาสที่ยีนตรึงไนโตรเจนบนพลาสมิด ถูกถอดถ่ายรหัสเป็นเอนไซม์ไนโตรจีเนส ควรเหมือนและเท่าเทียมกับยีนการตรึงไนโตรเจนบนโครโมโซม

คุณสมบัติของ partial nif มีวแทนท์ที่แยกได้

1. มีความสามารถในการตรึงไนโตรเจน แต่ธรรมชาติของขบวนการผิดปกติไปจาก wild type เดิม
2. partial nif มีวแทนท์บางตัว ให้คุณสมบัติในขั้นต้น ที่บ่งชี้ว่า ประสิทธิภาพการใช้สารต้นตอคาร์บอนเพื่อการเจริญเติบโตต่ำกว่า wild type
3. partial nif มีวแทนท์บางตัว ให้คุณสมบัติในขั้นต้นที่บ่งชี้ว่า ประสิทธิภาพการใช้สารต้นตอคาร์บอนอาจเท่าเดิม แต่อาจมีความผิดปกติที่ขบวนการรีดิวส์อะเซทิลีน ซึ่งเป็นดัชนีชี้บ่งความสามารถในการตรึงไนโตรเจนทางอ้อม

ประโยชน์ที่ได้รับจากการวิจัยนี้

1. ชี้แนะว่า การสร้างมิวแทนท์ของขบวนการตรึงไนโตรเจน โดยวิธีการเหนี่ยวนำยีนผ่านไวรัส (Localized Mutagenesis) เป็นวิธีการที่มีข้อได้เปรียบเหนือการกลายพันธุ์ที่โครโมโซมของแบคทีเรียโดยตรง ซึ่งสนับสนุนข้อดีเด่นของการใช้วิธีดังกล่าว ในการสร้างมิวแทนท์ ดังนี้

1.1 โอกาสที่จะได้มิวแทนท์ ชนิดที่เป็น point mutation มีสูง

1.2 การที่โครโมโซมของแบคทีเรียถูกกลายพันธุ์เพียงช่วงแคบ ๆ และใช้มิวตาเจน อย่างอ่อน ช่วยให้มิวแทนท์ที่แยกได้ ปลอดภัยจากผลข้างเคียงหลายประการ

1.3 การคัดเลือกมิวแทนท์ ทำในช่วงโครโมโซมแคบ โอกาสที่จะได้มิวแทนท์ที่ต้องการ คือ มีความผิดปกติที่โอเปอรอนของเอนไซม์ไนโตรจีเนส มีมากขึ้น

1.4 คุณสมบัติของมิวแทนท์ที่แยกได้ จะเป็นอิสระแก่กัน เพราะวิธีการแยกมิวได้ผ่านขบวนการ enrichment จึงทำให้โอกาสในการได้มิวแทนท์ที่ฟีโนไทป์ต่างกันมีมาก

1.5 คุณสมบัติที่ต่างกันของฟีโนไทป์ จะมีมูลเหตุมาจากการกลายพันธุ์ของยีนที่โอเปอรอนที่ต้องการ เพราะการแยกโดยวิธีการเหนี่ยวนำยีน มีค่าเท่ากับการตรงตำแหน่งของยีนที่ผิดปกติอยู่ในตัว

2. สร้างวิธีจำแนกจีโนไทป์ของ nif มิวแทนท์ โดยการใช้พลาสมิดต้านยาที่มียีนการตรึงไนโตรเจน เชื่อมติดอยู่ (RP41) เป็นสื่อ

3. พบฟีโนไทป์ใหม่ของเอนไซม์ไนโตรจีเนส คือ partial nif มิวแทนท์ ซึ่งมีการตรึงไนโตรเจนที่ผิดไปจาก wild type เดิม เนื่องจากเป็นฟีโนไทป์ที่ยังไม่มีผู้ใดรายงานว่าพบมาก่อน จึงเหมาะที่จะใช้เป็นตัวแบบ เพื่อศึกษาการตรึงไนโตรเจนในระดับโมเลกุล เพื่อให้เข้าใจบทบาทอันแท้จริงของปฏิกิริยาที่เอนไซม์ไนโตรจีเนสทำหน้าที่เป็นตัวเร่งอยู่