

การใช้โปรตีนเอสร่วมกับเดกซ์แทรนเนสในการสลายคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย

นางสาวศันสนีย์ ศิริลักษณ์

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

สาขาวิชาจุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา

คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ปีการศึกษา 2555

ลิขสิทธิ์ของจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

บทคัดย่อและแฟ้มข้อมูลฉบับเต็มของวิทยานิพนธ์ตั้งแต่ปีการศึกษา 2554 ที่ให้บริการในคลังปัญญาจุฬาฯ (CUIR)

เป็นแฟ้มข้อมูลของนิสิตเจ้าของวิทยานิพนธ์ที่ส่งผ่านทางบัณฑิตวิทยาลัย

The abstract and full text of theses from the academic year 2011 in Chulalongkorn University Intellectual Repository (CUIR)

are the thesis authors' files submitted through the Graduate School.

APPLICATION OF PROTEASE ALONG WITH DEXTRANASE FOR MICROBIAL PLAQUE  
DEGRADATION IN AN *IN VITRO* MODEL

Miss Sansanee Sirilak

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements  
for the Degree of Master of Science Program in Industrial Microbiology

Department of Microbiology

Faculty of Science

Chulalongkorn University

Academic Year 2012

Copyright of Chulalongkorn University

หัวข้อวิทยานิพนธ์

การใช้โปรตีนเอสโตรเจนร่วมกับเด็กซ์แทรนเนสในการสลายคราบ  
จุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย

โดย

นางสาวศันสนีย์ ศิริลักษณ์

สาขาวิชา

จุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม

อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก

รองศาสตราจารย์ ดร.สุเทพ ฐนิยวัน

---

คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย อนุมัติให้หัวข้อวิทยานิพนธ์ฉบับนี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาโทบัณฑิต

.....คณบดีคณะวิทยาศาสตร์  
(ศาสตราจารย์ ดร.สุพจน์ หารหนองบัว)

คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์

.....ประธานกรรมการ  
(รองศาสตราจารย์ ดร.อัญชริดา อัครจรัสญา)

.....อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก  
(รองศาสตราจารย์ ดร.สุเทพ ฐนิยวัน)

.....กรรมการ  
(ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.สุชาดา จันทร์ประทีป นภาธร)

.....กรรมการ  
(อาจารย์ ดร.ปานัน เริงสำราญ)

.....กรรมการภายนอกมหาวิทยาลัย  
(รศ.ดร.กาญจนา จันทร์ทองจัน)

ค้นสถินัย ศิริลักษณ์: การใช้โปรตีเอสร่วมกับเดกซ์แทรนเนสในการสลายคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย. (APPLICATION OF PROTEASE ALONG WITH DEXTRANASE FOR MICROBIAL PLAQUE DEGRADATION IN AN *IN VITRO* MODEL) อ.ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก : รศ.ดร.สุเทพ ธีรวัฒน์, 113 หน้า.

งานวิจัยนี้ ศึกษาการสลายคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย โดยเดกซ์แทรนเนสจากรา *Penicillium pinophilum* SMCU3-14 และแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 ซึ่งไม่ว่าจะใช้เดกซ์แทรนชนิดใดเป็นสารชักนำการผลิตเดกซ์แทรนเนสก็ตาม เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากรา *Penicillium pinophilum* SMCU3-14 ให้แอกทิวิตีสูงกว่าเดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 เสมอ และจากการผลิตเดกซ์แทรนเนสทั้งหมด เดกซ์แทรนเนส จากราที่มีเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรมเป็นสารชักนำจะให้แอกทิวิตีสูงที่สุด ปาเปนมีความสามารถย่อยโปรตีนดีกว่าเปปซิน เนื่องจากสามารถย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ในช่วงความเป็นกรด-เบสที่กว้างกว่าเปปซิน เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อพันธะ  $\alpha$ -1,6 สามารถผสมกับปาเปนได้และยังคงสลายคราบจุลินทรีย์ได้เช่นเดิม การใช้เดกซ์แทรนเนสร่วมกับปาเปนจึงย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ได้ดีกว่าการใช้เดกซ์แทรนเนสหรือปาเปนเพียงอย่างเดียวอย่างใดอย่างหนึ่ง สารผสมเดกซ์แทรนเนสและปาเปนจะเตรียมเป็นสารทดสอบโดยการผสมพร้อมกันก่อนนำไปทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์ และส่วนผสมที่เหมาะสมที่สุดต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ คือ เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อพันธะ  $\alpha$ -1,6 ที่ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร และปาเปน ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 0.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยทำปฏิกิริยากับคราบจุลินทรีย์ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 5 นาที สามารถลดคราบจุลินทรีย์ได้ประมาณ 80 เปอร์เซ็นต์ โดยคราบจุลินทรีย์ที่ศึกษาผ่านกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดมีลักษณะคล้ายร่างแห เซลล์จุลินทรีย์ยึดติดกันน้อยลง ทำให้คราบจุลินทรีย์หลุดล่อนได้ง่ายขึ้น

ภาควิชา.....จุลชีววิทยา..... ลายมือชื่อ.....  
 สาขาวิชา.....จุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม..... ลายมือชื่อ อ.ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก.....  
 ปีการศึกษา.....2555.....

# # 5272558323 : MAJOR INDUSTRIAL MICROBIOLOGY

KEYWORDS : PROTEASE / DEXTRANASE / BIOFILM / *Streptococcus sobrinus*

6715 / *Arthrobacter* sp. AG-2 / *Penicillium pinophilum* SMCU3-14

SANSANEE SIRILAK : APPLICATION OF PROTEASE ALONG WITH DEXTRANASE FOR MICROBIAL PLAQUE DEGRADATION IN AN *IN VITRO* MODEL. ADVISOR : ASSOC. PROF. SUTHEP THANİYAVARN, Ph.D., 113 pp.

The present study focus on microbial plaque degradation in an *in vitro* model by microbial dextranase of the fungus *Penicillium pinophilum* SMCU3-14 and bacteria *Arthrobacter* sp. AG-2. Regardless of inducer used, *P. pinophilum* SMCU3-14 produced higher dextranase activity than that of *Arthrobacter* sp. AG-2. Among all the systems employed, fungal dextranase with industrial grade dextran as inducer gave the highest dextranase activity. Papain showed better proteolytic activity than pepsin, the former showed better plaque degradation as well as wider pH range. Dextranase with  $\alpha$ -1,6 specificity can withstand papain rather well. Papain along with dextranase could degrade plaque better than using dextranase or papain alone. Dextranase and papain mixture was blended together and use for plaque degradation. The best combination for plaque degradation is a mixture consisting of 10 unit/ml dextranase and 0.25 unit/ml papain. After 5 minutes incubation at room temperature, approximately 80% of plaque was reduced. A scanning electron microscope of the remaining plaque revealed a mesh-like structure with less bacterial adherence thus cause the detachment of plaque.

Department : Microbiology..... Student's Signature .....

Field of Study : Industrial Microbiology..... Advisor's Signature .....

Academic Year : 2012.....

## กิตติกรรมประกาศ

กราบขอบพระคุณรองศาสตราจารย์ ดร.สุเทพ ฐนีย์วัน อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ ที่กรุณาให้ความรู้ คำแนะนำและข้อคิดเห็นต่างๆ ในทุกขั้นตอนการดำเนินงานวิจัย ตลอดจนตรวจแก้ไขต้นฉบับวิทยานิพนธ์

กราบขอบพระคุณรองศาสตราจารย์ ดร.กาญจนา จันทองจีน ที่กรุณาให้ความรู้ คำแนะนำและข้อคิดเห็น รวมทั้งกรุณารับเป็นกรรมการจากภายนอกในการสอบวิทยานิพนธ์ กราบขอบพระคุณรองศาสตราจารย์ ดร.อัญชริดา อัครจรัลญา ที่กรุณารับเป็นประธานกรรมการสอบวิทยานิพนธ์ กราบขอบพระคุณผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.สุชาดา จันทร์ประทีป นภাত্র และอาจารย์ ดร.ปานัน เริงสำราญ ที่กรุณารับเป็นกรรมการภายในของการสอบวิทยานิพนธ์ ซึ่งให้ความรู้ คำแนะนำต่างๆ แก่ผู้วิจัย ตลอดจนช่วยตรวจแก้ไขวิทยานิพนธ์ให้มีความสมบูรณ์ยิ่งขึ้น กราบขอบพระคุณรองศาสตราจารย์ ดร.ธนาภัทร ปาลกะ ที่เอื้อเฟื้อเครื่องวัดค่าการดูดกลืนแสงสำหรับไมโครไตเตอร์เพลต และกราบขอบพระคุณอาจารย์ทุกท่านในภาควิชาจุลชีววิทยาที่กรุณาให้ความรู้และคำแนะนำต่างๆ แก่ผู้วิจัยตลอดระยะเวลาการศึกษา

กราบขอบพระคุณรองศาสตราจารย์ ดร.รัชชพิน ศรีสัจจะลักษณะ ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะทันตแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล ที่ให้ความอนุเคราะห์แบบที่เรื้อรังที่ใช้สร้างแบบจำลองคราบจุลินทรีย์ในงานวิจัยนี้สำหรับเป็นงานวิจัยนี้

ทั้งนี้ขอขอบคุณนางสาวณฤดี อัสวเสวีเลิศ และสมาชิกทุกคนในห้องปฏิบัติการห้อง 448 ตลอดจนเจ้าหน้าที่ในภาควิชาจุลชีววิทยาทุกท่าน สำหรับทุกความห่วงใยและความช่วยเหลือที่มีให้ตลอดมา

สุดท้ายนี้ผู้วิจัยขอกราบขอบพระคุณบิดา มารดา และครอบครัวของผู้วิจัยเป็นอย่างมาก ที่มีความห่วงใยและให้การสนับสนุนช่วยเหลือ รวมทั้งเป็นกำลังใจให้ผู้วิจัยตลอดมา

## สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย.....	ง
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	จ
กิตติกรรมประกาศ.....	ฉ
สารบัญ.....	ช
สารบัญตาราง.....	ญ
สารบัญภาพ.....	ฎ
สัญลักษณ์และคำย่อ.....	ฒ
บทที่ 1 บทนำ.....	1
1.1 ความเป็นมาและความสำคัญของปัญหา.....	1
1.2 วัตถุประสงค์ของการวิจัย.....	4
1.3 ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ.....	4
1.4 ขั้นตอนงานวิจัย.....	4
บทที่ 2 เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง.....	5
2.1 ช่องปาก.....	5
2.2 จุลินทรีย์ในช่องปาก.....	6
2.3 คราบจุลินทรีย์.....	8
2.4 ความสัมพันธ์ของการเกิดคราบจุลินทรีย์กับ Mutans Streptococci.....	9
2.5 คราบจุลินทรีย์และการเกิดโรคฟันผุ.....	10
2.6 โรคฟันผุ.....	11
2.7 การป้องกันฟันผุ.....	12
2.8 เดกซ์แทรน.....	16
2.9 เดกซ์แทรนเนส.....	17
2.10 โปรตีเอส.....	24
2.11 สารฟลู หรือ เม็ดฟลู.....	29

	หน้า
บทที่ 3 วิธีดำเนินการวิจัย.....	31
3.1 เครื่องมือที่ใช้ในการวิจัย.....	31
3.2 เคมีภัณฑ์.....	33
3.3 วิธีการดำเนินการวิจัย.....	35
3.3.1 จุลินทรีย์ในงานวิจัย.....	35
3.3.2 การเตรียมเดกซ์แทรนเพื่อใช้เป็นสารชักนำในการผลิตเดกซ์แทรน เนส.....	36
3.3.3 การเปรียบเทียบความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนสที่เหมาะสมในการ ผลิตเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูง.....	37
3.3.4 การตรวจสอบผลิตภัณฑ์ของการย่อยสลายเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกล โคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI.....	37
3.3.5 การตรวจสอบว่าเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,3 ใน ปริมาณสูง เป็นเดกซ์แทรนที่เป็นพอลิเมอร์ของน้ำตาลกลูโคส.....	38
3.3.6 การผลิตเดกซ์แทรนเนสจาก <i>Arthrobacter</i> sp. AG-2 และ <i>P. pinophilum</i> SMCU3-14 ด้วยสารชักนำคือ เดกซ์แทรนที่มีพันธะ ไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนใหญ่ (จากข้อ 3.3.2.1) เดกซ์แทรน ที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,6 และ $\alpha$ -1,3 ที่ผลิตโดย <i>S. sobrinus</i> 6715 (จากข้อ 3.3.2.2) หรือ เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกล โคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูง (จากข้อ 3.3.2.3).....	38
3.3.7 การตรวจสอบเอกลักษณ์จำเพาะของเดกซ์แทรนเนส.....	40
3.3.8 การสร้างคราบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลตจากกล้าเชื้อ <i>S. sobrinus</i> 6715.....	41
3.3.9 การตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง.....	42
3.3.10 การศึกษาภาวะที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วย เดกซ์แทรนเนส.....	43
3.3.11 การเพิ่มประสิทธิภาพในการลดคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลอง ภายนอกร่างกาย.....	44



	หน้า
บทที่ 4 ผลการทดลอง.....	51
4.1 การเตรียมเดกซ์แทรนเพื่อใช้เป็นสารชักนำในการผลิตเดกซ์แทรนเนส.....	51
4.2 แอททิวิตีจำเพาะของเดกซ์แทรนเนสจาก <i>Arthrobacter</i> sp. AG-2 และ <i>P. pinophilum</i> SMCU3-14 ที่ชักนำด้วยเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม เดกซ์แทรนจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 และเดกซ์แทรนที่มีพันธะ $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนจาก <i>S.sobrinus</i> 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส Fl.....	63
4.3 การสร้างควาบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลตจากกล้าเชื้อ <i>S. sobrinus</i> 6715 .....	65
4.4 ภาวะที่เหมาะสมต่อการสลายควาบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส.....	66
4.5 การเพิ่มประสิทธิภาพในการลดควาบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย.....	72
4.6 การลดควาบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย ภายในระยะเวลา 5 นาที.....	79
บทที่ 5 สรุปผลการวิจัย อภิปรายผล และข้อเสนอแนะ.....	90
รายการอ้างอิง.....	93
ภาคผนวก.....	101
ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์.....	113

## สารบัญตาราง

ตารางที่		หน้า
2.1	การจัดแบ่งชนิดของแบคทีเรียในช่องปากออกเป็นพวกที่เจริญเติบโตได้ทั้งใน ภาวะที่มีออกซิเจนกับในภาวะที่ไม่มีออกซิเจน กับพวกที่เจริญเติบโตได้เฉพาะ ในภาวะที่ไม่มีออกซิเจนเท่านั้น พร้อมกับจัดแบ่งแบคทีเรียออกเป็นพวก แบคทีเรียรูปกลม แบคทีเรียรูปแท่ง สปไปโรซิต และจุลินทรีย์อื่นๆ.....	7
2.2	จุลินทรีย์ที่สามารถผลิตเดกซ์แทรนเนสได้.....	19
4.1	แสดงการเปรียบเทียบแอกทิวิตี ปริมาณโปรตีน และแอกทิวิตีจำเพาะของ เดกซ์แทรนเนส.....	64
4.2	แสดงแอกทิวิตีที่เหลือของเดกซ์แทรนเนส FI หลังจากผสมปาเปน เป็นเวลา 0-60 นาที และ เปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงจากการนำส่วนผสมไป ทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์.....	79
4.3	แสดงเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลง จากการแปรผันความเข้มข้นของปาเปน และเดกซ์แทรนเนส FI.....	82
4.4	แสดงเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงและปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้น โดย เดกซ์แทรนเนส FI.....	85
4.5	แสดงเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงและปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้น โดยสารผสมปาเปนและเดกซ์แทรนเนส FI.....	86

## สารบัญรูป

รูปที่		หน้า
2.1	ภาพแสดงฟันและเนื้อเยื่อปริทันต์.....	5
2.2	ภาพแสดงรูปแบบของการเกาะกลุ่มกันของจุลินทรีย์ในช่องปากโดยแสดงบริเวณ จุดจำที่ใช้ในการเกาะติดกับ acquired pellicle กับ initial colonizers และแสดง การยึดเกาะระหว่าง initial colonizers กับ late colonizers โดยมี fusobacteria เชื่อมโยง.....	9
2.3	ภาพจากกล้องจุลทรรศน์แบบใช้แสง (light micrographs) แสดงการยึดเกาะกัน ของ <i>S. mutans</i> บนผิวเคลือบฟันในแต่ละวันของการทดลองดังนี้ (a) วันที่ 1 (b) วันที่ 2 (c) วันที่ 4 และ (d) วันที่ 7.....	11
2.4	ภาพบนแสดงการย้อมสีคราบจุลินทรีย์ของฟัน ภาพล่างแสดงฟันตัดที่ขูดคราบ จุลินทรีย์ออก แสดงให้เห็นจุดขาวขุ่นบนฟัน (white spot) ในขณะที่ฟันซี่อื่นยังคง มีคราบจุลินทรีย์ .....	12
2.5	โครงสร้างของเดกซ์แทรน .....	17
2.6	ปฏิกิริยาการเกิดเดกซ์แทรนโดยเอนไซม์เดกซ์แทรนซูเครส.....	16
2.7	กลไกการทำงานของเปปซิน.....	26
2.8	กลไกการทำงานของปาเปน.....	27
4.1	ลักษณะของเดกซ์แทรนที่มีพันธะ $\alpha$ -1,3 และ $\alpha$ -1,6 ที่ผลิตโดย <i>S. sobrinus</i> 6715 .....	51
4.2	แสดงผลการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] จาก <i>P. pinophilum</i> SMCU3-14 หรือ เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีความ เข้มข้น (ก.) 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ข.) 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ค.) 60 หน่วยต่อ มิลลิลิตร (ง.) 80 หน่วยต่อมิลลิลิตร และ (จ.) 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยวัดจาก ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นจากเวลาเริ่มต้น (ชั่วโมงที่ 0).....	53
4.3	ลักษณะเดกซ์แทรนที่มีพันธะ $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรน ที่ผลิตจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีความเข้มข้น (ก.) 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ข.) 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ค.) 60 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ง.) 80 หน่วยต่อมิลลิลิตร และ (จ.) 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร จากนั้นนำมาทำบริสุทธิ์ เดกซ์แทรนบางส่วนแล้วทำให้แห้งด้วยเครื่องระเหยแห้งโดยใช้อุณหภูมิต่ำ.....	54
		56

รูปที่	หน้า	
4.4	โครมาโทแกรมแสดง (ก) สารละลายมาตรฐาน และผลิตภัณฑ์ของการย่อยครั้งที่ 1 สำหรับการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส $[\alpha-1,6]$ แยกทีวดีเท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตรที่เวลา (ข) 0.0 ชั่วโมง (ค) 0.5 ชั่วโมง (ง) 3.0 ชั่วโมง และ (จ) 9.0 ชั่วโมง.....	58
4.5	แสดงผลการย่อยครั้งที่ 1 ของการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส $[\alpha-1,6]$ จาก <i>P. pinophilum</i> SMCU3-14 แยกทีวดี 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่มีการเติม/ไม่เติมเดกซ์แทรนเนส $[\alpha-1,6]$ แยกทีวดี 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร เพิ่มที่เวลา 4.5 ชั่วโมง.....	59
4.6	แสดงผลการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ซึ่งมีแยกทีวดี 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร จำนวน 4 ครั้ง (ตามลูกศร) คือ ชั่วโมงที่ 0 ชั่วโมงที่ 8 ชั่วโมงที่ 16 และชั่วโมงที่ 24.....	60
4.7	โครมาโทแกรมแสดง (ก) สารละลายมาตรฐาน และผลิตภัณฑ์ที่ได้จากการย่อยสลายด้วยกรดซัลฟูริกของ (ข) เดกซ์แทรนที่-2000 (ค) เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (ง) เดกซ์แทรนที่ผลิตจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 และ (จ) เดกซ์แทรนที่มีพันธะ $\alpha-1,3$ เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส $[\alpha-1,6]$ .....	62
4.8	แสดงคราบจุลินทรีย์ที่เกิดจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ใน (ก) ไมโครไตเตอร์เพลต (ข) หลอดทดลอง.....	65
4.9	การสลายคราบจุลินทรีย์โดยเดกซ์แทรนเนส BI FI FB และ FB-1,3 ที่มีความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ในระบบบัพเฟอร์ อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 15 นาที....	66
4.10	การสลายคราบจุลินทรีย์โดย (ก) เดกซ์แทรนเนส FI (ข) เดกซ์แทรนเนส FB และ (ค) เดกซ์แทรนเนส FB-1,3 ที่มีความเข้มข้น 1 2 3 4 และ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 5 และ 15 นาที ในระบบบัพเฟอร์ อุณหภูมิห้อง.....	68
4.11	แสดงการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส (ก) FI และ (ข) FB ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 0-45 นาที แล้วเติมเดกซ์แทรนเนส (FI FB และ FB-1,3) ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่เวลา 45 นาที แล้วย่อยสลายคราบต่ออีก 15 นาที.....	71

รูปที่	หน้า
4.12	72
4.13	73
4.14	74
4.15	75
4.16	76
4.17	77
4.18	78
4.19	80

รูปที่	หน้า	
4.20	แสดงการสลายคราบจุลินทรีย์ของการผสมปาเปน ความเข้มข้น 1 3 หรือ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร กับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาที่เวลา 0-5 นาที.....	81
4.21	แสดงเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงจากการเติมสารทดสอบในภาวะต่างๆ.....	83
4.22	แสดงคราบจุลินทรีย์ที่ลดลงจากการแปรผันลำดับการเติมสารฟู ปาเปนและเดกซ์แทรนเนส.....	84
4.23	แสดงคราบจุลินทรีย์ที่ถูกสร้างบนแผ่นปิดสไลด์.....	87
4.24	(ก) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่เป็นชุดควบคุม เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา).....	88
	(ข) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่ย่อยด้วยปาเปน เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา) .....	88
	(ค) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่ย่อยด้วยเดกซ์แทรนเนส FI เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา) .....	89
	(ง) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่ย่อยด้วยสารละลายเดกซ์แทรนเนสและปาเปน เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา) .....	90

### คำอธิบายสัญลักษณ์และคำย่อ

- เดกซ์แทรนเนส BI = เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] หรือ เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยมีเดกซ์แทรนเกรดอูตสาหกรรมเป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส BB = เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6] หรือ เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยมีเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *Streptococcus sobrinus* 6715 เป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และชนิด  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส BB-1,3 = เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3] หรือ เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยเดกซ์แทรนที่เป็นสารชักนำได้จากการย่อยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 จึงเหลือพันธะชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3
- เดกซ์แทรนเนส FI = เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] หรือ เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากรา *Penicillium pinophilum* SMCU3-14 โดยมีเดกซ์แทรนเกรดอูตสาหกรรมเป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส FB = เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6] หรือ เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากรา *P. pinophilum* SMCU3-14 โดยมีเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 เป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส FB-1,3 = เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3] หรือ เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากรา *P. pinophilum* SMCU3-14 โดยเดกซ์แทรนที่เป็นสารชักนำได้จากการย่อยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 จึงเหลือพันธะชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3

# บทที่ 1

## บทนำ

### 1.1 ความเป็นมาและความสำคัญของปัญหา

สถานการณ์โรคฟันผุเป็นปัญหาในทุกกลุ่มอายุ โดยโรคฟันผุเกิดจากความไม่สมดุลของการอยู่ร่วมกันของจุลินทรีย์ในช่องปาก เนื่องจากกระบวนการเมแทบอลิซึมของจุลินทรีย์ในคราบจุลินทรีย์มีผลให้ค่าความเป็นกรด-เบสลดต่ำลงจนเกินจุดวิกฤติ (critical pH) ทำให้เกิดการสลายแร่ธาตุจากเคลือบฟัน แม้ว่าระบบบัฟเฟอร์ในช่องปากจะสามารถช่อมแซมเพื่อการคืนกลับแร่ธาตุโดยปรับค่าความเป็นกรด-เบสกลับสู่ค่าปกติในเวลาต่อมาได้ก็ตาม (Tanzer, 1989; Edmondson, 1990 และ Van Houte, 1994)

คราบฟัน (dental plaque) เป็นแผ่นคราบบนผิวฟันที่ประกอบด้วยสารอินทรีย์ในกลุ่มของพอลิแซ็กคาไรด์ โปรตีน ไขมัน อนุพันธ์ของไกลโคโปรตีนในน้ำลาย สารอนินทรีย์ และประชากรจุลินทรีย์ (Fleming และคณะ, 2000) ในรูปคราบจุลินทรีย์ที่เกิดจากการจับเกาะเป็นชั้นบางๆ ของจุลินทรีย์ร่วมกับโปรตีนจากน้ำลายที่เคลือบบนผิวฟัน จุลินทรีย์บางชนิดสร้างเอนไซม์กลูโคซิลทรานสเฟอเรส (glucosyltransferases; GTFs) ที่หลั่งออกมาออกเซลล์สามารถไฮโดรไลซ์น้ำตาลซูโครสและก่อกอพอลิเมอร์ของน้ำตาลดี-กลูโคส (D-glucose) ที่เรียกกันว่า เดกซ์แทรน (dextran) และมิวแทน (mutan) ทั้งเดกซ์แทรนและมิวแทนนี้มีบทบาทสำคัญในการยึดเกาะกันของจุลินทรีย์กับผิวเคลือบฟัน (primary attachment หรือ colonization) เมื่อคราบฟันร่วมกับปัจจัยอื่นที่กล่าวมาข้างต้นจะเกิดเป็นพลาค (plaque) เกิดการสะสมของจุลินทรีย์อื่นๆ เกิดเมแทบอลิซึมปลดปล่อยกรดอินทรีย์ เช่น ไพรูวิก แลคติก ออกมาสลายเคลือบฟันและเนื้อฟัน (demineralization) จึงก่อโรคฟันผุได้ (Hayacibara และคณะ, 2004)

*Streptococcus mutans* และ *Streptococcus sobrinus* เป็นจุลินทรีย์ในกลุ่มมิวแทนสเตร็ปโตคอคโค (mutans streptococci) ที่พบมากในบริเวณคราบจุลินทรีย์ และรอยโรคฟันผุ (Musaka และคณะ, 1989) จึงเป็นจุลินทรีย์ที่มีความสำคัญต่อการก่อโรคฟันผุในมนุษย์ ทั้งนี้ *S. mutans* และ *S. sobrinus* มีความสามารถในการสร้างกลูโคซิลทรานสเฟอเรสที่เกิดปฏิกิริยาการสังเคราะห์กลูแคนชนิดต่างๆ จากน้ำตาลซูโครส คือ มิวแทนที่เป็นพอลิเมอร์ของกลูโคสที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ และเดกซ์แทรนที่เป็นพอลิเมอร์ของกลูโคสที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนใหญ่ (Hayacibara และคณะ, 2004) จึงทำให้เกิดคราบจุลินทรีย์บนผิวเคลือบฟัน ดังนั้น การป้องกันการสร้างหรือการสลายมิวแทนและเดกซ์แทรนจึงสามารถลดคราบจุลินทรีย์ที่เป็นสาเหตุของโรคฟันผุได้



การป้องกันการเกิดคราบจุลินทรีย์ด้วยการลดการยึดเกาะของจุลินทรีย์ที่ผิวเคลือบฟันเป็นวิธีตรงในการป้องกันโรคฟันผุ โดยลดการทำงานของยีน *gtfB* และ *gtfC* เพื่อยับยั้งการสร้างกลูโคซิลทรานสเฟอเรส (Xiao และคณะ, 2007 และ Li และคณะ, 2009) หรือการใช้เดกซ์แทรนเนสยับยั้งการยึดเกาะของ *S. mutans* บริเวณผิวเรียบของฟันในหนูทดลอง (Hamada และคณะ, 1976) และบนแผ่นไฮดรอกซีอะพาไทต์ (hydroxyapatite disk) ทั้งระยะแรกของการเกาะติด และระยะที่มีการสะสมกลูแคนของคราบจุลินทรีย์ได้ (Simonson และ Jackola, 1979) ซึ่งการป้องกันการสร้างคราบจุลินทรีย์อย่างเดียวยังไม่เพียงพอในการป้องกันฟันผุ เนื่องจากคราบจุลินทรีย์ที่มีอยู่ยังสามารถทำให้เกิดโรคฟันผุได้เช่นเดิม ดังนั้น จึงต้องมีการสลายคราบจุลินทรีย์ควบคู่ไปกับการป้องกันการสร้างคราบจุลินทรีย์เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพในการป้องกันฟันผุด้วย

มิวแทนและเดกซ์แทรนเป็นพอลิเมอร์ของกลูโคสที่เกาะติดบนผิวเคลือบฟันอันเป็นต้นเหตุของการเกิดคราบจุลินทรีย์ ดังนั้น การสลายคราบจุลินทรีย์นี้สามารถทำได้โดยใช้เอนไซม์ที่มีความจำเพาะกับพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และ/หรือ  $\alpha$ -1,6 โดยงานวิจัยนี้เลือกใช้เอนไซม์เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะกับพันธะไกลโคซิดิกและตัดพันธะไกลโคซิดิกที่เชื่อมระหว่างกลูโคสมอนอเมอร์ออกได้ การสร้างเอนไซม์นี้ต้องการสารชักนำ คือ เดกซ์แทรน (Igarashi และคณะ, 1998) และความจำเพาะของเดกซ์แทรนเนสต่อพันธะที่จะสลายขึ้นกับชนิดของพันธะของเดกซ์แทรนที่ใช้ในการชักนำนั้นๆ (Hare และคณะ, 1978) โดยเดกซ์แทรนที่สร้างจากจุลินทรีย์ต่างชนิดกันจะมีจำนวนของพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 และ  $\alpha$ -1,3 แตกต่างกันไป และหากสารชักนำมีจำนวนของพันธะเป็นแบบใดมากก็จะสร้างเอนไซม์ที่มีความจำเพาะต่อพันธะนั้นได้มากกว่า เช่น เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรมที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ถึง 95 เปอร์เซ็นต์ จะชักนำให้จุลินทรีย์สร้างเดกซ์แทรนเนสชนิดที่มีความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ได้มาก ส่วนเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 มากก็จะสร้างเอนไซม์ที่มีความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 (Dois และคณะ, 1997) แม้ว่าจุลินทรีย์กลุ่มสเตรปโตคอคไคในช่องปากจะสร้างเดกซ์แทรนได้ทั้งสองชนิด แต่ชนิดที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 นั้น มีสมบัติทำให้เดกซ์แทรนละลายน้ำได้ยากและเป็นตัวก่อปัญหามากกว่าพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 จึงมีความต้องการเดกซ์แทรนเนสประเภทนี้มาก แต่เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 สูง (หรือที่เรียกอีกว่า มิวแทน) ที่มีขายในท้องตลาดนั้นมีราคาสูง จึงจำเป็นต้องผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 เพื่อใช้เป็นสารชักนำขึ้นเอง และเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ประกอบด้วยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 มากถึง 67 เปอร์เซ็นต์ (Davis และคณะ, 1986)

จากการศึกษาของ ฌนฤดี อัครเศวีเลิศ (2550) ในการเปรียบเทียบการป้องกันการเกิดคราบจุลินทรีย์ระหว่างเดกซ์แทรนเนส และคลอเอ็กซีตินซึ่งเป็นยาฆ่าเชื้อจุลินทรีย์ในช่องปากที่นิยมใช้กันอย่างแพร่หลาย (Grenier, 1993) พบว่า เดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 ที่ชักนำด้วยเดกซ์แทรนจาก *S. sobrinus* 6715 และคลอเอ็กซีตินสามารถยับยั้งการเกิดคราบจุลินทรีย์ได้ 100 เปอร์เซ็นต์ และ 97.74 เปอร์เซ็นต์ ตามลำดับ ส่วนการสลายคราบจุลินทรีย์นั้น เดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 ที่ชักนำด้วยเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม และคลอเอ็กซีตินสามารถสลายคราบจุลินทรีย์ได้เพียง 30.26 เปอร์เซ็นต์ และ 21.30 เปอร์เซ็นต์ ตามลำดับ ผลการศึกษาดังกล่าวแสดงให้เห็นว่าเดกซ์แทรนเนสและคลอเอ็กซีตินมีประสิทธิภาพในการป้องกันการเกิดคราบจุลินทรีย์มากกว่าการสลายคราบจุลินทรีย์

นอกจากนี้ยังมีรายงานว่า Krillase<sup>®</sup> ซึ่งเป็นโปรตีเอสจากระบบย่อยอาหารของกิ้งก่า (*Euphasia superba*) ที่มีสมบัติทั้งย่อยสลายพันธะเพปไทด์แบบสุ่มภายในสายโปรตีน (endopeptidase) และย่อยสลายพันธะเพปไทด์จากปลายสายโปรตีน (exopeptidase) สามารถสลายคราบจุลินทรีย์ได้เช่นกัน (Berg และคณะ, 2001) แต่ทั้งเดกซ์แทรนเนสและโปรตีเอสเพียงชนิดใดชนิดหนึ่งยังไม่สามารถสลายคราบจุลินทรีย์ได้ 100 เปอร์เซ็นต์ แม้ว่าในระบบที่มีแต่โปรตีเอสและเดกซ์แทรนเนสเพียงชนิดใดชนิดหนึ่งนั้น เอนไซม์ทั้งสองจะทำงานได้ดีก็ตาม ทั้งนี้ อาจเนื่องจากคราบจุลินทรีย์ประกอบด้วยสารอินทรีย์ที่เป็นพอลิแซ็กคาไรด์และโปรตีนเป็นส่วนใหญ่ ส่วนโปรตีนนั้นอาจบดบังการเข้าทำงานของเดกซ์แทรนเนสได้ ดังนั้น คาดว่าการย่อยสลายโปรตีนด้วยโปรตีเอสตามด้วยการย่อยสลายเดกซ์แทรนด้วยเดกซ์แทรนเนสจะสามารถเพิ่มประสิทธิภาพการสลายคราบจุลินทรีย์ได้

โปรตีเอสจำแนกตามกลไกการทำงานได้เป็น กลุ่มเซรีนโปรตีเอส (serine protease) ซัลไฟไฮดริลโปรตีเอส (sulfhydryl protease) แอซิดโปรตีเอส (acid protease) และเมทัลโลโปรตีเอส (metalloprotease) ซึ่งสามารถย่อยสลายพันธะเพปไทด์แบบสุ่มภายในสายโปรตีน และจากปลายสายโปรตีนได้ (ปราณี อานเป็รื่อง, 2543 และ Arbige และ Pitcher, 1986) โดยการสลายคราบจุลินทรีย์นี้มีวัตถุประสงค์เพื่อทำความสะอาดอุปกรณ์ที่ใช้ภายในช่องปากโดยใช้โปรตีเอสร่วมกับเดกซ์แทรนเนส จึงต้องคัดเลือกชนิดของโปรตีเอสโดยคำนึงถึงความปลอดภัย ราคา ภาวะของการทำปฏิกิริยาที่เหมาะสมใกล้เคียงกับเดกซ์แทรนเนส สามารถสลายโปรตีนได้รวดเร็วและหลากหลาย ในที่นี้ จึงคัดเลือกโปรตีเอสที่ผลิตในเชิงพาณิชย์เพื่อใช้ในอุตสาหกรรมอาหาร คือ ปาเปนและเปปซิน สำหรับเดกซ์แทรนเนสที่ใช้ คือ เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 ซึ่งคัดแยกจากดินในจังหวัดนนทบุรีโดยณัฐนิ สุวรรณสิงห์ (2540) และ

เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจาก *P. pinophilum* SMCU3-14 ซึ่งได้จากการกลายพันธุ์ *Penicillium* sp. สายพันธุ์ 61 ด้วยแสงอัลตราไวโอเล็ตและ NTG (สุวรรณ นพพรพันธ์, 2538) ในการสลายคราบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลตที่ใช้เป็นแบบจำลองภายนอกร่างกาย

สำหรับการศึกษานี้จะเน้นการสลายคราบจุลินทรีย์ที่สร้างจาก *S. sobrinus* 6715 ในไมโครไตเตอร์เพลตหรือหลอดทดลองที่ใช้เป็นแบบจำลองภายนอกร่างกาย โดยใช้เวลาทำปฏิกิริยานานที่สุด ซึ่งจะศึกษาภาวะที่เหมาะสมของแต่ละส่วนผสม ส่วนผสมที่เหมาะสม อัตราส่วนที่เหมาะสม เป็นต้น ทั้งนี้ เพื่อจะสามารถนำผลการศึกษาที่ได้นี้ ไปประยุกต์ใช้ทำความสะอาดอุปกรณ์ภายในช่องปาก ฟันปลอม ได้ต่อไปในอนาคต

## 1.2 วัตถุประสงค์ของการวิจัย

หาภาวะที่เหมาะสมในการใช้โปรตีนเอสร่วมกับเดกซ์แทรนเนสเพื่อสลายคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย

## 1.3 ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ

ทราบภาวะที่เหมาะสมของการนำโปรตีนเอสไปใช้ร่วมกับเดกซ์แทรนเนสเพื่อสลายคราบจุลินทรีย์บนแบบจำลองภายนอกร่างกาย ซึ่งสามารถประยุกต์ใช้ทำความสะอาดอุปกรณ์ที่ใช้ภายในช่องปาก

## 1.4 ขั้นตอนงานวิจัย

- 1) เตรียมเดกซ์แทรนเนสเพื่อใช้เป็นสารชักนำในการผลิตเดกซ์แทรนเนส
- 2) ผลิตเดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 และ *P. pinophilum* SMCU3-14
- 3) คัดเลือกชนิดของโปรตีนเอส
- 4) หาภาวะที่เหมาะสมในการสลายคราบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลตโดยโปรตีนเอสที่คัดเลือก และเดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 และ *P. pinophilum* SMCU

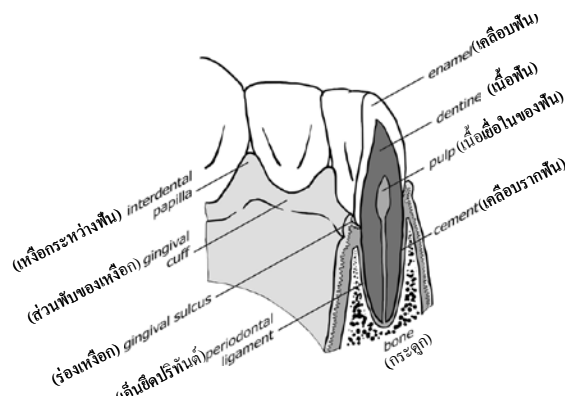
## บทที่ 2

### เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง

ในช่องปากมีพื้นที่ประมาณ  $214.7 + 12.9 \text{ cm}^2$  (Collins และ Dawes, 1987) ซึ่งเป็นจุดเริ่มต้นของทางเดินอาหารที่มีฟันช่วยกัด ฉีก บด เคี้ยวอาหารที่รับประทานให้มีขนาดเล็กก่อนส่งผ่านสู่ระบบการย่อยอาหาร ทำให้ร่างกายได้รับพลังงานเพื่อการดำรงชีวิต อีกทั้งยังทำงานร่วมกับคอหอยและกล่องเสียงในการสร้างเสียงเพื่อใช้สื่อสาร รวมถึงช่วยรักษารูปหน้าและเสริมสร้างบุคลิกภาพ แต่จากผลการสำรวจสุขภาพทันตสุขภาพแห่งชาติครั้งที่ 6 พ.ศ. 2549-2550 (กรมอนามัย, 2551) พบว่า ทุกวัยล้วนมีปัญหาสุขภาพช่องปาก เช่น โรคฟันผุ โรคปริทันต์ ดังนั้นการทำความสะอาดช่องปากและฟันถูกวิธีอย่างสม่ำเสมอหรือการใช้ยาบ้วนปากร่วมกับการแปรงฟันในผู้สูงอายุที่มีปัญหาเรื่องกล้ามเนื้อช่วยลดสาเหตุของโรคฟันผุและโรคปริทันต์ได้

#### 2.1 ช่องปาก

ฟันประกอบด้วยเนื้อเยื่อแข็งและเนื้อเยื่ออ่อน ดังรูปที่ 2.1 โดยมีเนื้อเยื่อแข็ง 3 ชนิด คือ เคลือบฟัน (enamel) เนื้อฟัน (dentine) และเคลือบรากฟัน (cementum) ซึ่งมีผลึกของไฮดรอกซีอะพาไทต์เป็นส่วนประกอบหลักในเปอร์เซ็นต์ที่แตกต่างกัน ที่เหลือคือ น้ำ คอลลาเจนและสารมิวโคพอลิแซ็กคาไรด์ ส่วนเนื้อเยื่ออ่อน 1 ชนิด คือเนื้อเยื่อในของฟัน (dental pulp) ประกอบด้วยหลอดเลือด หลอดน้ำเหลือง และเส้นประสาท ทำหน้าที่นำอาหารสู่ฟัน ส่งความรู้สึกจากฟันไปโพรงฟันแล้วนำไปสู่สมอง ถ้าเชื้อโรคลุกลามเข้ามาถึงขั้นนี้ จะทำให้เกิดอาการอักเสบ และการทำลายของเส้นเลือด เส้นประสาท เป็นเหตุให้ฟันตายได้ (ชัชวีร์ สุชาติลาพงศ์ และ ญญา อัครวรรฤทธิ์, 2545 และ สิทธิชัย ขุนทองแก้ว, 2552)



รูปที่ 2.1 ภาพแสดงฟันและเนื้อเยื่อปริทันต์ (ดัดแปลงจาก Hillson, 2005)

น้ำลายมีหน้าที่เกี่ยวกับการย่อยอาหาร การพุด และป้องกันการเกิดโรคฟันผุ เนื่องจากมีการชะล้าง มีสารต้านจุลชีพ มีความเป็นบัฟเฟอร์ และโปรตีนในน้ำลายช่วยป้องกันการสลายแร่ธาตุ (demineralization) และยังมีแร่ธาตุที่ช่วยในการคืนกลับแร่ธาตุ (remineralization) ของเคลือบฟันทำให้เกิดสมดุลระหว่างการละลายและการคืนกลับของแร่ธาตุ แต่ถ้าภายในช่องปากมีความเป็นกรด-เบสต่ำกว่าค่าความเป็นกรด-เบสวิกฤติ (critical pH) ที่มีค่าประมาณ 5.2-5.5 แล้ว การละลายแร่ธาตุจะเกิดมากกว่าการคืนกลับของแร่ธาตุทำให้เกิดฟันผุได้ (Edmonson, 1990)

ในน้ำลายยังมีโปรตีนและมิวซินซึ่งเป็นสารประกอบอินทรีย์ที่จะรวมกับพอลิแซ็กคาไรด์ เกิดเป็นไกลโคโปรตีนที่มีอิทธิพลต่อการเกาะกลุ่มกันของแบคทีเรียในช่องปาก โดยโปรตีนบางชนิดในน้ำลายที่มีสภาพเป็นกรดเกิดแรงดึงดูดกับแคลเซียมบริเวณผิวเคลือบฟันทำให้เกิดการยึดติดกับผิวเคลือบฟัน และโปรตีนในสภาพเป็นเบสยึดเหนี่ยวกับอนุมูลฟอสเฟตบนผิวเคลือบฟัน ทำให้เกิดเป็นโครงสร้างของฟิล์มบางๆ (acquired pellicle) ที่ไม่สามารถมองเห็นได้ด้วยตาเปล่า และพัฒนาเป็นคราบจุลินทรีย์ต่อไป

## 2.2 จุลินทรีย์ในช่องปาก

ในช่องปากสามารถพบจุลินทรีย์ได้ทั้งแบคทีเรีย ยีสต์ สไปโรชีต ไมโครพลาสมา ไวรัสและโปรโตซัว แต่ที่พบมากที่สุดและเป็นสาเหตุของโรคฟันผุ คือแบคทีเรีย แบคทีเรียที่พบมีมากกว่า 500 ชนิด โดยชนิดและปริมาณที่พบในแต่ละบริเวณของช่องปากขึ้นกับปัจจัยทางกายภาพ เช่น ปริมาณออกซิเจน อาหาร ปัจจัยของเจ้าบ้าน เช่น น้ำลาย และปัจจัยของแบคทีเรีย เช่น ความสามารถในการยึดเกาะ (Robert, 2005)

แบคทีเรียในช่องปากสามารถแบ่งตามคุณสมบัติในการสร้างกรดได้ 3 กลุ่ม คือ แบคทีเรียที่สร้างกรด (acidogenic bacteria) แบคทีเรียที่ไม่มีการสร้างกรด (non-acidogenic bacteria) และแบคทีเรียที่สร้างเบส (base-producing bacteria) นอกจากนี้ยังมีการแบ่งตามรูปร่าง การยึดติดสี่แกรม ความต้องการ กิ่งต้องการหรือไม่ต้องการออกซิเจนในการเจริญเติบโต ตามตารางที่ 2.1

ตารางที่ 2.1 การจัดแบ่งชนิดของแบคทีเรียในช่องปากออกเป็นพวกที่เจริญเติบโตได้ทั้งในภาวะที่มีออกซิเจนกับในภาวะที่ไม่มีออกซิเจน กับพวกที่เจริญเติบโตได้เฉพาะในภาวะที่ไม่มีออกซิเจนเท่านั้น พร้อมกับจัดแบ่งแบคทีเรียออกเป็นพวกแบคทีเรียรูปกลม แบคทีเรียรูปแท่ง สไปโรชีต และจุลินทรีย์อื่นๆ (จินตกร คุวัฒมนสุชาติ, 2542)

	แบคทีเรียแกรมบวก		แบคทีเรียแกรมลบ	
	กึ่งต้องการออกซิเจน	ไม่ต้องการออกซิเจน	กึ่งต้องการออกซิเจน	ไม่ต้องการออกซิเจน
แบคทีเรียรูปกลม	<i>Streptococcus</i> sp. - <i>S. mutans</i> - <i>S. sanguis</i> - <i>S. salivarius</i> - <i>S. milleri</i> - <i>S. mitis</i> <i>Micrococcus</i> sp.	<i>Peptostreptococcus</i> sp. <i>Peptococcus</i> sp. <i>Streptococcus</i> sp.	<i>Neisseria</i> sp. <i>Branhamella</i> sp.	<i>Veillonella</i> sp. - <i>V. alcalescens</i> - <i>V. atypical</i> - <i>V. parvula</i>
แบคทีเรียรูปแท่ง	<i>Actinomyces</i> sp. - <i>A. naeslundii</i> - <i>A. viscosus</i> <i>Bacterionema</i> sp. <i>Rothia</i> sp. <i>Nocardia</i> sp. <i>Lactobacillus</i> sp. - <i>L. acidophilus</i> - <i>L. casei</i> - <i>L. fermentum</i>	<i>Actinomyces</i> sp. - <i>A. israelii</i> - <i>A. odontolyticus</i> <i>Arachnia</i> sp. <i>Eubacterium</i> sp. <i>Propionibacterium</i> sp. <i>Bifidobacterium</i> sp.	<i>Actinomyces</i> sp. - <i>A. actinomyce</i> <i>Temcomitans</i> <i>Capnocytophaga</i> sp. - <i>C. gingivalis</i> - <i>C. ochracea</i> - <i>C. sputigena</i> <i>Eikenella</i> sp. - <i>E. corrodens</i> <i>Haemophilus</i> sp. - <i>H. segnis</i>	<i>Bacteroides</i> sp. - <i>B. gingivalis</i> - <i>B. intermedius</i> - <i>B. forsythus</i> - <i>B.</i> <i>melaninogenicus</i> - <i>B. loescheii</i> - <i>B. denticola</i> - <i>B. corporis</i> <i>Fusobacterium</i> sp. <i>Leptotrichia</i> sp. <i>Campylobacter</i> sp. <i>Selenomonas</i> sp. <i>Wolinella</i> sp.
สไปโรชีตและจุลินทรีย์อื่นๆ	<i>Treponema</i> sp. - <i>T. vincentii</i> - <i>T. denticola</i> - <i>T. socranskii</i>	<i>Mycoplasma</i> sp.	<i>Candida</i> sp. - <i>C. albicans</i>	<i>Entamoeba</i> sp. <i>Trichomonas</i> sp.

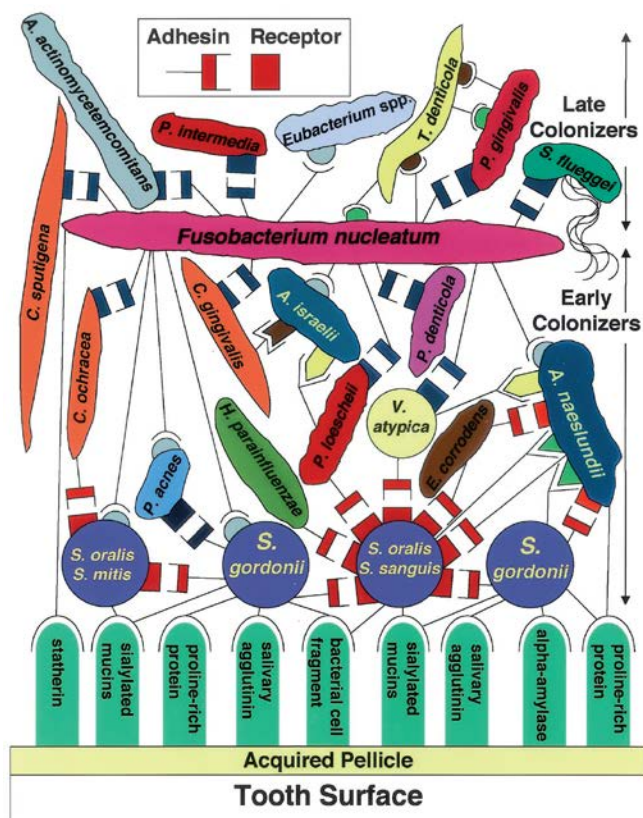
ปกติในช่องปากจุลินทรีย์จะอยู่ร่วมกันอย่างสมดุล แต่เมื่อเกิดปัจจัยที่มีผลต่อการเปลี่ยนแปลงของจุลินทรีย์ เช่น การรับประทานคาร์โบไฮเดรตโดยเฉพาะน้ำตาลซูโครส น้ำตาลจะถูกย่อยสลายเกิดภาวะกรดทำให้ยับยั้งแบคทีเรียส่วนใหญ่ แต่แบคทีเรียทนกรด เช่น *Streptococci* และ *Lactobacilli* สามารถเจริญเติบโตและสร้างกลูแคนในการยึดเกาะ เกิดเป็นคราบจุลินทรีย์ และทำให้เกิดโรคฟันผุ

จุลินทรีย์ที่สำคัญที่พบได้บ่อยในรอยโรคฟันผุ คือ *mutan streptococci* ซึ่งประกอบด้วย *S. mutans* *S. sobrinus* *S. crecetus* และ *S. rattus* โดยจุลินทรีย์ที่พบมากที่สุดในการคราบจุลินทรีย์ของมนุษย์คือ *S. mutans* รองลงมาคือ *S. sobrinus* จึงสรุปได้ว่าทั้งสองสายพันธุ์มีความสำคัญต่อการก่อโรคฟันผุในมนุษย์ ทั้งนี้ Yoo และคณะ (2005) พบว่า *S. downei* ที่อยู่ในคราบจุลินทรีย์ของลิง (*Macaca fascicularis*) สามารถแยกได้จากคราบจุลินทรีย์ในช่องปากของคนเช่นเดียวกัน

### 2.3 คราบจุลินทรีย์

จากการศึกษาของ Ritz (1967) พบว่า *Streptococci* สามารถตรวจพบตลอดระยะเวลาการสร้างคราบจุลินทรีย์ แต่ *Neisseriae* และ *Nocardia* เป็นจุลินทรีย์ที่ใช้ออกซิเจนในการเจริญเติบโตกลับพบได้เพียงช่วงแรก ต่อมาพบ *Fusobacterium* *Corynebacterium* และ *Veillonella* ที่เป็นจุลินทรีย์ไม่ใช้หรือกึ่งใช้ออกซิเจนในการเจริญเติบโต แสดงว่าตลอดการสร้างคราบจุลินทรีย์มีการเปลี่ยนกลุ่มของจุลินทรีย์จากสภาวะแวดล้อมที่เปลี่ยนไป และความหนาของคราบจุลินทรีย์ทำให้เกิดภาวะที่เหมาะสมกับจุลินทรีย์ที่ไม่ใช้ออกซิเจน

การสร้างคราบจุลินทรีย์เริ่มจากแบคทีเรียกลุ่มแรก (initial colonizer) เข้ายึดเกาะกับ acquired pellicle และพบแบคทีเรียในกลุ่มที่สอง (late colonizer) เข้ายึดเกาะกับจุลินทรีย์กลุ่มแรก ส่วน *Fusobacterium nucleatum* พบในระยะเวลาต่อมาของทั้งสองกลุ่ม นอกจากนี้แบคทีเรียในทั้งสองกลุ่ม เช่น *S. gordonii* *S. mutans* และ *S. sobrinus* ยังมีการสร้างพอลิแซ็กคาไรด์นอกเซลล์ เช่น กลูแคน (glucan) เพื่อช่วยในการยึดเกาะกันแน่นโดยไม่ผันกลับด้วย (Kolenbrader, 2002) ดังรูปที่ 2.2



รูปที่ 2.2 ภาพแสดงรูปแบบของการเกาะกลุ่มกันของจุลินทรีย์ในช่องปาก โดยแสดงบริเวณจดจำที่ใช้ในการเกาะติดกับ acquired pellicle กับ initial colonizers และแสดงการยึดเกาะระหว่าง initial colonizers กับ late colonizers โดยมี fusobacteria เชื่อมโยง (Kolenbrader, 2002)

## 2.4 ความสัมพันธ์ของการเกิดคราบจุลินทรีย์กับ Mutans Streptococci

Mutans Streptococci มีเอนไซม์กลูโคซิลทรานสเฟอเรส (glucosyltransferases: GTFs) ที่หลั่งออกมาออกเซลล์ทำให้เกิดการสังเคราะห์ไกลแคนจากน้ำตาลซูโครส โดยเอนไซม์สามารถสร้างกลูแคนที่ไม่ละลายน้ำที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ หรือเรียกว่ามิวแทน (mutan) สร้างกลูแคนชนิดที่ละลายน้ำและไม่ละลายน้ำที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และ 1,6 และสร้างกลูแคนชนิดที่ละลายน้ำที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนใหญ่ หรือเรียกว่าเดกซ์แทรน (dextran) (Mitsue และคณะ, 2004) กลูแคนที่มีความเหนียวหนืดนี้จะเป็นที่ยึดเกาะของจุลินทรีย์บนผิวเคลือบฟัน นอกจากนี้ยังมีเอนไซม์ฟรุคโตซิลทรานสเฟอเรส (fructosyltransferase: FTF) ที่สลายน้ำตาลซูโครสแล้วเปลี่ยนเป็นพอลิเมอร์ที่เรียกว่าฟรุคแตนส์ แต่การยึดเกาะของ *S. mutans* และ *S. sobrinus* ขึ้นกับกลูแคนมากกว่าฟรุคแตนส์ (Rozen, 2001) และเป็นการยึดเกาะแบบไม่ผันกลับที่ต้องอาศัยซูโครส โดยเดกซ์แทรนมีบทบาทในการยึดเกาะเช่นเดียวกับมิวแทน เนื่องจากเมื่อสลายเดกซ์แทรนด้วยเดกซ์แทรนเนสที่สามารถย่อยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ก่อน แล้วทำปฏิกิริยากับ *S. mutans* มีผลให้ *S. mutans* ยึดเกาะพื้นผิวลดลง



## 2.5 คราบจุลินทรีย์และการเกิดโรคฟันผุ

แบคทีเรียที่มีความสำคัญในการก่อโรคฟันผุในมนุษย์มีคุณสมบัติสำคัญดังนี้

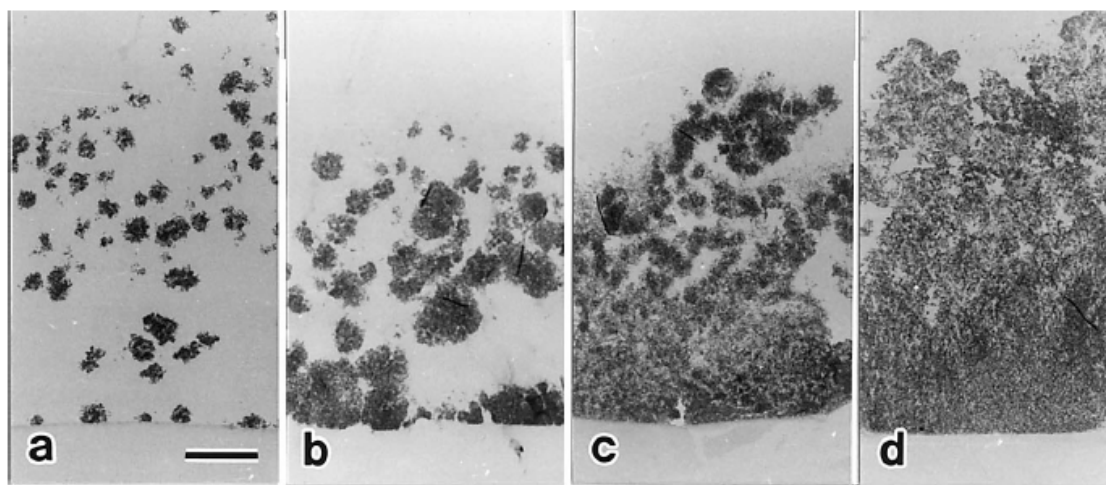
### 2.5.1 ความสามารถในการยึดเกาะกับผิวเคลือบฟัน

การยึดเกาะสามารถเกิดขึ้นได้ในสภาวะที่มีและไม่มีน้ำตาลซูโครส ซึ่งในสภาวะที่ไม่มีน้ำตาลซูโครสนั้น แบคทีเรียจะมีการยึดเหนี่ยวระหว่างผิวเคลือบฟันไม่แน่นหนาทำให้เกิดการผ่นกลับได้จึงหลุดจากผิวเคลือบฟันได้ง่าย อีกทั้งยังมีการสร้างกรดและพอลิแซ็กคาไรด์ภายในเซลล์ ที่เป็นสารอาหารสำรองยามที่เซลล์ขาดแคลนอาหารไม่มาก แต่ในสภาวะที่มีน้ำตาลซูโครสนั้นจะเกิดการย่อยสลายน้ำตาลซูโครสได้สารหลายชนิด เช่น พอลิแซ็กคาไรด์ภายในเซลล์ (intracellular polysaccharide) พอลิแซ็กคาไรด์ภายนอกเซลล์ (extracellular polysaccharide) กรดอินทรีย์ และพลังงาน โดยพอลิแซ็กคาไรด์ภายนอกเซลล์ เช่น เดกซ์แทรน มีลักษณะเหนียวหนืด จึงช่วยในการยึดเกาะกับผิวเคลือบฟันและช่วยส่งเสริมการเกาะติดกับแบคทีเรียชนิดอื่นที่ไม่สามารถสร้างพอลิเมอร์ภายนอกเซลล์ได้ เกิดเป็นคราบจุลินทรีย์ที่มีความแข็งแรงและห่อหุ้มแบคทีเรียที่หลากหลายไว้ด้วยกัน จนเกิดเป็นสังคมของจุลินทรีย์ (สิทธิชัย ขุนทองแก้ว, 2552)

### 2.5.2 ความสามารถในการสร้างกรดและการทนกรด

แบคทีเรียในช่องปากต้องมีการปรับตัวให้เหมาะสมกับการเปลี่ยนแปลงของระดับน้ำตาลรอบๆ ตัวจากการรับประทานอาหาร เครื่องดื่ม โดยผ่านกระบวนการนำน้ำตาลเข้าสู่เซลล์เพื่อความอยู่รอด ดังนั้นจึงมีความสามารถในการนำน้ำตาลเข้าสู่เซลล์ได้ในภาวะที่มีปริมาณน้ำตาลต่ำหรือสูง จึงอยู่รอดและเจริญได้ดีกว่าแบคทีเรียอื่นๆ น้ำตาลจะถูกสลายได้พลังงานและกรด กรดนี้จะเข้าทำลายผิวเคลือบฟันโดยตรงและส่งผลให้บริเวณรอบเซลล์มีความเป็นกรดเพิ่มขึ้น ทำให้สภาพโดยรวมในช่องปากมีค่าความเป็นกรด-เบสที่ต่ำกว่าค่าความเป็นกรด-เบสวิกฤติ (critical pH) และส่งเสริมการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์ทนกรด (สิทธิชัย ขุนทองแก้ว, 2552)

จากการศึกษาของ Hashizume และคณะ (2002) พบว่าการสร้างคราบจุลินทรีย์นอกร่างกาย (*in vitro*) ของ *S. mutans* ทำให้ความเป็นกรด-เบสลดลงจาก 7 เป็น 4 ตั้งแต่วันแรกและคงความเป็นกรดตลอด 7 วันของการทดลอง อีกทั้งยังเกิดการเกาะกลุ่ม เพิ่มจำนวนของจุลินทรีย์ตลอดระยะเวลาที่สัมผัสกับผิวเคลือบฟันจำลอง ดังรูปที่ 2.3



รูปที่ 2.3 ภาพจากกล้องจุลทรรศน์แบบใช้แสง (light micrographs) แสดงการยึดเกาะกันของ *S. mutans* บนผิวเคลือบฟันในแต่ละวันของการทดลองดังนี้ (a) วันที่ 1 (b) วันที่ 2 (c) วันที่ 4 และ (d) วันที่ 7 (Hashizume และคณะ, 2002)

## 2.6 โรคฟันผุ

จากผลการสำรวจสภาวะทันตสุขภาพแห่งชาติครั้งที่ 6 พ.ศ. 2549-2550 (กรมอนามัย, 2551) พบว่า โรคฟันผุมีแนวโน้มที่ดีขึ้นหากเทียบกับการสำรวจในอดีต แต่ในเด็กก่อนวัยเรียน วัยเรียนและเยาวชนยังพบภาวะการเกิดโรคฟันผุอยู่ ในขณะที่วัยทำงานและผู้สูงอายุมีปัญหาการสูญเสียฟันจากโรคปริทันต์ ซึ่งทั้งโรคฟันผุและโรคปริทันต์ล้วนมีสาเหตุจากคราบจุลินทรีย์ทั้งสิ้น แต่ในที่นี้ขอกล่าวถึงเพียงโรคฟันผุเท่านั้น

การเกิดโรคฟันผุเกิดจากหลายปัจจัยรวมกัน อย่างเช่น แบคทีเรียที่ทำให้เกิดคราบจุลินทรีย์ คาร์โบไฮเดรตจากอาหาร และส่วนของความไวรับของฟัน (susceptible teeth) เนื่องจาก Mutans Streptococci เช่น *S. mutans* *S. sobrinus* สร้างกลูแคนที่มีลักษณะเหนียวหนืดยึดติดกับเคลือบฟันทำให้เกิดการยึดเกาะของจุลินทรีย์อื่นๆจนเป็นสังคมจุลินทรีย์ที่สามารถเมแทบอลิซึมคาร์โบไฮเดรตจากอาหารแล้วเกิดกรด ส่งผลให้ค่าความเป็นกรด-เบสลดต่ำลงจนเกินจุดวิกฤติ ทำให้เกิดการสลายแร่ธาตุจากเคลือบฟัน แม้ว่าระบบบัฟเฟอร์จะทำงานให้ค่าความเป็นกรด-เบสกลับสู่ค่าปกติและร่างกายเกิดการซ่อมแซมโดยการคืนกลับแร่ธาตุในเวลาต่อมา (Tanzer, 1989 และ Houte, 1994) แต่ถ้าไม่รักษาสุขภาพช่องปาก มีการบริโภคคาร์โบไฮเดรตบ่อยครั้ง เกิดกรดทำลายผิวเคลือบฟัน เกิดภาวะที่เหมาะสมกับแบคทีเรียที่ก่อโรคฟันผุ มีคราบจุลินทรีย์คอยป้องกันจากภาวะที่ไม่เหมาะสมแล้ว โรคฟันผุย่อมเกิดขึ้นตามมาอย่างแน่นอน

โดยฟันผุในระยะแรกจะเห็นเป็นรอยโรคฟันผุสีขาว (white spot) (รูปที่ 2.4) หากมีการลุกลามของโรคจะเกิดอาการเสียวฟัน ปวดฟัน เกิดเป็นโพรงและสูญเสียฟันในที่สุด แต่ถ้าสามารถหยุดปัจจัยที่ทำให้เกิดฟันผุได้ตั้งแต่ระยะแรกก็จะไม่เกิดอาการลุกลามแต่จะทำให้เกิดเป็นรอยโรคสีน้ำตาล (brown spot) แทน (สิทธิชัย ชุนทองแก้ว, 2552)



**รูปที่ 2.4** ภาพบนแสดงการย้อมสีคราบจุลินทรีย์ของฟัน ภาพล่างแสดงฟันตัดที่ชุดคราบจุลินทรีย์ออก แสดงให้เห็นจุดขาวช่บนฟัน (white spot) ในขณะที่ฟันซี่อื่นยังคงมีคราบจุลินทรีย์ (Edwina, 2005)

## 2.7 การป้องกันฟันผุ

### 2.7.1 การใช้วิธีทางกายภาพ

การทำความสะอาดฟันโดยการแปรงฟันนั้นช่วยกำจัดคราบจุลินทรีย์ได้ แต่เนื่องจากพฤติกรรมในการทำความสะอาดฟันของคนแต่ละคนไม่เท่ากัน อาจยังมีคราบจุลินทรีย์ที่ซึ่งยากแก่การมองเห็นด้วยตาเปล่าหลงเหลืออยู่ ดังนั้นจึงอาจใช้สีย้อมคราบจุลินทรีย์ เช่น ปองโซ 4 อาร์ เป็นตัวบ่งชี้ความสะอาดหลังการแปรงฟันเพื่อเสริมประสิทธิภาพในการดูแลอนามัยช่องปาก (เกศสุดา เงินประเสริฐ, 2538)

### 2.7.2 การเคลือบฟันและร่องฟัน (Fissure sealant)

การใช้วัสดุที่สามารถยึดเกาะกับผิวฟันและแข็งตัวได้ เคลือบบริเวณหลุมหรือร่องฟันที่ยากแก่การทำความสะอาด เพื่อไม่ให้จุลินทรีย์เข้ามาอาศัยอยู่ในร่องฟันแล้วทำให้เกิดฟันผุได้ง่าย แต่ปัญหาที่ตามมาคือ การเกิดโรคฟันผุซ้ำจากบริเวณเคลือบที่มีรอยโรคอยู่แล้ว วัสดุเคลือบติดร่องฟันได้ไม่นาน วัสดุเคลือบฟันถูกทำลายด้วยกรดจากจุลินทรีย์ ทำให้จุลินทรีย์สามารถแทรกตัวเข้าไปทำลายเนื้อฟันได้เช่นเดิม (Silverstone, 1974)

### 2.7.3 การใช้สารประกอบเรซิน (resin composite)

Imazato (1995) ศึกษาการตรึงโมโนเมอร์ของ methacryloyloxododecylpyridinium bromide (MDPB) ให้อยู่ในรูปพอลิเมอร์ที่ละลายน้ำได้และไม่ละลายน้ำในสารประกอบเรซิน หลังจากการทำให้เรซินแข็งตัว พบว่า กิจกรรม (activity) จะลดลงกว่าเดิม แต่ยังคงมีประสิทธิภาพในการควบคุมและยับยั้งกลุ่มเสต็บโตคอกคัสในช่องปาก (oral streptococcus) ได้มากกว่าโมโนเมอร์ที่ไม่สามารถยับยั้งจุลินทรีย์ได้หลังจากการทำให้เรซินแข็งตัว

Imazato และคณะ (2003) พบว่า เรซินผสม MDPB ที่ยังไม่แข็งตัวในสถานะที่ไม่มีน้ำละลายสามารถยับยั้งการเจริญของ *S. mutans* ได้อย่างสมบูรณ์ และในสถานะที่มีน้ำละลาย สามารถยับยั้งได้มากกว่าร้อยละ 99.9 และมีแบคทีเรียมายึดเกาะน้อยกว่าที่ผสม MDPB

### 2.7.4 การใช้ฟลูออไรด์ (Fluoride)

ฟลูออไรด์ช่วยป้องกันฟันผุ เพราะฟลูออไรด์มีขนาดเล็กกว่าไฮดรอกซิล แต่มีประจุลบเหมือนกันจึงแทนที่กันได้ในธรรมชาติ ทำให้ผลึกมีขนาดเล็กลงและมีความเสถียรมากขึ้น การละลายของผลึกลดลงจึงช่วยลดการทำลายเคลือบฟันได้ (Robinson และคณะ, 2000) หรือฟลูออไรด์ร่วมกับผลึกกลายเป็นฟลูออโรอะปาไทต์ที่ทนการละลายจากกรดกว่าเดิม และฟลูออไรด์ยังยับยั้งเมแทบอลิซึมของจุลินทรีย์ได้ทำให้ไม่เกิดกรด ดังนั้น การใช้ฟลูออไรด์จึงเป็นอีกทางหนึ่งในการป้องกันโรคฟันผุ

จากการศึกษาของขวัญชนก รัตนอุบล (2542) พบว่ายาสีฟันผสมฟลูออไรด์ 1,000 ส่วนในล้านส่วน มีผลต่อการเพิ่มความแข็งแรงของผิวฟันนั้นมากกว่ายาสีฟันผสมฟลูออไรด์ 500 ส่วนในล้านส่วน แต่การได้รับฟลูออไรด์มากเกินไปอาจเกิดความเป็นพิษของกระดูก เกิดโรคฟันตกกระ เกิดความผิดปกติของระบบทางเดินอาหาร

จากการศึกษาของกฤษณ์ชัย เบศรภิญโญวงศ์ (2544) พบว่า การทดลองในเซลล์โพรงฟัน ฟลูออไรด์จะยับยั้งการสร้างเส้นใยคอลลาเจน ลดระดับเอนไซม์อัลคาไลน์ฟอสฟาเตส และลดการเจริญของเซลล์ด้วย

#### 2.7.5 การใช้น้ำตาลเทียม (Artificial sweetener)

การใช้สารให้ความหวานอื่น เช่น น้ำตาลไซลิทอล น้ำตาลแมนนิทอล น้ำตาลซอร์บิทอล แทนน้ำตาลโมโนแซคคาไรด์หรือไดแซคคาไรด์ ทำให้จุลินทรีย์ที่ก่อให้เกิดโรคฟันผุไม่สามารถเมแทบอลิซึมน้ำตาลเทียม จึงไม่เกิดการรบกวนทำลายเคลือบฟัน (Ly และคณะ, 2006)

#### 2.7.6 การใช้ยาปฏิชีวนะและสารต่อต้านเชื้อจุลินทรีย์ (Antibiotic and anti-microbial agent)

ยาปฏิชีวนะมีผลยับยั้งจุลินทรีย์จึงใช้ผสมในผลิตภัณฑ์เพื่อป้องกันฟันผุ แต่เนื่องจากอำนาจของยาปฏิชีวนะไม่สามารถจำกัดการฆ่าเฉพาะจุลินทรีย์ที่ทำให้เกิดโรคฟันผุ รวมถึงมีผลให้เชื้อเกิดการดื้อยา เชื้อประจำถิ่นลดลงทำให้เชื้อฉวยโอกาสเจริญเพิ่มมากขึ้น วิธีนี้จึงไม่นิยมใช้เท่าที่ควร (Berg และคณะ, 2001)

#### 2.7.7 การใช้วัคซีนป้องกันโรคฟันผุ (Dental caries vaccine)

การผลิตวัคซีนเกิดจากมีส่วนประกอบที่ทำหน้าที่ตอบสนองต่อภูมิคุ้มกัน (components for immune response) จึงนำมาใช้เพื่อป้องกันฟันผุ จากการศึกษาของ Niu และคณะ (2009) ได้เพิ่มจำนวนชิ้นส่วน *cat* (*cat* fragment) จากจุลินทรีย์ *S. sobrinus* OMZ176 *gtf-1* โคลนในพลาสมิดแล้วนำไปกระตุ้นภูมิคุ้มกันเพื่อสร้างวัคซีน เมื่อทดลองในหนูทดลองสามารถเหนี่ยวนำให้เกิดแอนติบอดีในน้ำลาย (salivary SIgA antibody) จึงยับยั้งการติดเชื้อจากจุลินทรีย์ *S. mutans* และ *S. sobrinus* ที่ก่อให้เกิดโรคฟันผุ และการให้วัคซีนทางผิวหนังมีประสิทธิภาพมากกว่าทางจมูก

### 2.7.8 การลดการเกาะติดของจุลินทรีย์กับผิวฟัน

การลดปัจจัยการเกาะติดของจุลินทรีย์ที่ผิวฟันจะลดโอกาสเกิดฟันผุได้ มีการศึกษาดังนี้

Xiao และคณะ (2007) พบว่า สารสกัดจากรวงผึ้ง (*Nidus Vespae*) สามารถยับยั้งการเกาะติดของ *S. mutans* ATCC 25175 บนแผ่นไฮดรอกซีอะพาไทต์ที่เคลือบน้ำตาล เนื่องจากมีการยับยั้งการสร้างเอนไซม์กลูโคซิลทรานสเฟอเรสที่หลั่งออกมาออกเซลล์ (extracellular glucosyltransferase)

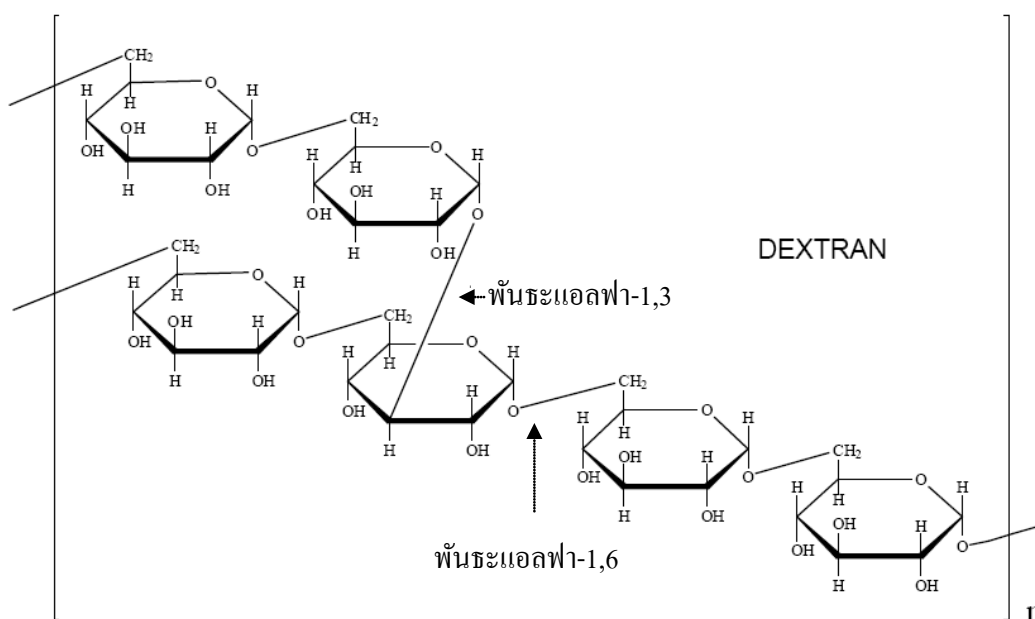
Li และคณะ (2009) พบว่า methacryloxyethylcetylmdimethyl-nammonium chloride (DMAE-CB) ซึ่งเป็นโมโนเมอร์ที่มีประจุลบในสารยึดติดฟัน ช่วยลดการทำงานของยีน *gtfB* และ *gtfC* ของ *S. mutans* ที่เกี่ยวกับการสร้างเอนไซม์กลูโคซิลทรานสเฟอเรส และลดการสะสมคราบจุลินทรีย์บนพื้นผิว

Lang และคณะ (2010) พบว่า *L. paracasic* และ *L. rhamnosus* เป็นจุลินทรีย์ในกลุ่มแลคโตบาซิลัสที่ทำหน้าที่เป็นโพรไบโอติก สามารถจับกลุ่มร่วมกันอย่างจำเพาะ (specifically co-aggregate) กับมีวแทนสเตรปโตคอคไค (*mutans streptococci*) โดยไม่ทำอันตรกิริยากับจุลินทรีย์อื่นในช่องปาก ดังนั้น *mutans streptococci* ที่ล่องลอยในน้ำลายจะถูกจับโดยจุลินทรีย์ในกลุ่มแลคโตบาซิลัสและถูกกำจัดด้วยกระบวนการของร่างกาย เช่น การกลืนน้ำลาย ทำให้ลดแบคทีเรียที่สร้างคราบจุลินทรีย์ได้

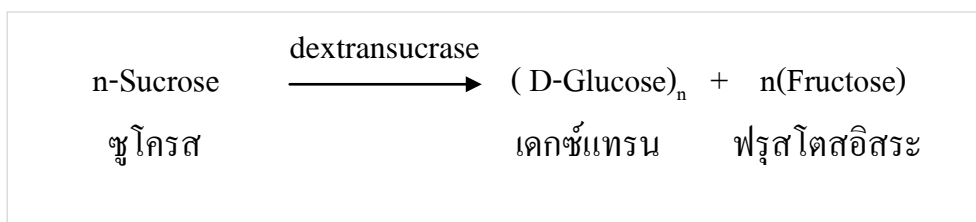
Hamada และคณะ (1976) ได้ทดลองผสมเดกซ์แทรนเนสความเข้มข้น 10 หน่วยต่อกรัมในน้ำให้หนูทดลองดื่ม พบว่า สามารถยับยั้งการพัฒนาของโรคฟันผุจาก *S. mutans* ได้อย่างมีนัยสำคัญ โดยเดกซ์แทรนเนสช่วยยับยั้งการเกาะติดบริเวณผิวเรียบของฟันและทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงภายในคราบจุลินทรีย์ อีกทั้งเอนไซม์นี้ไม่มีความเป็นพิษกับหนูด้วย และจากการศึกษาของ Simonson และ Jackola (1979) พบว่าเดกซ์แทรนเนสจากรา (*Fusarium dextranase*) สามารถรบกวนการเกาะติดของ *S. mutans* บนแผ่นไฮดรอกซีอะพาไทต์ (hydroxyapatite disk) ทั้งระยะแรกของการเกาะติดและระยะที่มีการสะสมกลูแคนของคราบจุลินทรีย์ จึงนับเป็นอีกแนวทางหนึ่งในการใช้เอนไซม์เดกซ์แทรนเนสในการยับยั้งการเกาะติดของเชื้อก่อโรคฟันผุและยับยั้งการสร้างคราบจุลินทรีย์

## 2.8 เดกซ์แทรน (dextran)

เดกซ์แทรนที่ผลิตได้จาก *Leuconostoc mesenteroides* B-512FMCM มีมวลโมเลกุลมากกว่า  $10^6$  ดาลตัน (Kim และคณะ, 2003) ประกอบด้วยหน่วยย่อยของน้ำตาลดี-กลูโคส ซึ่งต่อกันเป็นพอลิเมอร์ด้วยพันธะไกลโคซิดิก  $\alpha$ -1,6 เป็นสายหลักและมีกิ่งสาขาที่ต่อกันด้วยพันธะไกลโคซิดิก  $\alpha$ -1,2  $\alpha$ -1,3 หรือ  $\alpha$ -1,4 จึงจัดว่าเดกซ์แทรนเป็นไฮโมพอลิแซ็กคาไรด์ (รูปที่ 2.5) เดกซ์แทรนเกิดจากกิจกรรมของเอนไซม์กลูโคซิลทรานสเฟอเรสชนิดดี (GTF-D) หรือเอนไซม์เดกซ์แทรนซูเครส (dextransucrase) ที่เร่งการไฮโดรไลซ์ซูโครสให้เป็นกลูโคสและฟรุคโตสออสระ (รูปที่ 2.6) จากนั้นโมเลกุลกลูโคสเชื่อมต่อกันกลายเป็นพอลิเมอร์ที่มีลักษณะเหนียวหนืด ซึ่งเดกซ์แทรนเป็นกลูแคนที่สามารถละลายน้ำได้ (water soluble dextran) แต่ทั้งนี้ก็ขึ้นกับมวลโมเลกุล ปริมาณกิ่งสาขา ปริมาณของพันธะไกลโคซิดิก  $\alpha$ -1,6 กับ  $\alpha$ -1,3 ถ้ามีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 มากขึ้น การละลายจะลดลงและเมื่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 มากกว่าร้อยละ 43 เดกซ์แทรนจะไม่ละลายน้ำ (water insoluble dextran) (Khalikova และคณะ, 2005)



รูปที่ 2.5 โครงสร้างของเดกซ์แทรน (ที่มา : ดัดแปลงจาก Sigma-Aldrich Co.)



**รูปที่ 2.6** ปฏิกิริยาการเกิดเดกซ์แทรนโดยเอนไซม์เดกซ์แทรนซูเครส

จุลินทรีย์ที่มีความสามารถสร้างเดกซ์แทรนมีทั้งแบคทีเรียและรา เช่น *Leuconostoc sp.*, *Streptococcus sp.*, *Acetobacter capsulatus*, *Lactobacillus sp.* และ *Rhizopus sp.* ซึ่ง *Leuconostoc mesenteroides* มีความสำคัญในการสร้างเดกซ์แทรนที่สุด สามารถนำไปพัฒนาเพื่อใช้ประโยชน์ในด้านต่างๆ เช่น เป็นสารเพิ่มความหนืด (thickening agent) ในการผลิตไอศกรีม ใช้เป็นสารตั้งต้นในการผลิต Sephadex สำหรับใช้ใน gel filtration technique ใช้ในเบียร์บางชนิด เพื่อให้ได้ลักษณะที่มีการรินไหลดี ใช้เป็นอาหารควบคุมน้ำหนักตัว เนื่องจากเดกซ์แทรนเป็นพวกพอลิแซ็กคาไรด์ที่เอนไซม์ในระบบย่อยอาหารไม่สามารถย่อยได้ (ปราณี อ่านเบื่อง, 2547)

เดกซ์แทรนมีประโยชน์ตามที่ได้กล่าวไปแล้ว แต่หากเกิดการสร้างเดกซ์แทรนในบริเวณที่ไม่ต้องการ ก็อาจเกิดปัญหาได้เช่นกัน เนื่องจากลักษณะความเหนียวหนืดของเดกซ์แทรน ประกอบกับสามารถพบจุลินทรีย์ที่สามารถสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนซูเครสได้ทั่วไป ทั้งที่เป็นเชื้อประจำถิ่นหรือเป็นเชื้อปนเปื้อนในบริเวณที่มีน้ำตาลซูโครสเป็นสับสเตรท (substrate) จึงทำให้เกิดปัญหาอย่างมากในอุตสาหกรรมน้ำตาล เช่น ทำให้น้ำอ้อยบูดเปรี้ยว เกิดการอุดตันในเครื่องจักรที่ผลิตน้ำตาล น้ำตาลเกิดเป็นผลึกรูปเข็มทำให้ผลผลิตของน้ำตาลลดลง อุตสาหกรรมอาหารและเครื่องดื่มที่ใช้น้ำตาลเป็นสารให้ความหวานจะเกิดการเน่าเสียได้ เช่น ลูกอม ชอคโกแลต เกิดการตกตะกอนของเครื่องดื่ม (Aquino และ Franco, 2009 ; นิลเนตร อัสวศิริจินดา, 2551) เกิดปัญหาเกี่ยวกับทัศนสาธารณสุขจากการที่เดกซ์แทรนถูกสร้างขึ้นเพื่อช่วยในการยึดเกาะพื้นผิวของฟันของจุลินทรีย์ทำให้เกิดคราบจุลินทรีย์ที่นำไปสู่โรคฟันผุได้

## 2.9 เดกซ์แทรนเนส (dextranase)

เดกซ์แทรนเนสเป็นเอนไซม์ที่มีความจำเพาะที่ต้องอาศัยการชักนำจากเดกซ์แทรน ที่สามารถย่อยสลายพันธะไกลโคไซด์แบบจำเพาะได้ 2 แบบ คือ จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 บนสายของเดกซ์แทรน ( $\alpha$ -1,6-D-glucan-6-glucanohydrolase : E.C. 3.2.1.11) และจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 บนสายของเดกซ์แทรน ( $\alpha$ -1,3-D-glucan-3-glucanohydrolase E.C. 3.2.1.59 )



## 2.9.1 การทำงานของเอนไซม์ในการสลายพันธะได้ 2 แบบ (Khalikova และคณะ, 2005)

### 2.9.1.1 Exo-dextranase

เป็นเอนไซม์ที่แยกย่อยสลายพันธะที่เชื่อมโมเลกุลของกลูโคสจากปลายรีดิวซ์ของสายเดกซ์แทรน เป็นการตัดที่ละโมเลกุลของกลูโคส ผลิตภัณฑ์ที่ได้ คือ บีต้าดีกลูโคส ( $\beta$ -D-glucose) ซึ่งเป็นการเปลี่ยนโครงร่าง (configurayion) จากแอลฟาเป็นบีต้า จุลินทรีย์ที่ผลิตเอนไซม์นี้ได้ คือ *S. mutans* *Arthrobacter globiformis* T6 *Achromobacter* spp, *Bacteroides oralis* IG4a

### 2.9.1.2 Endo-dextranase

เป็นเอนไซม์ที่แยกย่อยสลายพันธะไกลโคไซด์แบบสุ่มภายในสายของเดกซ์แทรน ทำให้ได้พอลิเมอร์ของน้ำตาลกลูโคสสายสั้นๆ ผลิตภัณฑ์ที่ได้ส่วนใหญ่เป็นโอลิโกเมอร์โมโนเมอร์ของกลูโคส เช่น ไอโซมอลโทส ไอโซมอลโทไทรโอส ไอโซมอลโทเททราโอส และได้น้ำตาลดีกลูโคสเป็นส่วนน้อย ทั้งนี้ผลิตภัณฑ์ยังขึ้นกับชนิดของสับสเตรทและแหล่งที่มาของเอนไซม์ จุลินทรีย์ที่ผลิตเอนไซม์นี้มีทั้งรา แบคทีเรียและยีสต์ได้ เช่น *Chaetomium gracile* *Chaetomium erraticum* *Penicillium lilacinum* *Lipomyces stakyi* *S. sobrinus* 6715

เอนไซม์ที่ผลิตจาก *Chaetomium gracile* และ *Chaetomium erraticum* สามารถย่อยสลายพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$  -1,6 บนสายของเดกซ์แทรนแบบสุ่ม จึงนำมาผลิตทางการค้าเพื่อใช้ประโยชน์ในอุตสาหกรรม เช่น โรงงานน้ำตาล จากการศึกษารายงานของ Eggleston และ Monge (2005) พบว่า ในโรงงานน้ำตาลของสหรัฐอเมริกา เอนไซม์สามารถทำงานและรักษากิจกรรม (activity) ได้ที่ความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 5.4-5.8 ทนอุณหภูมิสูงสุดเท่ากับ 50 องศาเซลเซียส แต่กิจกรรมลดลงเมื่อความเข้มข้นของน้ำเชื่อมเท่ากับ 25-30 องศาบrix

2.9.2 จุลินทรีย์ที่สามารถผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสจะย่อยสลายเดกซ์แทรนให้มีขนาดโมเลกุลที่เล็กลงก่อนนำมาใช้เป็นแหล่งพลังงานภายในเซลล์ สามารถพบได้ทั้งรา แบคทีเรีย ยีสต์ และแอคติโนมัยซิส ซึ่งสุหัทยา จิระนันทิพร (2543) ได้สรุปไว้ตามตารางที่ 2.2

ตารางที่ 2.2 จุลินทรีย์ที่สามารถผลิตเดกซ์แทรนเนสได้

จุลินทรีย์	เอกสารอ้างอิง
<b>แบคทีเรีย</b>	
<i>Acromobacter</i> sp.	Sawei และคณะ, 1974; Foxgarty และ Kelly, 1984
<i>Arthrobacter</i> sp.	Kubo และคณะ, 1993
<i>Arthrobacter globiformis</i>	Lwai และคณะ, 1996
<i>Bacillus circulans</i>	Okami และคณะ, 1980; Okami, 1986
<i>Bacillus megaterium</i>	Zevenhuizen, 1968
<i>Bacillus subtilis</i>	Zevenhuizen, 1968
<i>Bacteroides</i> sp.	Staat และคณะ, 1973; Staat และ Schachtele, 1974
<i>Bacteroides melaninogenicus</i>	Holbrook และ Mcmillan, 1977
<i>Bacteroides ochraceus</i>	Schachtele, 1975; Holbrook และ Mcmillan, 1977
<i>Bacteroides oralis</i>	Takahashi, 1982; Wynter และคณะ, 1995
<i>Bacteroides ovatus</i>	Holbrook และ Mcmillan, 1977
<i>Bacteroides thetaiotaomicron</i>	Holbrook และ Mcmillan, 1977
<i>Bifidobacterium</i> sp.	Kaster และ Brown, 1983
<i>Brevibacterium</i> sp.	Yamaguchi และ Gocho, 1983
<i>Brevibacterium fuscum</i>	Sugiura และ Ito, 1975
<i>Brevibacterium fuscum</i> var <i>dextranlyticum</i>	Mizuno และคณะ, 1999
<i>Capnocytophaga ochracea</i>	Igarashi และคณะ, 1998
<i>Capnocytophaga sputigena</i>	Igarashi และคณะ, 1998
<i>Cellovibrio fulva</i>	Forgarty และ Kelly, 1984
<i>Cellovibrio mixtus</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Cytophagus johnsonii</i>	Forgarty และคณะ, 1984
<i>Flavobacterium</i> sp.	Koboyashi และคณะ, 1983
<i>Fusobacterium fusiforme</i>	Costa และคณะ, 1974
<i>Lactobacterium</i> sp.	Staat และคณะ, 1973; Wynter และคณะ, 1995
<i>Prevotella oralis</i>	Igarashi และคณะ, 1998
<i>Prevotella melaninogenica</i>	Igarashi และคณะ, 1998
<i>Prevotella loescheii</i>	Igarashi และคณะ, 1998

ตารางที่ 2.2 (ต่อ)

จุลินทรีย์	เอกสารอ้างอิง
<i>Pseudomonas</i> sp.	Galvez-Mariscal และ Lopez-Munguia, 1991
<i>Pseudomonas mixta</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Streptococcus mitis</i>	Forgarty และคณะ, 1984
<i>Lactobacillus</i> sp.	Staat และคณะ, 1973; Wynter และคณะ, 1995
<i>Prevotella oralis</i>	Lgarashi และคณะ, 1998
<i>Prevotella melaninogenica</i>	Lgarashi และคณะ, 1998
<i>Prevotella loescheii</i>	Lgarashi และคณะ, 1998
<i>Pseudomonas</i> sp.	Galvez-Mariscal และ Lopez-Munguia, 1991
<i>Pseudomonas mixta</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Streptococcus mitis</i>	Forgarty และคณะ, 1984
<i>Streptococcus mutans</i>	Lgarashi และคณะ, 1992
<i>Micrococcus</i> sp. สายพันธุ์ Z-10	ณัฐินี สุวรรณสิงห์, 2533
<b>แอกติโนมัยซีต</b>	
<i>Actinomyces cinemonensis</i>	Schachtele และคณะ, 1975
<i>Streptomyces cinemonensis</i>	Hattori และ Ishibashi, 1981
<b>ยีสต์</b>	
<i>Lipomyces starkei</i>	Webb และ Spencer, 1983; Koenig, 1989
<b>รา</b>	
<i>Aspergillus</i> sp.	Forgarty และ Kelly, 1984
<i>Aspergillus carneus</i>	Fukumoto และคณะ, 1971
<i>Aspergillus luchvasis</i>	Hattori และ Ishibashi, 1981
<i>Aspergillus fumigatus</i>	Hattori และ Ishibashi, 1981
<i>Chetomium gracile</i>	Mizuno และคณะ, 1999
<i>Chetomium indicum</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Chetomium luteum</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Chetomium thermophilum</i> var <i>coprophilum</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Chetomium thermophilum</i> var <i>thermophilum</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Chetomium virescens</i>	Wynter และคณะ, 1995
<i>Fusarium monilliforme</i>	Wynter และคณะ, 1995

## ตารางที่ 2.2 (ต่อ)

จุลินทรีย์	เอกสารอ้างอิง
<i>Gibberella fukuroi</i>	Simonson และ Liberta, 1975 Hattori และ Ishibashi, 1981
<i>Hemicola grisea</i>	Hattori และ Ishibashi, 1981
<i>Paecilomyces lilacinus</i>	Hattori และ Ishibashi, 1981 Charles และ Farrell, 1957
<i>Penicillium aculeatum</i>	Madhu และ Prabhu, 1985
<i>Penicillium funiculosum</i>	Chalet และคณะ, 1970 ; Kosaric และคณะ, 1973
<i>Penicillium lilacinum</i>	Galvez-Mariscal และ Lopez-Munguia, 1991
<i>Penicillium luteum</i>	Fukumoto, 1971
<i>Penicillium minioluteum</i>	Mizuno และคณะ, 1999
<i>Penicillium purpurogenum</i>	Galvez-Mariscal และ Lopez-Munguia, 1991
<i>Penicillium roquefortii</i>	Hattori และ Ishibashi, 1981
<i>Penicillium verruculosum</i>	Whetley และ Moo-Yong, 1977
<i>Spicaria</i> sp.	Yamaguchi และ Gocho, 1973
<i>Spirotichum asteroides</i>	Hattori และ Ishibashi, 1981
<i>Verticellium</i> sp.	Tchuchiya และคณะ, 1952

ที่มา : สุหัตถยา จิระนนทิพร, 2543

### 2.9.3 ประโยชน์ของเดกซ์แทรนเนส

#### 2.9.3.1 ด้านการแพทย์

จากคุณสมบัติของเดกซ์แทรนที่มีความหนืด สามารถเข้ากันได้กับเนื้อเยื่อ (biocompatibility) เกิดการย่อยสลายอย่างช้าๆ (slow biodegradability) และความสามารถรวมตัวกับโมเลกุลได้ในของเหลว (matrix) จึงนำเดกซ์แทรนเนสมาผลิตเดกซ์แทรนให้มีมวลโมเลกุลที่เหมาะสมที่ใช้ทางการแพทย์ได้ (Ko และคณะ, 1991)

2.9.3.1.1 ผลิตเดกซ์แทรนที่มีน้ำหนักโมเลกุลจำเพาะเพื่อรักษาระดับน้ำตาลเลือดของผู้ป่วยที่เสียเลือดมาก หรือ ผู้ป่วยที่เกิดแผลไฟไหม้ แทนการใช้กรดและสารละลายอินทรีย์ (Khalikova และคณะ, 2005)

2.9.3.1.2 การใช้เดกซ์แทรนเนสและเดกซ์แทรนส่งยาไปออกฤทธิ์ที่อวัยวะเป้าหมาย เช่น การรักษา มะเร็งโดยใช้เดกซ์แทรนเป็นตัวห่อหุ้มยาที่เชื่อมต่อกับแอนติบอดีที่จำเพาะต่อแอนติเจนของเซลล์มะเร็งและเดกซ์แทรนเนส แล้วฉีดแอนติบอดีเข้าไปจับที่เซลล์มะเร็ง จากนั้นฉีดเดกซ์แทรนเนสเข้าไปย่อยเดกซ์แทรนเพื่อปลดปล่อยยาออกมาที่เซลล์มะเร็งเป้าหมาย (Hansen, 1998)

2.9.3.1.3 รักษาเยื่อหุ้มหัวใจอักเสบ โดยใช้เดกซ์แทรนเนสย่อยไกลโคคาลิก (glycocalyx) เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพของยาปฏิชีวนะ (Dall และคณะ, 1990)

2.9.3.1.4 ผลิตภัณฑ์โพรไบโอติกโพลิโกแซ็กคาไรด์ (IMOs) ที่เป็นพรีไบโอติก (prebiotic) ที่ร่างกายคนไม่สามารถย่อยได้ แต่จุลินทรีย์ในลำไส้สามารถย่อยได้ ช่วยส่งเสริมการเจริญเติบโตของ Bifidobacteria ในลำไส้ใหญ่ของมนุษย์และสัตว์ ทำให้เกิดสมดุลของเชื้อจุลินทรีย์ในลำไส้เล็กและลำไส้ใหญ่ของคน ซึ่งอาจเพิ่มประสิทธิภาพของเอนไซม์โดยการทำพันธูวิศวกรรมหรือผลิตเดกซ์แทรนเนสตรังรูป (Erhard และ Jordening, 2007 และ Aslan และ Tanriseven, 2007)

### 2.9.3.2 อุตสาหกรรมน้ำตาลทราย

เดกซ์แทรนเนสช่วยลดปัญหาที่เกิดจากการสะสมของเดกซ์แทรนที่ปนเปื้อนในสายการผลิตที่มีผลให้ผลผลิตน้ำตาลลดลง ใช้เวลาและพลังงานในการผลิตมากกว่าเดิม ลดการเกิดผลึกผิดปกติ ซึ่งการใช้เดกซ์แทรนเนสในอุตสาหกรรมยังไม่สามารถใช้ประโยชน์จากกิจกรรมได้เต็มที่ จึงต้องมีการหาสภาวะที่เหมาะสมต่อกิจกรรมของเดกซ์แทรนเนสที่ใช้ในเชิงพาณิชย์ในโรงงานน้ำตาล (Eggleston และ Monge, 2005)

### 2.9.3.3 ด้านทันตสาธารณสุข

โรคฟันผุมีสาเหตุจากการสะสมของคราบจุลินทรีย์บนผิวฟัน เนื่องจากจุลินทรีย์ในช่องปากบางสายพันธุ์มีเอนไซม์เดกซ์แทรนซูเครสเปลี่ยนน้ำตาลซูโครสเป็นเดกซ์แทรนเพื่อยึดเกาะผิวเคลือบฟันกับจุลินทรีย์ในช่องปาก จึงนำเดกซ์แทรนเนสมาใช้ประโยชน์เพื่อกำจัดคราบจุลินทรีย์ หรือลดการยึดเกาะของเชื้อจุลินทรีย์

Murayama และคณะ (1973) พบว่า เดกซ์แทรนเนสจาก *Spicaria violaceae* (IFO 6120) มีคุณสมบัติย่อยสลายคราบจุลินทรีย์และป้องกันการเกิดคราบจุลินทรีย์ในคนได้ดีกว่าเดกซ์แทรนเนสจาก *P. funiculosum*

Hamada และคณะ (1976) พบว่า เดกซ์แทรนเนสสามารถยับยั้งการเกาะติด *S. mutans* บริเวณผิวเรียบของพื้นหนุ่ทดลองและทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงภายในคราบจุลินทรีย์จึงเป็นการยับยั้งฟันผุได้

Simonson และ Jackola (1979) พบว่า เดกซ์แทรนเนสจากรา (*Fusarium dextranase*) ควบคุมการเกาะติดของ *S. mutans* บนแผ่นไฮดรอกซีอะพาไทต์ (hydroxyapatite disk) ตลอดระยะการสร้างคราบจุลินทรีย์

สุวรรณาน นพพรพันธุ์ (2538) ได้พัฒนาเชื้ออ้อยกลายพันธุ์จากการคัดแยก *Penicillium* sp. สายพันธุ์ 61 จากดินของ เอก แสงวิเชียร (2531) โดยใช้แสงอัลตราไวโอเล็ตและ NTG (N-methyl-N'-nitro-N-Nitrosoguanidine) จนคัดเลือกได้เป็น *Penicillium* sp. SMCU-3-14 และปรับปรุงสูตรอาหารจนสามารถผลิตเดกซ์แทรนเนสได้ 600 หน่วยต่อมิลลิลิตร ต่อมาพิมลรัตน์ เต็มจิตต์ภักดี (2549) พบว่า *Penicillium* sp. SMCU-3-14 มีลำดับนิวคลีโอไทด์เหมือนกับ *P. pinophilum* ร้อยละ 100 จึงจำแนกเป็น *P. pinophilum* SMCU 3-14

วิมลน ศิริพัฒนานนท์ (2549) ศึกษาการใช้เดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *Leuconoctoc mesenteroides* 473 เป็นสารชักนำการสร้างเดกซ์แทรนเนสใน *P. pinophilum* SMCU3-14 เมื่อเปรียบเทียบกับการใช้เดกซ์แทรนเชิงพาณิชย์ พบว่า เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตได้มีคุณสมบัติไม่แตกต่างกัน

ณัฐณี สุวรรณสิงห์ (2540) และ Chareonpornwattana และคณะ (2001) พบว่า แบคทีเรียที่แยกได้จากดินในจังหวัดนนทบุรีสามารถผลิตเดกซ์แทรนเนสที่มีแอกทิวิตี 4.08 หน่วยต่อมิลลิลิตร คือ *Arthrobacter* sp. AG-2

นันทิดา วาณิชวงศ์วรรณ (2545) พบว่า เดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 ที่ได้จากการชักนำด้วยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 สามารถย่อยสลายเดกซ์แทรนที่-2000 และเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ได้ผลผลิตเป็นกลูโคส ส่วนเดกซ์แทรนเนสที่ได้จากการชักนำด้วยเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรมสามารถย่อยสลายเดกซ์แทรนที่-2000 ได้ผลผลิตเป็นกลูโคส ไอโซมอลโตส และไอโซมอลโทเททราออส และย่อยสลายเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ได้ผลผลิตเป็นกลูโคสและไอโซมอลโทเททราออส

ณฤดี อัครเสวีเลิศ (2550) ศึกษาความสามารถในการลดการยึดติดของ *S. sobrinus* 6715 บนแบบจำลองฟันเรียบโดยใช้แบคทีเรียที่ผลิตจาก *P. pinophilum* SMCU3-14 และผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยใช้การชักนำจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยการใช้การชักนำจากแบคทีเรียที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 เกรดอุตสาหกรรมที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 และแบคทีเรียที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 มากกว่าชนิด  $\alpha$ -1,6 ผลการศึกษาพบว่า แบคทีเรียที่ผลิตจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยใช้การชักนำจากแบคทีเรียที่ผลิตจาก *S. Sobrinus* 6715 มีประสิทธิภาพในการยับยั้งการเกิดใหม่ของคราบจุลินทรีย์บนแบบจำลองฟันเรียบได้ดีที่สุด ส่วนแบคทีเรียที่ผลิตจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยใช้การชักนำจากแบคทีเรียที่ผลิตจาก *S. Sobrinus* 6715 มีประสิทธิภาพในการยับยั้งการเกิดใหม่ของคราบจุลินทรีย์บนแบบจำลองฟันเรียบได้ดีที่สุด ส่วนแบคทีเรียที่ผลิตจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 โดยใช้การชักนำจากแบคทีเรียที่ผลิตจาก *S. Sobrinus* 6715 มีประสิทธิภาพในการยับยั้งการเกิดใหม่ของคราบจุลินทรีย์บนแบบจำลองฟันเรียบได้ดีที่สุด

## 2.10 โปรตีเอส

โปรตีนเป็นส่วนประกอบหนึ่งของคราบจุลินทรีย์ ดังนั้น การใช้โปรตีเอสย่อยโปรตีนย่อมเป็นอีกหนึ่งวิธีในการลดคราบจุลินทรีย์ได้

โปรตีเอส (protease) มีชื่อสามัญหลายชื่อ ได้แก่ เปปติเดส (peptidase) โปรตีนเนส (proteinase) และโปรตีโอไลติกเอนไซม์ (proteolytic enzymes) เป็นเอนไซม์ที่เร่งปฏิกิริยาการย่อยสลายโปรตีน พบได้ทั้งในพืช สัตว์ และจุลินทรีย์ สามารถแบ่งโปรตีเอสได้ 4 กลุ่ม ตามลักษณะบริเวณเร่งของเอนไซม์ (ปราณี อานเป็เรือง, 2543 และ Enzyme Nomenclature, 1992) คือ

### ก. ซีรีน โปรตีเอส (Serine protease)

โปรตีเอสที่มีอนุมูลซีรีน และหมู่ฮิสติดีนที่บริเวณเร่ง (active site) สามารถย่อยสลายพันธะเพปไทด์อย่างอิสระได้ภายในสายโพลีเพปไทด์ (endopeptidase) สำหรับค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมในการทำงาน คือ 7-11 จึงเรียกได้ว่าเป็นอัลคาไลน์ โปรตีเอส (alkaline protease) และจะถูกยับยั้งโดย DPF (diisopropyl-phospho-fluoridate) ซึ่งจะทำปฏิกิริยากับหมู่ไฮดรอกซิล (OH-) ของอนุมูลซีรีนในบริเวณเร่งของเอนไซม์ ตัวอย่างเอนไซม์ในกลุ่มนี้ได้แก่ ตรีเปปซิน (chymotrypsin family) ตรีเปปซิน (trypsin) อีลาสเทส (elastase)

ข. เมทัลโล โปรตีเอส (Metallo-protease) หรือ โปรตีเอสมีโลหะ (Metal-containing protease)

โปรตีเอสที่มีไอออนของโลหะอยู่ในบริเวณเร่ง หรือร่วมในปฏิกิริยาการย่อยสลาย หรืออยู่ในลักษณะโคแฟกเตอร์ โปรตีเอสกลุ่มนี้เกือบทั้งหมดย่อยสลายพันธะเพปไทด์จากปลายสายของโปรตีน (exopeptidase) อาจเป็นด้านปลายอะมิโน (N-terminal) หรือด้านปลายคาร์บอกซิล (C-terminal) ทั้งนี้ขึ้นกับความจำเพาะของเอนไซม์ สำหรับค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมในการทำงาน คือ 6.5-7.5 จึงเรียกได้ว่าเป็นนิวทรัลโปรตีเอส (neutral protease) และจะถูกยับยั้งโดยสารจับไอออนของโลหะ (metal chelating agents) ตัวอย่างเอนไซม์ในกลุ่มนี้ได้แก่ คาร์บอกซิเพปติเดส เอ (carboxypeptidase A) ที่มีไอออนของสังกะสี ( $Zn^+$ ) อยู่ในบริเวณเร่ง อิมิโนไดเพปติเดส (iminodipeptidase) ต้องการไอออนแมงกานีส ( $Mn^+$ ) ในปฏิกิริยาย่อยสลาย

ค. แอซิด โปรตีเอส (Acid protease) หรือ แอสปาร์ติกโปรตีเอส (aspartic protease) หรือ คาร์บอกซิล โปรตีเอส (carboxyl protease)

โปรตีเอสที่มีหมู่คาร์บอกซิลมากกว่า 1 หมู่ จากอนุกรมกรดแอสปาร์ติกอยู่ในบริเวณเร่ง สำหรับค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมในการทำงาน คือ 2-4 ตัวอย่างเอนไซม์ในกลุ่มนี้ได้แก่ เรนนิน (rennin) เปปซิน (pepsin)

ง. ไทออล โปรตีเอส (Thiol protease) หรือ ซิสเตอีน โปรตีเอส (cysteine protease) หรือ ซัลไฟไฮดริลโปรตีเอส (sulfhydryl protease)

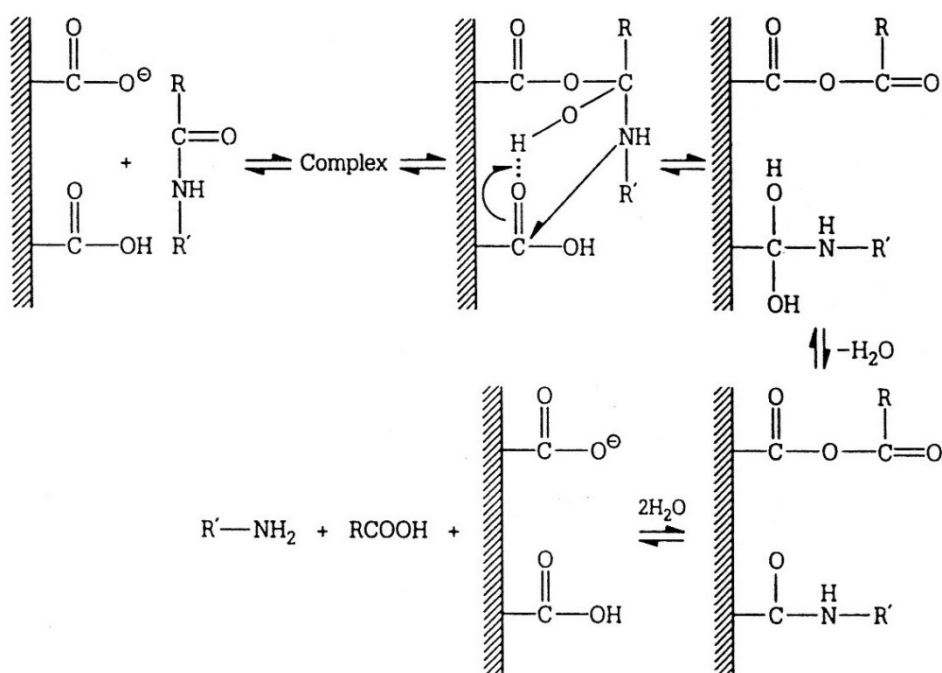
โปรตีเอสที่มีอนุมูลซัลไฟไฮดริลบริเวณเร่ง สามารถย่อยสลายพันธะเพปไทด์อย่างอิสระได้ในสายโพลีเพปไทด์ เป็นนิวทรัลโปรตีเอสทำงานได้ดีที่ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 6.0-7.5 และจะถูกยับยั้งโดยสารจับหมู่ซัลไฟไฮดริล (sulfhydryl reagents) หรือ กลุ่มไทออล (-SH) ตัวอย่างเอนไซม์ในกลุ่มนี้ได้แก่ ฟิซิน (ficin) โบรมิเลน (Bromilian) ปาเปน (papain)

ในที่นี้ จะศึกษาโปรตีเอส 2 ชนิด คือ เปปซิน และปาเปน เนื่องจากเป็นเอนไซม์ที่ใช้ในอุตสาหกรรมอาหาร จึงมีความปลอดภัยต่อการนำมาทดสอบสลายคราบจุลินทรีย์ และอาจนำมาใช้ประโยชน์กับอุปกรณ์ในช่องปากต่อไป



### 2.10.1 เปปซิน (pepsin)

เปปซินพบได้ทั่วไปในน้ำย่อยของสัตว์มีกระดูกสันหลัง มีมวลโมเลกุลเท่ากับ 35,500 มีลักษณะเป็นพอลิเปปไทด์สายเดี่ยว ซึ่งมีกรดอะมิโนจำนวน 321 กรดอะมิโน สำหรับการ ทำปฏิกริยานั้นค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมคือ 2.0 และมีความเสถียรของเอนไซม์ที่ค่า ความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 2.5 กลไกการทำงานปฏิกริยา คือ หมู่คาร์บอกซิล 2 หมู่ที่อยู่บริเวณแรงแข็งของ เปปซิน ทำหน้าที่ในรูปโปรตอนเนต (protonated form) และในรูปไอออนไนซ์ (ionized) กับ สับสเตรท เกิดเป็นสารเชิงซ้อนของเอนไซม์และสับสเตรท (enzyme-substrate complex: ES complex) และสารเชิงซ้อนนี้ถูกหมู่คาร์บอนิลของเอนไซม์เข้าปะทะทำให้ได้อิเล็กตรอนคู่ จากนั้น คาร์บอนิลออกซิเจนของเอนไซม์จึงดึงไฮโดรเจนไอออนออก เกิดเป็นสารอะมิโน-เอสเทิล-เอนไซม์ เข้าทำปฏิกริยากับน้ำได้ผลผลิต 2 หมู่ คือ หมู่อะมิโน ( $R-NH_2$ ) และหมู่คาร์บอกซิล ( $R-COOH$ ) (รูปที่ 2.7) (ปราณี อ่านเปรื่อง, 2547)

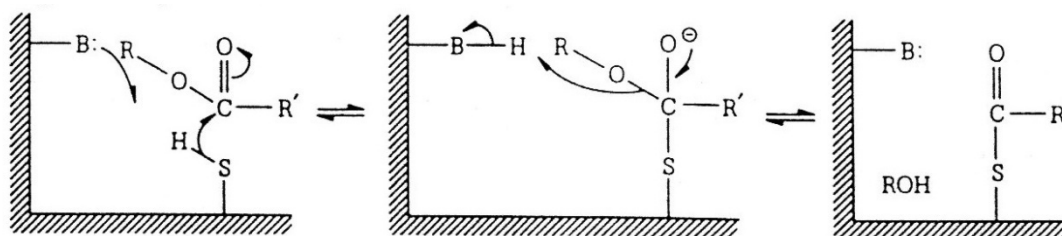


รูปที่ 2.7 กลไกการทำงานของเปปซิน

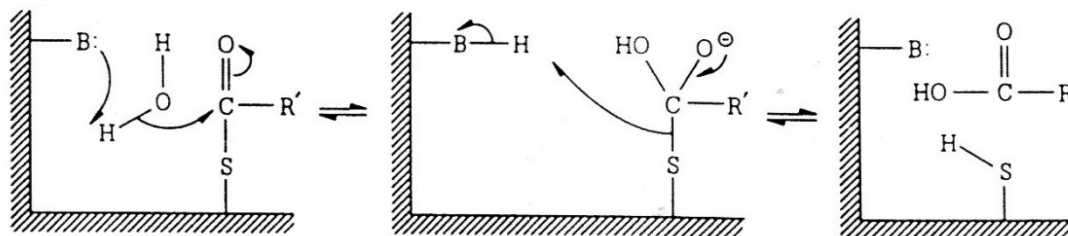
### 2.10.2 ปาเปน (papain)

ปาเปนเป็นเอนไซม์ที่พบในยางมะละกอ มีมวลโมเลกุลเท่ากับ 23,406 มีลักษณะเป็นสายพอลิเปปไทด์สายเดี่ยวเรียงตัวกันของกรดอะมิโนจำนวน 212 ตัว มีพันธะไดซัลไฟด์ 3 พันธะที่เกิดจากการจับกันของกรดอะมิโนซิสเตอีน และยังพบกรดอะมิโนซิสเตอีนหนึ่งตัวที่บริเวณเร่งตำแหน่งที่ 25 ด้วย สำหรับการทำให้ปฏิกิริยานั้นค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมคือช่วง 6.0 - 7.0 และอุณหภูมิที่เหมาะสมคือ 65 องศาเซลเซียส กลไกการทำงานปฏิกิริยาแบ่งเป็น 2 ขั้นตอนคือ ขั้นแรกเกิดปฏิกิริยาเติมหมู่เอซิล (acylation) คือที่บริเวณเร่งของเอนไซม์ปาเปนนั้น หมู่อิมิดาโซลจะดึงไฮโดรเจนออกอนจากหมู่ซัลฟ์ไฮดริลทำให้เอนไซม์เข้าจับกับหมู่คาร์บอนิลของสับสเตรทได้ง่ายและรวดเร็ว เกิดเป็นสารเชิงซ้อนของเอนไซม์และสับสเตรท จากนั้นจึงเกิดการหลุดของอนุมูล R ทำให้เหลือส่วนที่เป็นเอซิลเอนไซม์ (acyl-enzyme) ในรูปของไทออลเอสเทอร์ (thiol ester) แล้วเกิดปฏิกิริยาขั้นที่สองคือปฏิกิริยาสลายหมู่เอซิล (deacylation) คือ หมู่อิมิดาโซลจะแยกไฮโดรเจนออกอนจากโมเลกุลของน้ำทำให้ไฮดรอกไซด์ของน้ำเข้าจับกับหมู่คาร์บอนิลของเอซิลเอนไซม์ทำให้หมู่เอซิลหลุดออก และเอนไซม์กลับสู่ภาวะปกติ (รูปที่ 2.8) (ปราณี อานเบ็ร็อง, 2547 และ Arnon, 1970)

(ก) ปฏิกิริยาเติมหมู่เอซิล (acylation)



(ข) ปฏิกิริยาสลายหมู่เอซิล (deacylation)



รูปที่ 2.8 กลไกการทำงานของปาเปน

2.10.2.1 ประโยชน์ของปาเปน (ทวีศักดิ์ วุฒิเวียงธรรม, 2536 และสันศณี จงจิตสำราญ, 2538)

2.10.2.1.1 อุตสาหกรรมเบียร์ เต็มปาเปนในกระบวนการย่อยสลายเพื่อย่อยโปรตีนจากวัตถุดิบในการผลิตเบียร์ เช่น ข้าวบาร์เลย์และมอลท์ และทำให้เบียร์ใสเมื่อเก็บที่อุณหภูมิต่ำหรือเก็บเป็นระยะเวลาสั้น โดยปาเปนช่วยย่อยโปรตีนในเบียร์ทำให้ไม่ให้เกิดเป็นสารประกอบเชิงซ้อนระหว่างโปรตีนและสารประกอบฟีนอล (polyphenolic compounds) ที่เป็นตะกอนจนทำให้เบียร์ขุ่น

2.10.2.1.2 อุตสาหกรรมเนื้อสัตว์และปลา ปาเปนช่วยย่อยโปรตีนในเนื้อสัตว์ที่มีลักษณะเป็นเส้นใยและเนื้อเยื่อเกี่ยวพัน ทำให้เนื้อสัตว์นุ่มขึ้นเมื่อนำมาประกอบอาหาร ใช้ในการหมักน้ำปลาเพื่อลดระยะเวลาในการหมักและลดปริมาณปลาที่ใช้

2.10.2.1.3 อุตสาหกรรมเวชภัณฑ์ ยา และประโยชน์ทางการแพทย์ ใช้ปาเปนเป็นองค์ประกอบของยาที่ช่วยย่อยอาหาร รักษาแผลติดเชื้ ทำให้เลือดแข็งตัว ฆ่าพยาธิในลำไส้ เป็นส่วนผสมในน้ำยาคอนแทคเลนส์ เป็นส่วนผสมของยาสีฟัน เป็นต้น

2.10.2.1.4 อุตสาหกรรมฟอกหนัง ปาเปนช่วยให้หนังเรียบและนุ่ม

2.10.2.1.5 อุตสาหกรรมทอผ้า ปาเปนไม่ส่งผลกระทบต่อโปรตีนในเส้นไหม จึงใช้ฟอกไหมให้หมดเมือก และยังทำให้ไหมไม่หดย่น

2.10.2.1.6 อุตสาหกรรมอาหารสัตว์ ผสมปาเปนในอาหารสัตว์ เพื่อเป็นสารเสริมอาหาร

Pitts และคณะ (2003) พบว่า โปรตีเอสความเข้มข้น 2 กรัมต่อลิตร สามารถลดคราบจุลินทรีย์ที่สร้างจาก *P. aeruginosa* ในไมโครไทดเตอร์เพลต ได้ร้อยละ  $60.70 \pm 4.6$

Leroy และคณะ (2008) พบว่า ปาเปนความเข้มข้น  $184.8 \pm 32.4$  มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร สามารถลดการเกาะติดของแบคทีเรีย *Pseudoalteromonas* sp. D41 ในไมโครไทดเตอร์เพลต ภายใน 3 ชั่วโมง

Molobela และคณะ (2010) พบว่า โปรตีเอส 2 ชนิด คือ Savinase และ Everlase ที่ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร บ่มที่ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง สามารถสลายคราบจุลินทรีย์ที่ผลิตจาก *P. fluorescens* บนไมโครไทดเตอร์เพลตได้มากกว่าร้อยละ 80

## 2.11 สารฟู่ หรือ เม็ดฟู่

สารฟู่ทำความสะอาดพื้นปloomจะมีตัวยาสำคัญ (โสภิต บุษยจารุ และคณะ, 2538 และ Andrew, 1984) คือ

- 1) bleaching agent เช่น โซเดียมเปอร์โบเรต (Sodium perborate)
- 2) สารให้ฟองฟู่ประกอบด้วยกรดซิตริก (Citric acid) และโซเดียมไบคาร์บอเนต (Sodium bicarbonate) ที่จะทำปฏิกิริยาเคมีกันเกิดฟองก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ ที่ช่วยในการแตกตัวของเม็ดยา
- 3) สารลดแรงตึงผิว เช่น โซเดียมลอริวซัลเฟต (Sodium lauryl sulfate) เพื่อช่วยทำความสะอาด

จากการศึกษากับอาสาสมัครกลุ่มหนึ่ง ของโสภิต บุษยจารุ และ อภิวดา สุคนธ์พันธ์ (2538) ได้ทำการทดลองสูตรส่วนผสมต่างๆ แล้วตอกเป็นเม็ดด้วยเครื่อง Hydraulic press พบว่า สารบางชนิดในสูตรตำรับก่อให้เกิดปัญหาขึ้น เช่น Sodium carbonate.10H<sub>2</sub>O ทำให้เม็ดยาเยิ้มเหลว การเข้ากันไม่ได้ของกรดซิตริกและโซเดียมเปอร์โบเรต (Sodium perborate) ส่วนโซเดียมเมตาซิลิเกต (Sodium metasilicate) ทำให้สารละลายที่ได้มีลักษณะเป็นปุ๋ย ดังนั้นสรุปได้ว่า ตำรับเม็ดสารฟู่ที่มีคุณสมบัติดี ประกอบด้วย 1) Sodium perborate 30% 2) Citric acid 24% 3) Sodium bicarbonate 32% 4) Sodium tripolyphosphate 3% 5) Sodium sulfate 5% 6) Polyvinylpyrrolidone 2% 7) starch 2% 8) Sodium lauryl sulfate 0.3% 9) FD&C blue No.2 0.03% 10) Peppermint oil 0.67% 11) Magnesium stearate 0.5% และ 12) Disodium ethylenediaminetetraacetate 0.5%

สารฟู่ที่เหมาะสมต่อการทำความสะอาดมีส่วนผสมของโซเดียมไบคาร์บอเนตอยู่ระหว่าง 25-55 เปอร์เซ็นต์ และกรดซิตริกอยู่ระหว่าง 10-30 เปอร์เซ็นต์ของส่วนผสมทั้งหมด (lain และคณะ, 1999) และความเข้มข้นที่นำมาทดสอบคือ โซเดียมไบคาร์บอเนตความเข้มข้น 0.75-1.2 เปอร์เซ็นต์ และกรดซิตริกความเข้มข้น 1.2 เปอร์เซ็นต์ (Ely และคณะ, 2007)

Gohel และ Sumitra (2002) พบว่า สารฟู่ที่มีส่วนผสมของโซเดียมไบคาร์บอเนตและกรดซิตริกในอัตราส่วน 1 ต่อ 1 ที่บรรจุกับส่วนผสมของยาภายในแคปซูลเจลาตินอย่างหนาที่มีจุกปิดแบบละลายน้ำได้ ภายหลังจากชั่วโมงที่ 4 ส่วนผสมของยาถูกปลดปล่อยออกจากแคปซูลอย่างรวดเร็ว เนื่องจากการทำปฏิกิริยาของสารฟู่ที่ก่อให้เกิดคาร์บอนไดออกไซด์ดันตัวยาออกจากแคปซูล และปริมาณของสารฟู่ที่เหมาะสมขึ้นกับน้ำหนักของจุกปิดด้วย

ในการทดสอบสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยสารฟู่จึงเลือกที่จะแปรผันความเข้มข้นของสารฟู่ และอัตราส่วนระหว่างโซเดียมไบคาร์บอเนตกับกรดซิตริก เพื่อได้อัตราส่วนที่เหมาะสมที่สุดในการสลายคราบจุลินทรีย์

ดังนั้น ในงานวิจัยนี้จึงศึกษาการสลายคราบจุลินทรีย์หรือการลดคราบจุลินทรีย์จากแบบจำลองภายนอกร่างกาย โดยใช้ เดกซ์แทรนเนส โปรตีเอส สารฟู่ เพียงอย่างใดอย่างหนึ่ง หรือการใช้สารทั้ง 3 ชนิดร่วมกัน เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการลดคราบจุลินทรีย์ และนำไปประยุกต์ใช้กับการทำความสะอาดอุปกรณ์ที่ใช้ภายในช่องปากได้ เช่น ฟันปลอม เครื่องมือแพทย์

### บทที่ 3

#### วิธีดำเนินการวิจัย

##### 3.1 เครื่องมือที่ใช้ในการวิจัย

1. กล้องจุลทรรศน์ รุ่น CH30RF200 บริษัท Olympus, Japan
2. กล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด JEOL รุ่น JSM-5410LV, Japan
3. ฮีมาโตไซโตมิเตอร์ (Haemocytometer) บริษัท Schott Duran, German
4. เครื่องกำเนิดเสียงความถี่สูงชนิดอ่าง (Sonicator) รุ่น RK100 บริษัท Bandelin Electronic, Germany
5. เครื่องวัดความเป็นกรด-เบส (Digital pH meter) รุ่น SevenEasy บริษัท Mettler-Toledo, Switzerland
6. เครื่องชั่ง รุ่น AG285 รุ่น PG2002-S และ รุ่น PG6002-S บริษัท Mettler Toledo, Switzerland
7. เครื่องผสมสาร (vortex mixer) รุ่น Geniell G-560E บริษัท Scientific Industries, USA
8. เครื่องวัดค่าการดูดกลืนแสง (Spectrophotometer) รุ่น Spectronic 20 Genesys บริษัท Spectronic unicam, รุ่น Genesys 20 บริษัท Thermo Spectronic, USA
9. เครื่องวัดค่าการดูดกลืนแสงสำหรับไมโครไตเตอร์เพลต (Microplate reader) รุ่น Elix 800 บริษัท Bio-tek instrument, USA
10. เครื่องเขย่าสำหรับไมโครไตเตอร์เพลต (Microtiterplate shaker) รุ่น PSU-2T บริษัท Biosan, Latvia
11. เครื่องเขย่า รุ่น Innova 2300 บริษัท Brunswick Scientific, USA
12. เครื่องปั่นเหวี่ยงชนิดทำความเย็น รุ่น 6500 บริษัท Kubota, Japan และ รุ่น Avanti J-301 บริษัท Beckman Coulter, German
13. อ่างน้ำควบคุมอุณหภูมิ (waterbath) รุ่น WB 14 บริษัท Memmert, Germany
14. อ่างน้ำควบคุมอุณหภูมิพร้อมเครื่องเขย่า (waterbath shaker) รุ่น 939XL บริษัท Amerex instrument, USA

15. อ่างน้ำควบคุมอุณหภูมิที่ประกอบเข้ากับเครื่องระเหยแห้งแบบสูญญากาศ รุ่น Digital water bath SB-1000 บริษัท Eyela, Thailand
16. เครื่องระเหยแห้งแบบสูญญากาศ รุ่น N-100 บริษัท Eyela, Thailand
17. เครื่องดูดอากาศ รุ่น A-3S บริษัท Eyela, Thailand
18. เครื่องทำความเย็น รุ่น CCA-110 บริษัท Eyela, Thailand
19. ตู้เย็น 4 องศาเซลเซียส รุ่น SVC-100SAD บริษัท Sandenintercool, Thailand
20. ตู้แช่แข็งชนิดจุดเยือกแข็งต่ำ (deep freezer) อุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส รุ่น FC20U บริษัท Sharp, Thailand
21. ตู้เขี่ยเชื้อ รุ่น BV-124 บริษัท International Scientific Supply, Thailand รุ่น Clean และ รุ่น V6-T บริษัท Labmicro, Thailand และ Bosstech รุ่น HVB 120S บริษัท Boss Scientific , Thailand
22. ตู้บ่มเชื้อควบคุมอุณหภูมิ (incubator) บริษัท Memmert, Germany
23. เครื่องนึ่งอบฆ่าเชื้อ (Autoclave) รุ่น MLS 3020 ของบริษัท SANYO, Japan รุ่น SS-325 และรุ่น ES-315 บริษัท Tomy Seiko, Japan และรุ่น HV-25 บริษัท Hirayama, Japan
24. ตู้อบความร้อน (hot air oven) รุ่น UE 600 ของบริษัท Memmert, Germany
25. เครื่องไมโครเวฟ (microwave oven) รุ่น Sharp, Thailand
26. โถดูดความชื้น (Desicator)
27. ไมโครปิเปตต์ (micropipette) รุ่น P200 P1000 และ P5000 ของบริษัท Gilson, France
28. ไมโครปิเปตต์ชนิด 8 หัวจ่าย รุ่น BPE-200 บริษัท Labnet International, USA
29. ไมโครไตเตอร์เพลตชนิดพอลิสไตรีน 96 หลุม พื้นเรียบ มีฝา (96-wells polystyrene microtiter plate flat bottom with lid) Costar 3599 บริษัท Corning, USA
30. หลอดไมโครเซนตริฟิวจ์ (micro centrifuge tube) ขนาด 1.5 มิลลิลิตร บริษัท Axygen Scientific, USA
31. กระดาษกรอง (filter paper) Whatman เบอร์ 1 บริษัท Whatman International, England

### 3.2 เคมีภัณฑ์

1. เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (Dextran industrial grade) บริษัท Sigma chemical, USA
2. เดกซ์แทรน ที-2000 (Dextran T-2000) บริษัท Amersham Biosciences, Sweden
3. ปาเปิน (Sigma Chemical Co.,USA) บริษัท Sigma chemical, USA
4. เปปซิน (Pepsin from porcine gastric mucosa) บริษัท Sigma chemical, USA
5. เคซีน (Casein hydrolysate) บริษัท Merck, Germany
6. แอล-ไทโรซีน (L-Tyrosine) บริษัท Merck, Germany
7. เบรนฮาร์ทอินฟิวชัน (Brain Heart Infusion) บริษัท Difco Laboratory, USA
8. สารสกัดจากยีสต์ (Yeast extract)บริษัท Bio Springer, France
9. พอลิเพปโตน (Polypeptone) บริษัท Difco Laboratory, USA
10. โบวีนซีรัมอัลบูมิน (Bovine Serum Albumin) บริษัท Sigma Chemical, USA
11. โพแทสเซียมคลอไรด์ (KCl) บริษัท Merck, Germany
12. โพแทสเซียมไดไฮโดรเจนฟอสเฟต ( $\text{KH}_2\text{PO}_4$ ) บริษัท Merck, Germany
13. ไดโพแทสเซียมไฮโดรเจนฟอสเฟต ( $\text{K}_2\text{HPO}_4$ ) บริษัท Merck, Germany
14. แมกนีเซียมซัลเฟตเฮปตะไฮเดรต ( $\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ ) บริษัท Merck, Germany
15. เฟอร์รัสซัลเฟตเฮปตะไฮเดรต ( $\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ ) บริษัท Merck, Germany
16. โซเดียมคลอไรด์ (NaCl) บริษัท Merck, Germany
17. โซเดียมคาร์บอเนต ( $\text{Na}_2\text{CO}_3$ ) บริษัท Merck, Germany
18. โซเดียมไบคาร์บอเนต ( $\text{NaHCO}_3$ ) บริษัท Merck, Germany
19. โซเดียมไนเตรต ( $\text{NaNO}_3$ ) บริษัท Merck, Germany
20. โซเดียมไฮดรอกไซด์ (NaOH) บริษัท Merck, Germany
21. โซเดียมอะซิเตต ( $\text{CH}_3\text{COONa}$ ) บริษัท Merck, Germany
22. โซเดียมซัลเฟต ( $\text{Na}_2\text{SO}_4$ ) บริษัท Merck, Germany
23. โซเดียมอาร์ซีเนต ( $\text{NaHAsO}_4$ ) บริษัท Merck, Germany
24. โซเดียมไดไฮโดรเจนฟอสเฟต ( $\text{NaH}_2\text{PO}_4$ ) บริษัท Merck, Germany



25. โซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทรตเตตระไฮเดรต ( $C_4H_4KNaO_6 \cdot 4H_2O$ ) บริษัท Merck, Germany
26. ไดโซเดียมไฮโดรเจนฟอสเฟตโคเดกซะไฮเดรต ( $Na_2HPO_4 \cdot 12H_2O$ ) บริษัท Merck, Germany
27. คอปเปอร์ซัลเฟตเพนตะไฮเดรต ( $CuSO_4 \cdot 5H_2O$ ) บริษัท Merck, Germany
28. แอมโมเนียมโมลิบเดตเตตระไฮเดรต ( $(NH_4)_6Mo_7O_{24} \cdot 4H_2O$ ) บริษัท Merck, Germany
29. กรดไฮโดรคลอริก (HCl) บริษัท Merck, Germany
30. กรดอะเซติก ( $CH_3COOH$ ) บริษัท Merck, Germany
31. กรดซัลฟูริก (Sulfuric acid) บริษัท Merck, Germany
32. กรดไตรคลอโรอะเซติก (Trichloroacetic acid : TCA) บริษัท Merck, Germany
33. สารละลายฟอลีน ฟีนอล รีเอเจนต์ (Folin phenol reagent) บริษัท Merck, Germany
34. คริสตัลไวโอเลต (Crytal violet) บริษัท Fluka, Japan
35. คลอเฮกซิดีน (Chlohexidine) C-20 บริษัท Osoth Laboratories, Thailand
36. ทวิน 80 (Tween 80) บริษัท Merck, Germany
37. กลีเซอรอล (Glycerol) บริษัท Merck, Germany
38. กลูโคส

หมายเหตุ สารเคมีที่ใช้ในการทดลองทุกชนิดเป็นเกรดเพื่อการวิเคราะห์ (analytical grade)

### 3.3 วิธีการดำเนินการวิจัย

#### 3.3.1 จุลินทรีย์ในงานวิจัย

##### 3.3.1.1 การเตรียมกล้าเชื้อ *S. sobrinus* 6715 (นันทิตา วานิชวงศ์วรรณ, 2545)

ถ่ายเชื้อ *S. sobrinus* 6715 ที่ได้รับจาก รศ.ดร.รัชชพิน ศรีสัจจะลักษณะ ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะทันตแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล ซึ่งเป็นแบคทีเรียที่แยกได้จากช่องปาก และมีความสามารถในการผลิตเดกซ์แทรน ที่เก็บรักษาสายพันธุ์ไว้ ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว Brain Heart Infusion (BHI) บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ในภาวะการเลี้ยงเชื้อแบบไม่เขย่าเป็นเวลา 24 ชั่วโมง แล้วถ่ายเชื้อ 10 เปอร์เซ็นต์โดยปริมาตร ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว BHI บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ในภาวะการเลี้ยงเชื้อแบบไม่เขย่า เป็นเวลา 24 ชั่วโมง จนวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 560 นาโนเมตร ได้เท่ากับ 0.5-0.6 แล้วจึงนำมาใช้เป็นกล้าเชื้อต่อไป

##### 3.3.1.2 การเตรียมกล้าเชื้อ *Arthrobacter* sp. AG-2 (สุหทัยา จิระนนทิพร, 2543)

ถ่ายเชื้อ *Arthrobacter* sp. AG-2 จากอาหารแข็งเคียงลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว Yamaguchi ที่มีปริมาตร 50 มิลลิลิตร บ่มที่อุณหภูมิห้อง ให้อากาศโดยการเขย่าที่ความเร็ว 200 รอบต่อนาที เป็นเวลา 12 ชั่วโมง ปั่นหริ่งอาหารเลี้ยงเชื้อที่ความเร็วรอบ 8,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที ล้างเซลล์ด้วยน้ำกลั่น 2 ครั้ง ปรับค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 560 นาโนเมตร ได้เท่ากับ 0.6-0.7 แล้วจึงนำมาใช้เป็นกล้าเชื้อต่อไป (สุหทัยา จิระนนทิพร, 2543)

##### 3.3.1.3 การเตรียมกล้าเชื้อ *P. pinophilum* SMCU3-14 (Fukumoto และคณะ, 1971 และ เอก แสงวิเชียร, 2531)

เชื้อสปอร์ *P. pinophilum* SMCU3-14 ลงบนอาหารแข็งเคียง Fukumoto บ่มที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 7 วัน แล้วเติมทวิน-80 ความเข้มข้น 0.1 เปอร์เซ็นต์ ที่ปลอดเชื้อลงบนผิวหน้าอาหาร จากนั้นเชื้อสปอร์ให้หลุดออกมาแขวนลอยแล้วนับสปอร์ด้วยฮีมาไซโทมิเตอร์ให้อยู่ในช่วง  $2 \times 10^7$  สปอร์ต่อมิลลิลิตร แล้วนำมาใช้ต่อไป

### 3.3.2 การเตรียมเดกซ์แทรนเพื่อใช้เป็นสารชักนำในการผลิตเดกซ์แทรนเนส

#### 3.3.2.1 เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนใหญ่

เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนใหญ่ คือ เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (Sigma Co.; USA) ที่ผลิตจาก *Leuconostoc mesenteroides* B-512F ซึ่งพบว่ามีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ประมาณ 95 เปอร์เซ็นต์ และพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 ประมาณ 5 เปอร์เซ็นต์ (Peter, 1994)

3.3.2.2 เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 และชนิด  $\alpha$ -1,3 ที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 (นันทิตา วานิชวงศ์วรรณ, 2545)

ถ่ายกล้าเชื้อ *S. sobrinus* 6715 จากข้อ 3.3.1.1 ปริมาณ 10 เปอร์เซ็นต์โดยปริมาตร ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว BHI ที่เสริมด้วยซูโครสความเข้มข้น 2 เปอร์เซ็นต์ บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ในภาวะการเลี้ยงเชื้อแบบไม่เขย่า เป็นเวลา 24 ชั่วโมง จากนั้นทำบริสุทธิ์เดกซ์แทรนบางส่วนในน้ำเลี้ยงเชื้อ โดยการปั่นเหวี่ยง 3,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที ล้างตะกอนเดกซ์แทรนด้วยน้ำกลั่นโดยใช้เครื่องกำเนิดเสียงความถี่สูงเป็นเวลา 3 นาที ทำซ้ำ 2 ครั้ง แล้วนำตะกอนที่ได้ไปทำให้แห้งด้วยเครื่องระเหยแห้งโดยใช้อุณหภูมิต่ำ

3.3.2.3 เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูงจากการสลายเดกซ์แทรนพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 (นันทิตา วานิชวงศ์วรรณ, 2545)

เติมเดกซ์แทรนเนสจากราก *P. pinophilum* SMCU3-14 ที่มีสารชักนำเป็นเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม ซึ่งจะมีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนใหญ่ (เดกซ์แทรนเนส FI) ตามวิธีข้อ 3.3.6.2 ผสมกับเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ที่ผ่านการทำบริสุทธิ์บางส่วนจากข้อ 3.3.2.2 ปริมาณ 1 เปอร์เซ็นต์ (น้ำหนักต่อปริมาตรเอนไซม์) แล้วบ่มที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เขย่า 200 รอบต่อนาที เป็นเวลา 9 ชั่วโมง เพื่อย่อยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ของเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 จากนั้นล้างตะกอนโดยการปั่นเหวี่ยง 3,000 รอบต่อนาที นาน 10 นาที จึงเก็บตะกอนแล้วเติมเดกซ์แทรนเนส FI ใหม่ ทำปฏิกิริยาซ้ำ 4 ครั้ง เมื่อครบการทำปฏิกิริยาให้ล้างตะกอนเดกซ์แทรน ทำแห้งด้วยเครื่องระเหยแห้งโดยใช้อุณหภูมิต่ำ จะได้สารชักนำเป็นเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูง

### 3.3.3 การเปรียบเทียบความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนสที่เหมาะสมในการผลิตเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูง

ทำตามวิธี ข้อ 3.3.2.3 โดยความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนส FI สำหรับการย่อยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 เท่ากับ 20 40 60 80 และ 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร และเก็บตัวอย่างเพื่อวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ทุก 1.5 ชั่วโมง จนครบ 9 ชั่วโมง ทำปฏิกิริยาอีก 4 ครั้ง หรือจนกระทั่งเดกซ์แทรนเนส FI ไม่สามารถย่อยสลายเดกซ์แทรนได้อีก โดยวัดจากปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ (Somogyi, 1952) ของปฏิกิริยาเริ่มต้นเท่ากับหลังการทำปฏิกิริยา

### 3.3.4 การตรวจสอบผลิตภัณฑ์ของการย่อยสลายเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI

ทำตามวิธี ข้อ 3.3.2.3 โดยความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนส FI เท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร เก็บตัวอย่างที่เวลา 0 0.5 3.0 และ 9.0 ชั่วโมง มาปั่นเหวี่ยง 10,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที กรองน้ำส่วนใสผ่านกระดาษกรองขนาด 0.45 ไมครอน จากนั้นนำตัวอย่างวิเคราะห์ปริมาณและชนิดของน้ำตาลโดยวิธีโครมาโทกราฟีแบบของเหลวสมรรถนะสูง (High performance liquid chromatography; HPLC) มีสารละลายกลูโคส มอลโทส มอลโทไทรออส มอลโทเตตราออสเป็นสารละลายมาตรฐาน

เครื่องโครมาโทกราฟีแบบของเหลว เลือกใช้คอลัมน์คาร์โบไฮเดรต (Prevail™ Carbohydrate ES Column) ขนาด 4.6x250 nm ตั้งอุณหภูมิสารละลายตัวพา 30 องศาเซลเซียส ตั้งอุณหภูมิคอลัมน์ที่อุณหภูมิห้อง โดยใช้สารละลายอะซิโตนไทรอลเข้มข้น 70 เปอร์เซ็นต์ เป็นสารละลายตัวพา และใช้อัตราการไหล 0.2 มิลลิลิตรต่อนาที โดยมี HPLC detector เป็น Evaporative Light Scattering Detector (ELSD)

### 3.3.5 การตรวจสอบว่าเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูง เป็นเดกซ์แทรนที่เป็นพอลิเมอร์ของน้ำตาลกลูโคส (นันทิดา วานิชวงศ์วรรณ, 2545)

นำเดกซ์แทรนที่-2000, เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม เดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 และเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูง ที่ผ่านการระเหยแห้งปริมาณ 10 มิลลิกรัม มาย่อยด้วยกรดซัลฟูริก 1 โมลาร์ ปริมาตร 1 มิลลิลิตร โดยนำไปนึ่งในเครื่องอบฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 120 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง จากนั้นปรับสภาวะละลายที่ได้ให้มีค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 7.0 แล้วนำไปกรองผ่านกระดาษกรองขนาด 0.45 ไมครอน จากนั้นนำไปวิเคราะห์ปริมาณและชนิดของน้ำตาลโดยวิธีโครมาโทกราฟีแบบของเหลวสมรรถนะสูง ที่มีสารละลายกลูโคส มอลโทส มอลโทไทรโอส มอลโทเททราโอสเป็นสารละลายมาตรฐาน

เครื่องโครมาโทกราฟีแบบของเหลว เลือกใช้คอลัมน์คาร์โบไฮเดรต (Prevail™ Carbohydrate ES Column) ขนาด 4.6x250 nm ตั้งอุณหภูมิสารละลายตัวพา 30 องศาเซลเซียส ตั้งอุณหภูมิคอลัมน์ที่อุณหภูมิห้อง โดยใช้สารละลายอะซิโตไนโตรล์เข้มข้น 70 เปอร์เซ็นต์ เป็นสารละลายตัวพา และใช้อัตราการไหล 0.2 มิลลิลิตรต่อนาที โดยมี HPLC detector เป็น ELSD

### 3.3.6 การผลิตเดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 และ *P. pinophilum* SMCU3-14 ด้วยสารชักนำคือ เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนใหญ่ (จากข้อ 3.3.2.1) เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,6 และ $\alpha$ -1,3 ที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 (จากข้อ 3.3.2.2) หรือ เดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูง (จากข้อ 3.3.2.3) (นันทิดา วานิชวงศ์วรรณ, 2545 และ ณฤดี อัสวเสริเลิศ, 2550)

#### 3.3.6.1 การผลิตเดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2

ถ่ายกล้ำเชื้อ *Arthrobacter* sp. AG-2 จากข้อ 3.3.1.2 ปริมาณ 10 เปอร์เซ็นต์โดยปริมาตร ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว Yamaguchi ซึ่งมีเดกซ์แทรนจากข้อ 3.3.2.1 3.3.2.2 หรือ 3.3.2.3 เป็นสารชักนำ บ่มที่อุณหภูมิห้อง ให้อากาศโดยการเขย่าที่ความเร็ว 200 รอบต่อนาที และเก็บตัวอย่างอาหารที่เวลา 36-48 ชั่วโมง แล้วปั่นเหวี่ยงที่ความเร็วรอบ 8,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที เก็บน้ำส่วนใสที่มีเดกซ์แทรนเนสเพื่อใช้ในการทดลองต่อไป

โดยเดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 ที่ได้นั้น ในที่นี้ กำหนดให้เป็น

- เดกซ์แทรนเนส BI หรือ เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] ที่ผลิตจากแบคทีเรีย ที่ได้จากการเติมเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรมเป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส BB หรือ เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6] ที่ผลิตจากแบคทีเรีย ที่ได้จากการเติมเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 เป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และชนิด  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส BB-1,3 หรือ เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3] ที่ผลิตจากแบคทีเรีย ที่ได้จากการเติมเดกซ์แทรนที่เป็นสารชักนำได้จากการย่อยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 จึงเหลือพันธะชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3

### 3.3.6.2 การผลิตเดกซ์แทรนเนสจาก *P. pinophilum* SMCU3-14

ถ่ายสปอร์แขวนลอยของ *P. pinophilum* SMCU3-14 จากข้อ 3.3.1.3 ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว Fukumoto ปริมาตร 50 มิลลิลิตร (Fukumoto และคณะ, 1971 และ ศิริโรจน์ ศรีสุวภรณ์, 2547) ซึ่งมีเดกซ์แทรนจากข้อ 3.3.2.1 3.3.2.2 หรือ 3.3.2.3 เป็นสารชักนำ บ่มที่อุณหภูมิห้อง ให้อากาศโดยการเขย่าที่ความเร็ว 200 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 วัน จากนั้นกรองเก็บน้ำส่วนใสที่มีเดกซ์แทรนเนส เพื่อใช้ในการทดลองต่อไป

โดยเดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจาก *P. pinophilum* SMCU3-14 ในที่นี้กำหนดให้เป็น

- เดกซ์แทรนเนส FI หรือ เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] ที่ผลิตจากรา ที่ได้จากการเติมเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรมเป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส FB หรือ เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6] ที่ผลิตจากรา ที่ได้จากการเติมเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 เป็นสารชักนำ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และชนิด  $\alpha$ -1,6
- เดกซ์แทรนเนส FB-1,3 หรือ เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3] ที่ผลิตจากรา ที่ได้จากการเติมเดกซ์แทรนที่เป็นสารชักนำได้จากการย่อยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 จึงเหลือพันธะชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ จึงเป็นเอนไซม์ที่จำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3

### 3.3.7 การตรวจสอบแอกทิวิตีจำเพาะของเดกซ์แทรนเนส (Fukumoto และคณะ, 1971)

เติมเดกซ์แทรนเนสจากข้อ 3.3.6 ที่มีความเจือจางที่เหมาะสม ปริมาตร 0.1 มิลลิลิตร ลงในสารละลายเดกซ์แทรน ที่-2000 ความเข้มข้น 0.625 เปอร์เซ็นต์โดยน้ำหนัก ปริมาตร 0.4 มิลลิลิตร และบัฟเฟอร์ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร โดยบัฟเฟอร์สำหรับเดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 คือ โซเดียมฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 7.0 (ณัฐณี สุวรรณสิงห์, 2540) และบัฟเฟอร์สำหรับเดกซ์แทรนเนสจาก *P. pinophilum* SMCU3-14 คือ โซเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 4.5 (พัชรวิภา บุตระทา, 2548) นำสารผสมทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 0 นาที และ 15 นาที แล้วต้มในน้ำเดือด 5 นาที เพื่อหยุดปฏิกิริยา ทำการทดลองซ้ำ 3 ครั้ง จากนั้นวิเคราะห์ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ด้วยวิธีของ Somogyi (1952) และวิเคราะห์ปริมาณโปรตีนด้วยวิธีของ Lowry และคณะ (1951) เพื่อคำนวณแอกทิวิตีจำเพาะของเดกซ์แทรนเนสจากสารชักนำต่างกัน

1 หน่วย (Unit) ของเดกซ์แทรนเนส หมายถึง ปริมาณเอนไซม์ที่ย่อยสลายเดกซ์แทรน ที่-2000 และปลดปล่อยน้ำตาลรีดิวซ์เทียบเท่ากับน้ำตาลกลูโคส 1 ไมโครโมลต่อนาที ภายใต้ภาวะที่ทดสอบ

#### 3.3.7.1 การวิเคราะห์ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ด้วยวิธีของ Somogyi-Nelson (Somogyi, 1952)

นำสารตัวอย่างที่มีความเข้มข้นที่เหมาะสม ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ผสมกับสารละลายอัลคาไลน์คอปเปอร์ (ภาคผนวก ข ข้อ 1.1) ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ต้มในอ่างน้ำเดือดเป็นเวลา 15 นาที เมื่อครบเวลานำมาทำให้เย็นลงอย่างรวดเร็วโดยแช่ในอ่างน้ำเย็นที่มีน้ำแข็ง เอาออกจากอ่างมาตั้งอุณหภูมิห้องแล้วเติมสารละลายเนลสัน (ภาคผนวก ข ข้อ 1.2) ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน ตั้งไว้ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 30 นาที เติมน้ำกลั่น 5 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันแล้วนำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ 520 นาโนเมตร

คำนวณปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ โดยเปรียบเทียบจากกราฟมาตรฐานของกลูโคสที่ความเข้มข้น 0-200 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร (ภาคผนวก ค ข้อ 1)

### 3.3.7.2 การวิเคราะห์ปริมาณโปรตีนด้วยวิธีของ Lowry (Lowry, 1951)

นำสารตัวอย่างที่มีความเข้มข้นที่เหมาะสม ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ผสมกับสารละลาย Lowry C (ภาคผนวก ข ข้อ 2.3) ปริมาณ 5 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน ตั้งไว้ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 15 นาที เติมสารละลาย Lowry D (ภาคผนวก ข ข้อ 2.4) ปริมาณ 0.5 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน ตั้งไว้ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 30 นาที แล้วนำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ 660 นาโนเมตร

คำนวณปริมาณโปรตีนโดยเปรียบเทียบจากกราฟมาตรฐานของโพรตีนซีรัมอัลบูมิน ที่ความเข้มข้น 0-200 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร (ภาคผนวก ค ข้อ 2)

### 3.3.8 การสร้างคราบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลตจากกล้าเชื้อ *S. sobrinus* 6715 (ธนฤดี อัครเสวีเลิศ, 2550)

ถ่ายกล้าเชื้อ *S. sobrinus* 6715 จากข้อ 3.3.1.1 ปริมาณ 10 เพอร์เซ็นต์โดยปริมาตร ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว BHI บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ในภาวะการเลี้ยงเชื้อแบบไม่เขย่า เป็นเวลา 18-24 ชั่วโมง จากนั้นเทอาหารเลี้ยงเชื้อทิ้งแล้วแขวนลอยเซลล์ที่กั้นพลาสติกด้วยอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว BHI ที่เสริมด้วยซูโครสความเข้มข้น 2 เพอร์เซ็นต์ จนวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 560 นาโนเมตร ได้เท่ากับ 0.1 แล้วเติมลงในไมโครไตเตอร์เพลตชนิดพอลิสไตรีนแบบพื้นเรียบ 96 หลุม (96-wells polystyrene microtiter plate flat bottom ) หลุมละ 160 ไมโครลิตร และเติมน้ำกลั่นปลอดเชื้อ 40 ไมโครลิตร บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ในกล่องสแตนเลสที่จุดเทียนแล้วปิดฝาเพื่อให้อยู่ในภาวะที่มีออกซิเจนต่ำ เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จะได้คราบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลต จากนั้นเทอาหารเลี้ยงเชื้อทิ้ง ล้างด้วยน้ำกลั่น 3 ครั้ง วางให้แห้งก่อนนำไปใช้เป็นแบบจำลองสำหรับการสลายคราบจุลินทรีย์ภายนอกร่างกาย

การสร้างคราบจุลินทรีย์ในหลอดทดลองขนาด 13 x 150 มิลลิเมตร ทำเช่นเดียวกัน แต่เติมเซลล์แขวนลอยที่มีค่าดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 560 นาโนเมตร ได้เท่ากับ 0.1 ปริมาณหลอดละ 4 มิลลิลิตร และเติมน้ำกลั่นปลอดเชื้อ 1 มิลลิลิตร



### 3.3.9 การตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง (ณฤดี อัสวเสวีเลิศ, 2550, Leroy และคณะ, 2008 และ Yano และคณะ, 2010)

ตรวจวัดปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่เหลืออยู่หลังการทดสอบโดยเทปฟเฟอร์ที่เหลือทิ้งล้างคราบจุลินทรีย์ด้วยน้ำกลั่น 3 ครั้ง ทิ้งไว้ให้แห้ง ย้อมสีด้วยสารละลายคริสตัลไวโอเลต 0.02 เปอร์เซ็นต์โดยน้ำหนัก 50 ไมโครลิตร นาน 15 นาที ล้างด้วยน้ำกลั่น 3 ครั้ง ทิ้งไว้ให้แห้ง เติมกรดอะซิติก 30 เปอร์เซ็นต์โดยปริมาตร 200 ไมโครลิตร แล้วนำไปวางบนเครื่องเขย่าสำหรับไมโครไโตเตอร์เพลต 30 นาที วัดค่าการดูดกลืนแสงที่ 540 นาโนเมตร ด้วยเครื่องวัดการดูดกลืนแสงสำหรับไมโครไโตเตอร์เพลต (Microtiter plate reader)

การวัดปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่เหลืออยู่ในหลอดทดลอง ล้างคราบจุลินทรีย์ด้วยน้ำกลั่น 3 ครั้ง ทิ้งไว้ให้แห้ง ย้อมสีด้วยสารละลายคริสตัลไวโอเลต 0.02 เปอร์เซ็นต์โดยน้ำหนัก 1 มิลลิลิตร นาน 15 นาที ล้างด้วยน้ำกลั่น 3 ครั้ง ทิ้งไว้ให้แห้ง เติมกรดอะซิติก 30 เปอร์เซ็นต์โดยปริมาตร 5 มิลลิลิตร วัดค่าการดูดกลืนแสงที่ 540 นาโนเมตร ด้วยเครื่องวัดการดูดกลืนแสง (Spectrophotometer)

คำนวณเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลง (Percentage reduction) (Pitts และคณะ, 2003 และ Molobala และคณะ, 2010) ดังนี้

$$\frac{(C - B) - (T - B)}{(C - B)} \times 100\%$$

B = ค่าเฉลี่ยค่าดูดกลืนแสงที่ 540 นาโนเมตร ที่ไม่มีคราบจุลินทรีย์และไม่มีสารทดสอบ (Blank)

C = ค่าเฉลี่ยค่าดูดกลืนแสงที่ 540 นาโนเมตร ที่มีคราบจุลินทรีย์ แต่ไม่มีสารทดสอบ (Control)

T = ค่าเฉลี่ยค่าดูดกลืนแสงที่ 540 นาโนเมตร ที่มีคราบจุลินทรีย์ และมีสารทดสอบ (Treatment)

### 3.3.10 การศึกษาภาวะที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส

#### 3.3.10.1 ชนิดของเดกซ์แทรนเนสต่อการสลายคราบจุลินทรีย์

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 จากนั้นเติมบัพเฟอร์ปริมาตร 160 ไมโครลิตร ลงในไมโครไตเตอร์เพลต โดยบัพเฟอร์สำหรับเดกซ์แทรนเนส BI คือ โซเดียมฟอสเฟต บัพเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 7.0 และบัพเฟอร์สำหรับเดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 คือ โซเดียมอะซิเตตบัพเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 4.5 จากนั้นเติมเดกซ์แทรนเนส BI FI FB หรือ FB-1,3 ปริมาตร 40 ไมโครลิตร โดยให้ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 15 นาที แล้วจึงตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

#### 3.3.10.2 ความเข้มข้นที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 จากนั้นเติมบัพเฟอร์ที่เหมาะสมสำหรับเดกซ์แทรนเนส ปริมาตร 160 ไมโครลิตร ลงในไมโครไตเตอร์เพลต เติมนสารทดสอบปริมาตร 40 ไมโครลิตร โดยสารทดสอบ คือ เดกซ์แทรนเนส BI FI FB หรือ FB-1,3 ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 2 3 4 และ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 5 และ 15 นาที แล้วจึงตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

#### 3.3.10.3 ประสิทธิภาพการทำงานร่วมกันระหว่างเดกซ์แทรนเนส 2 ชนิด จากการสลายคราบจุลินทรีย์

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 จากนั้นเติมโซเดียมอะซิเตตบัพเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 4.5 ปริมาตร 120 ไมโครลิตร ลงในไมโครไตเตอร์เพลต จากนั้นเติมเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 45 นาที แล้วเติมเดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยาต่ออีก 15 นาที ตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ที่เวลา 0 5 10 15 20 30 45 และ 60 นาที ตามวิธีข้อ 3.3.9 จากนั้นทำการทดลองเช่นเดิม แต่เติมเดกซ์แทรนเนส FB แทนเดกซ์แทรนเนส FI ในครั้งแรกของการทำปฏิกิริยา

### 3.3.11 การเพิ่มประสิทธิภาพในการลดคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย

#### 3.3.11.1 การใช้สารฟลูออไรด์ร่วมกับเดกซ์แทรนเนส

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 จากนั้นเติมโซเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 4.5 ปริมาตร 120 ไมโครลิตร ลงในไมโครไตเตอร์เพลต และสารทดสอบปริมาตร 80 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิห้อง โดยสารทดสอบคือ

ก. สารฟลูออไรด์ที่มีเปอร์เซ็นต์ของส่วนผสมที่เป็นความเข้มข้นสุดท้าย ดังนี้

- 0.25% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 0.25% กรดซิตริก
- 0.25% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 0.50% กรดซิตริก
- 0.50% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 0.50% กรดซิตริก

ข. เดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ซึ่งจะมีวิธีในการทดสอบดังนี้

วิธีที่ 1 คือ เติมสารฟลูออไรด์ ปริมาตร 80 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยา 5 นาที

วิธีที่ 2 คือ เติมสารฟลูออไรด์ ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ผสมกับเดกซ์แทรนเนส FI ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยาพร้อมกัน 5 นาที

วิธีที่ 3 คือ เติมสารฟลูออไรด์ ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยา 10 นาที จากนั้นเติมเดกซ์แทรนเนส FI ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยาต่ออีก 5 นาที รวมเวลาทำปฏิกิริยาเป็น 15 นาที

จากนั้นตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9 เมื่อได้วิธีที่เหมาะสมแล้วแปรผันเปอร์เซ็นต์ของส่วนผสมสารฟลูออไรด์ ดังนี้

- 0.50% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.00% กรดซิตริก
- 0.50% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.50% กรดซิตริก
- 0.75% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.00% กรดซิตริก
- 0.75% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.50% กรดซิตริก
- 1.00% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.00% กรดซิตริก
- 1.00% โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.50% กรดซิตริก

ทดสอบตามวิธีที่เหมาะสม และตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

### 3.3.11.2 การใช้โปรตีนเอส

#### 3.3.11.2.1 ผลของอุณหภูมิและระยะเวลาที่มีผลต่อการลดคราบจุลินทรีย์ของโปรตีนเอส

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 เติมน้ำฟลูออไรด์ตามค่าความเป็นกรด-เบสที่ระบุข้างขวดของโปรตีนเอส ปริมาตร 160 ไมโครลิตร เติมน้ำเกลือละลายไอโซมเปปซิน หรือ ปาเปน ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ที่มีความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยน้ำฟลูออไรด์สำหรับเปปซิน คือ สารละลายกรดไฮโดรคลอริก/โพแทสเซียมคลอไรด์น้ำฟลูออไรด์ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 2.5 และน้ำฟลูออไรด์สำหรับปาเปนคือ สารละลายฟอสเฟตน้ำฟลูออไรด์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 7.0 ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิห้อง และที่อุณหภูมิ 25 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 2 3 4 5 10 15 20 25 และ 30 นาที จากนั้นตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

#### 3.3.11.2.2 ผลของค่าความเป็นกรด-เบส ที่เหมาะสมต่อการลดคราบจุลินทรีย์ของโปรตีนเอส

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 เติมน้ำฟลูออไรด์ ปริมาตร 160 ไมโครลิตร และเติมน้ำเกลือละลายไอโซมเปปซิน หรือ ปาเปน ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ที่มีความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยแปรผันค่าความเป็นกรด-เบส ของน้ำฟลูออไรด์ที่ 2.0 2.5 3.0 3.5 4.0 4.5 5.0 5.5 6.0 6.5 7.0 7.5 และ 8.0

##### ค่าความเป็นกรด-เบส

- 2.0 และ 2.5 คือสารละลายกรดไฮโดรคลอริก/โพแทสเซียมคลอไรด์น้ำฟลูออไรด์
- 3.0 คือสารละลายโพแทสเซียมไฮโดรเจนพทาเลต/กรดไฮโดรคลอริกน้ำฟลูออไรด์
- 3.5 4.0 4.5 5.0 5.5 และ 6.0 คือสารละลายโซเดียมอะซิเตตน้ำฟลูออไรด์
- 6.5 7.0 7.5 และ 8.0 คือสารละลายฟอสเฟตน้ำฟลูออไรด์

ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 10 นาที จากนั้นตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

### 3.3.11.2.3 ศึกษาการใช้โปรตีนเอสส์ร่วมกับเดกซ์แทรนเนส FI

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 จากนั้นเติมบัพเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมกับปาเปนและเดกซ์แทรนเนส จากข้อ 3.3.11.2.2 ปริมาตร 120 ไมโครลิตร ลงในไมโครไตเตอร์เพลต และสารทดสอบปริมาตร 80 ไมโครลิตร ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิที่เหมาะสมตามข้อ 3.3.11.2.1 โดยสารทดสอบคือ

- ก. โปรตีนเอสส์ ที่คัดเลือกจากข้อ 3.3.11.2.1 และ ข้อ 3.3.11.2.2
- ข. เดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ซึ่งจะมีวิธีในการทดสอบดังนี้

วิธีที่ 1 คือ เติมเดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ปริมาตร 80 ไมโครลิตร ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยา 15 นาที

วิธีที่ 2 คือ เติมเดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ปริมาตร 40 ไมโครลิตร ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมโปรตีนเอสส์ที่คัดเลือกความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาพร้อมกันเป็นเวลา 15 นาที

วิธีที่ 3 คือ เติมโปรตีนเอสส์ที่คัดเลือกความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตรทำปฏิกิริยา 10 นาที จากนั้นเทส่วนผสมทิ้งแล้วล้างน้ำ 3 ครั้ง จึงเติมเดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาต่ออีก 15 นาที รวมเวลาทำปฏิกิริยาทั้งสิ้น 25 นาที

เมื่อครบเวลาทำปฏิกิริยา ตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

3.3.11.2.4 ศึกษาระยะเวลาของการผสมโปรตีนเอสส์กับเดกซ์แทรนเนส FI ที่มีผลต่อการลดคราบจุลินทรีย์

ผสมโปรตีนเอสส์ที่คัดเลือกกับเดกซ์แทรนเนส FI เป็นเวลา 0 15 30 45 และ 60 นาที จากนั้นทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์ที่ ภาวะทดสอบตามข้อ 3.3.11.2.3 เป็นเวลา 15 นาที เมื่อครบกำหนดเวลานำน้ำส่วนใสไปหาเอกทิวิตี้ของเดกซ์แทรนเนส FI ตามข้อ 3.3.7 และตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

### 3.3.11.3 การลดคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย ภายในระยะเวลา 5 นาที

#### 3.3.11.3.1 การเพิ่มความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนส FI

สร้างคราบจุลินทรีย์ในหลอดทดลอง ตามวิธีข้อ 3.3.8 เดิมบัฟเฟอร์ ปริมาตร 4 มิลลิลิตร และเติมเดกซ์แทรนเนส FI ปริมาตร 1 มิลลิลิตร โดยแปรผันความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 1 10 20 30 และ 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยา 5 นาที ที่อุณหภูมิห้อง เมื่อครบกำหนดเวลาดำมืด 5 นาที เพื่อทำลายเอนไซม์ และตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

3.3.11.3.2 การเพิ่มความเข้มข้นโปรตีนเอสที่คัดเลือกผสมกับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้นที่คัดเลือกจากข้อ 3.3.11.3.1

สร้างคราบจุลินทรีย์ในหลอดทดลอง ตามวิธีข้อ 3.3.8 เดิมบัฟเฟอร์ ปริมาตร 3 มิลลิลิตร และเติมเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้นที่คัดเลือกจากข้อ 3.3.11.3.1 ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ผสมกับโปรตีนเอสที่คัดเลือก ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ที่แปรผันความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 1 3 และ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยา 5 นาที ที่อุณหภูมิห้อง เมื่อครบกำหนดเวลาดำมืด 5 นาที เพื่อทำลายเอนไซม์ และตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

3.3.11.3.3 การแปรผันอัตราส่วนความเข้มข้นของโปรตีนเอสที่คัดเลือกกับเดกซ์แทรนเนส FI สำหรับการสลายคราบจุลินทรีย์

สร้างคราบจุลินทรีย์ในหลอดทดลอง ตามวิธีข้อ 3.3.8 เดิมบัฟเฟอร์ ปริมาตร 3 มิลลิลิตร และเติมเดกซ์แทรนเนส FI ปริมาตร 1 มิลลิลิตร โดยแปรผันความเข้มข้นสุดท้ายเท่ากับ 0 1 5 10 50 และ 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมกับโปรตีนเอสที่คัดเลือก ที่แปรผันความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 0.00 0.10 0.25 0.50 0.75 และ 1.00 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยา 5 นาที ที่อุณหภูมิห้อง เมื่อครบกำหนดเวลาดำมืด 5 นาที เพื่อทำลายเอนไซม์ และตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

3.3.11.3.4 การใช้สารฟุ้งร่วมกับส่วนผสมของโปรตีนเอสที่คัดเลือกและเดกซ์แทรนเนส สำหรับการสลายคราบจุลินทรีย์

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 เดิมบัพเฟอร์ ปริมาตร 3 มิลลิลิตร และเติมสารทดสอบปริมาตร 2 มิลลิลิตร โดยส่วนผสมของสารทดสอบ คือ

- สารฟุ้ง (0.75 % โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.00 % กรดซิตริก)
- เดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้นสุดท้ายที่เหมาะสม จากข้อ 3.3.11.3.3
- โปรตีนเอส ความเข้มข้นสุดท้ายที่เหมาะสม จากข้อ 3.3.11.3.3

ทดสอบโดยแปรผันลำดับและเวลาในการเติมสารทดสอบดังนี้

- เติมสารฟุ้งเพียงอย่างเดียว
- เติมส่วนผสมที่มีเดกซ์แทรนเนสและโปรตีนเอส พร้อมกัน
- เติมส่วนผสมที่มีสารฟุ้ง เดกซ์แทรนเนส และโปรตีนเอส พร้อมกัน
- เติมสารฟุ้งทำปฏิกิริยาก่อนเป็นเวลา 1 นาที แล้วเติมส่วนผสมโปรตีนเอสกับเดกซ์แทรนเนส FI
- เติมสารฟุ้งทำปฏิกิริยาก่อนเป็นเวลา 4 นาที แล้วเติมส่วนผสมโปรตีนเอสกับเดกซ์แทรนเนส FI
- เติมส่วนผสมโปรตีนเอสกับเดกซ์แทรนเนส FI ทำปฏิกิริยาก่อนเป็นเวลา 1 นาที แล้วเติมสารฟุ้ง
- เติมส่วนผสมโปรตีนเอสกับเดกซ์แทรนเนส FI ทำปฏิกิริยาก่อนเป็นเวลา 4 นาที แล้วเติมสารฟุ้ง

ทำปฏิกิริยาจนครบ 5 นาที ที่อุณหภูมิห้อง จากนั้นต้มเดือด 5 นาที เพื่อทำลายเอนไซม์ และตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

3.3.11.3.5 ลำดับการเติมสารฟุ้ง โปรตีนเอสและเดกซ์แทรนเนส ที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์

สร้างคราบจุลินทรีย์ ตามวิธีข้อ 3.3.8 เดิมบัพเฟอร์ ปริมาตร 3 มิลลิลิตร และเติมสารทดสอบปริมาตร 2 มิลลิลิตร โดยส่วนผสมของสารทดสอบ ตามข้อ 3.3.11.3.4 ทดสอบโดยแปรผันลำดับในการเติมสารทดสอบดังนี้

- เติมสารฟุ้งที่เวลา 0 นาที เติมเดกซ์แทรนเนสที่เวลา 2 นาที และเติมโปรตีนเอสที่เวลา 4 นาที
- เติมสารฟุ้งที่เวลา 0 นาที เติมโปรตีนเอสที่เวลา 2 นาที และเติมเดกซ์แทรนเนสที่เวลา 4 นาที
- เติมโปรตีนเอสที่เวลา 0 นาที เติมสารฟุ้งที่เวลา 2 นาที และเติมเดกซ์แทรนเนสที่เวลา 4 นาที
- เติมโปรตีนเอสที่เวลา 0 นาที เติมเดกซ์แทรนเนสที่เวลา 2 นาที และเติมสารฟุ้งที่เวลา 4 นาที

- เดิมเดกซ์แทรนเนสที่เวลา 0 นาที เดิมสารฟู่ที่เวลา 2 นาที และเดิมโปรตีนเอสที่เวลา 4 นาที
  - เดิมเดกซ์แทรนเนสที่เวลา 0 นาที เดิมโปรตีนเอสที่เวลา 2 นาที และเดิมสารฟู่ที่เวลา 4 นาที
- ทำปฏิกิริยาจนครบ 6 นาที ที่อุณหภูมิห้อง จากนั้นต้มเดือด 5 นาที เพื่อทำลายเอนไซม์ และตรวจสอบปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ตามวิธีข้อ 3.3.9

3.3.11.4 การตรวจสอบปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์หลังจากการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์

หลังการทดสอบการย่อย นำน้ำส่วนใสมาตรวจสอบปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์หลังจากการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ ด้วยวิธีของ Somogyi-Nelson ตามวิธี ข้อ 3.3.7.1

3.3.11.5 การตรวจสอบลักษณะคราบจุลินทรีย์ด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด

3.3.11.5.1 การสร้างคราบจุลินทรีย์บนแผ่นสไลด์

สร้างคราบจุลินทรีย์ตามวิธีข้อ 3.3.8 แต่ใช้จานเพาะเชื้อที่มีแผ่นปิดสไลด์ปราศจากเชื้อแทนไมโครไตเตอร์เพลตหรือหลอดทดลอง เมื่อครบกำหนดเวลานำสไลด์มาล้างและทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์ในจานเพาะเชื้อที่มีสารละลายไซโตเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์ ปริมาตร 16 มิลลิลิตร และเติมสารทดสอบปริมาตร 4 มิลลิลิตร ดังนี้

- เดิมสารละลายไซโตเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์ (ชุดควบคุม)
- เดิมเดกซ์แทรนเนส ให้มีความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร
- เดิมปาเปน ให้มีความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 0.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร
- เดิมส่วนผสมที่มีเดกซ์แทรนเนสความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตรและโปรตีนเอสความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 0.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร พร้อมกัน

ทำปฏิกิริยาจนครบ 5 นาที ที่อุณหภูมิห้อง จากนั้นล้างสไลด์ เพื่อตรวจสอบลักษณะคราบจุลินทรีย์ด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด



### 3.3.11.5.2 ขั้นตอนการเตรียมตัวอย่างสำหรับศึกษาด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด

ตรวจสอบขนาดแผ่นสไลด์ที่มีคราบจุลินทรีย์ให้มีขนาดไม่เกิน 5 ตารางเซนติเมตร และหนาไม่เกิน 3 มิลลิเมตร หากเกินจากที่กำหนดต้องตัดให้เรียบร้อยก่อนแช่ตัวอย่างใน 2.5% กลูตารัลดีไฮด์ ใน 0.1 M สารละลายฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 7.2 นาน 1-2 ชั่วโมง จากนั้นล้างด้วยสารละลายฟอสเฟตบัฟเฟอร์ 2 ครั้ง น้ำกลั่น 1 ครั้ง ครั้งละ 10 นาที แล้วจึงนำน้ำออก (dehydrate) ด้วยเอทานอล ความเข้มข้น 30% 50% 70% และ 95% ความเข้มข้นละ 1 ครั้ง ครั้งละ 10 นาที ตามลำดับ แล้วจึงแช่ใน absolute ethanol จำนวน 3 ครั้ง ครั้งละ 10 นาที จึงนำตัวอย่างมาทำแห้ง ณ จุดวิกฤตด้วยเครื่อง Critical Point Dryer (ยี่ห้อ Balze, model CPD 020) แล้วจึงติดตัวอย่างบนแท่นวางตัวอย่าง (stub) ด้วยเทปกาวสองหน้าหรือกาว นำตัวอย่างไปฉาบทองด้วยเครื่อง Ion sputter (ยี่ห้อ Balze, model SCD 040) แล้วนำไปส่องดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด (ยี่ห้อ JEOL, model JSM-5410LV) โดยส่งตรวจตัวอย่างที่ศูนย์เครื่องมือวิจัยวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

## บทที่ 4 ผลการทดลอง

### 4.1 การเตรียมเดกซ์แทรนเพื่อใช้เป็นสารชักนำในการผลิตเดกซ์แทรนเนส

#### 4.1.1 เดกซ์แทรนที่มีพันธะ $\alpha$ -1,6 สูง

เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 สูงที่ใช้คือ เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรมที่มีจำหน่ายทางการค้า (Sigma Co.; USA) ซึ่งผลิตจาก *Leuconostoc mesenteroides* B-512F มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 ประมาณ 95 เปอร์เซ็นต์ และพันธะ  $\alpha$ -1,3 ประมาณ 5 เปอร์เซ็นต์ (Peter, 1994)

#### 4.1.2 เดกซ์แทรนที่มีพันธะ $\alpha$ -1,3 และ $\alpha$ -1,6

เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6 เป็นเดกซ์แทรนที่เตรียมขึ้นใช้เองจาก *S. sobrinus* 6715 ภายใต้สภาวะการเลี้ยงด้วยอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว BHI ที่เสริมด้วยซูโครสความเข้มข้น 2 เปอร์เซ็นต์ บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส แบบไม่เขย่า เป็นเวลา 24 ชั่วโมง มีลักษณะเป็นผงละเอียดสีขาว ดังรูปที่ 4.1 มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 ประมาณ 33 เปอร์เซ็นต์ และพันธะ  $\alpha$ -1,3 ประมาณ 67 เปอร์เซ็นต์ (Davis และคณะ, 1986) นำแผ่นฟิล์มสีขาวมาทำบริสุทธิ์บางส่วนและทำแห้งด้วยเครื่องระเหยแห้งโดยใช้อุณหภูมิต่ำ ตามวิธีในข้อ 3.3.2.2

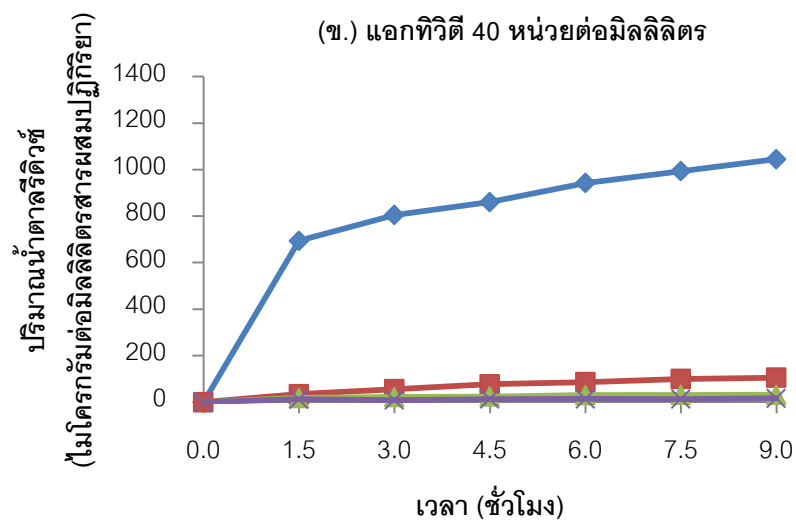
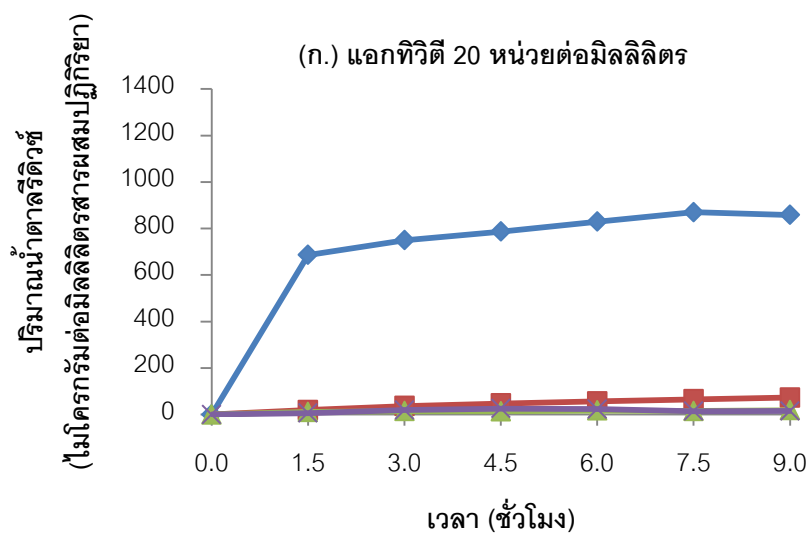


รูปที่ 4.1 ลักษณะของเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6 ที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715

#### 4.1.3 เดกซ์แทรนที่มีพันธะ $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ จากการสลายพันธะ $\alpha$ -1,6 ออกจาก เดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715

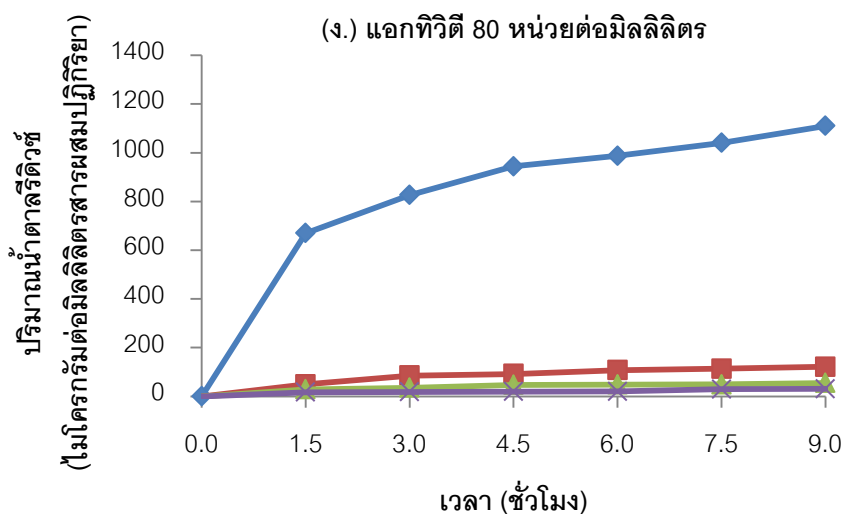
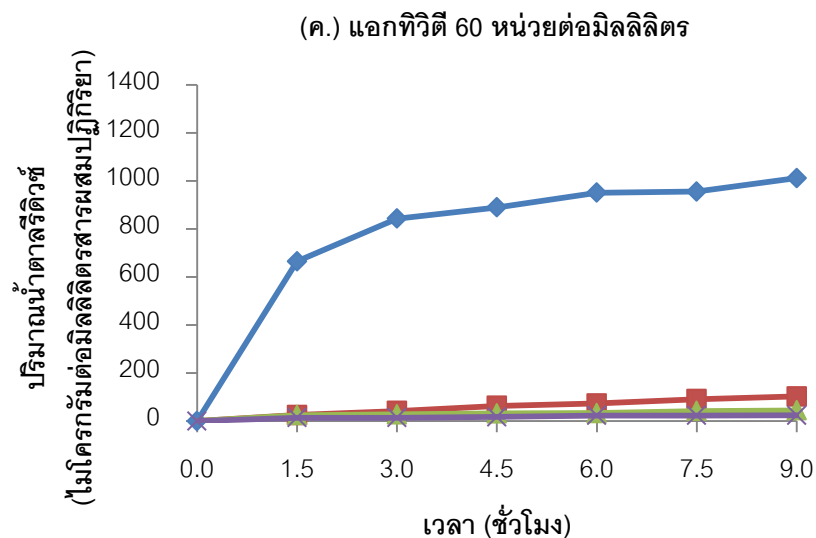
4.1.3.1 การเปรียบเทียบแอกทิวิตีของเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] จาก *P. pinophilum* SMCU3-14 หรือ เดกซ์แทรนเนส FI เพื่อผลิตเดกซ์แทรนพันธะ  $\alpha$ -1,3 ด้วยการย่อยสลายพันธะ  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 จากข้อ 4.1.2

จากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแอกทิวิตีเท่ากับ 20 40 60 80 และ 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร เก็บตัวอย่างเพื่อวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ ทุก 1.5 ชั่วโมง จนครบ 9 ชั่วโมง จากนั้นปั่นเหวี่ยง ล้างตะกอนแล้วเติมเดกซ์แทรนเนส FI แอกทิวิตีเท่าเดิมอีกครั้ง ทำปฏิกิริยาซ้ำ 4 ครั้ง จากรูปที่ 4.2 พบว่าจากการย่อยครั้งที่ 1 เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแอกทิวิตีเท่ากับ 20 40 60 80 และ 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร ย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ให้ผลิตภัณฑ์เป็นน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มมากขึ้นตามระยะเวลาการย่อยเทียบจากเวลาเริ่มต้น (0 ชั่วโมง) โดยปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นสูงสุดคือ 869.70 1,044.85 1012.12 1,110.31 และ 1,244.85 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร ตามลำดับ จากนั้นล้างตะกอนเดกซ์แทรนด้วยน้ำกลั่นและเติมเดกซ์แทรนเนส FI แอกทิวิตีเท่าเดิมใหม่อีก 3 ครั้ง พบว่าการย่อยครั้งที่ 2 และ 3 นั้น เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแอกทิวิตีเท่ากับ 20 40 60 80 และ 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร ย่อยเดกซ์แทรนและให้ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มขึ้นเล็กน้อยเช่นเดียวกัน และการย่อยครั้งที่ 4 พบว่า ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นสูงสุดจากการย่อย คือ 15.03 16.25 24.49 30.54 และ 24.73 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร ตามลำดับ ซึ่งถือว่าปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มขึ้นน้อยมาก จึงกล่าวได้ว่าเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 และ  $\alpha$ -1,3 ที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ถูกย่อยด้วยเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] หรือ เดกซ์แทรนเนส FI จนเหลือเป็นเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่



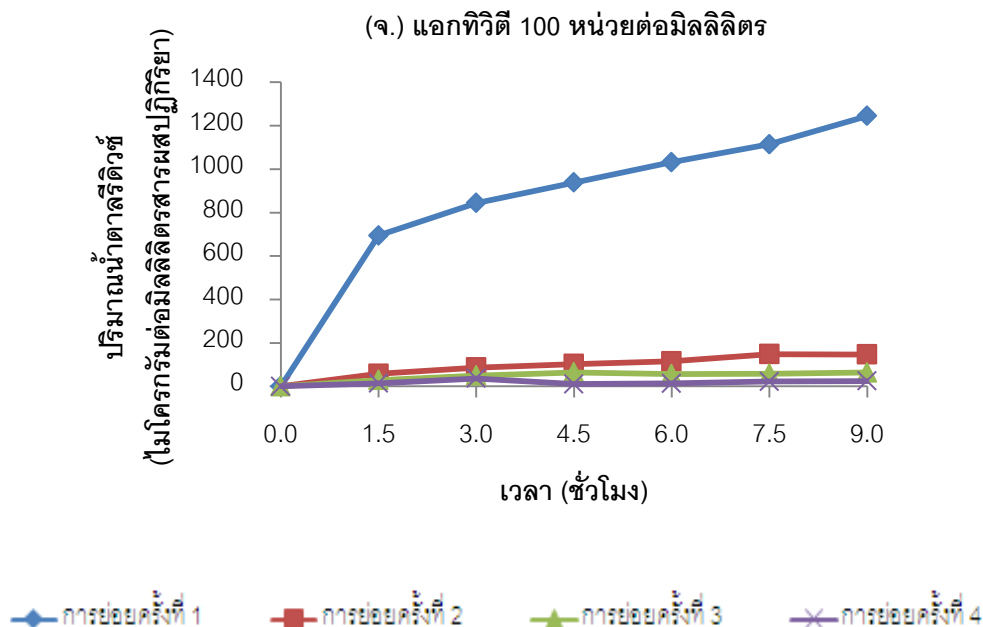
—◆— การย่อยครั้งที่ 1    —■— การย่อยครั้งที่ 2    —▲— การย่อยครั้งที่ 3    —×— การย่อยครั้งที่ 4

รูปที่ 4.2 แสดงผลการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] จาก *P. pinophilum* SMCU3-14 หรือ เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีความเข้มข้น (ก.) 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ข.) 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ค.) 60 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ง.) 80 หน่วยต่อมิลลิลิตร และ (จ.) 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยวัดจากปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นจากเวลาเริ่มต้น (ชั่วโมงที่ 0)



◆ การย่อยครั้งที่ 1    ■ การย่อยครั้งที่ 2    ▲ การย่อยครั้งที่ 3    ✕ การย่อยครั้งที่ 4

รูปที่ 4.2 (ต่อ) แสดงผลการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส  $[\alpha-1,6]$  จาก *P. pinophilum* SMCU3-14 หรือ เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีความเข้มข้น (ก.) แยกทิวดี 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ข.) 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ค.) 60 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ง.) 80 หน่วยต่อมิลลิลิตร และ (จ.) 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยวัดจากปริมาณน้ำตาวรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นจากเวลาเริ่มต้น (ชั่วโมงที่ 0)



รูปที่ 4.2 (ต่อ) แสดงผลการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส  $[\alpha\text{-}1,6]$  จาก *P. pinophilum* SMCU3-14 หรือ เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีความเข้มข้น (ก.) แอวกทิวิตี 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ข.) 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ค.) 60 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ง.) 80 หน่วยต่อมิลลิลิตร และ (จ.) 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยวัดจากปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นจากเวลาเริ่มต้น (ชั่วโมงที่ 0)

จากนั้นนำเดกซ์แทรนที่เหลือจากการย่อยมาทำบริสุทธิ์บางส่วนแล้วทำแห้งด้วยเครื่องระเหยแห้งโดยใช้อุณหภูมิต่ำพบว่าลักษณะของเดกซ์แทรนที่เหลืออยู่มีลักษณะคล้ายกันและสีของเดกซ์แทรนมีสีน้ำตาลเข้มขึ้นตามแอวกทิวิตีที่เพิ่มขึ้น ดังแสดงในรูปที่ 4.3 เนื่องจากเดกซ์แทรนเนสเป็นเอนไซม์ที่หลั่งออกมาภายนอกเซลล์ และในงานวิจัยนี้ใช้เดกซ์แทรนเนสแบบเอนไซม์หยาบ (Crude enzyme) ที่ผลิตจากเชื้อ *P. pinophilum* SMCU3-14 ที่มีกากน้ำตาลเป็นส่วนประกอบในอาหารเลี้ยงเชื้อ ซึ่งให้แอวกทิวิตีสูงถึง 858.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร จึงต้องเจือจางเอนไซม์ให้มีความเข้มข้นที่เหมาะสมก่อนการทดสอบ ทำให้สีของเดกซ์แทรนเนสแปรตามความเข้มข้นของแอวกทิวิตีเดกซ์แทรนเนส



(ก)



(ข)



(ค)



(ง)



(จ)

**รูปที่ 4.3** ลักษณะเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีความเข้มข้น (ก.) 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ข.) 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ค.) 60 หน่วยต่อมิลลิลิตร (ง.) 80 หน่วยต่อมิลลิลิตร และ (จ.) 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร จากนั้นนำมาทำบริสุทธิ์เดกซ์แทรน บางส่วนแล้วทำให้แห้งด้วยเครื่องระเหยแห้งโดยใช้อุณหภูมิต่ำ

ดังนั้นในการผลิตเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่เพื่อเป็นสารชักนำในการผลิตเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3] จึงเลือก เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแอกทิวิตีเท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร เติมนอนไซม์ใหม่จำนวน 4 ครั้ง ทุก 9 ชั่วโมง เนื่องจากสามารถผลิตเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่โดยใช้แอกทิวิตีน้อยที่สุดในการทดสอบ

4.1.3.2 การตรวจสอบผลิตภัณฑ์ของการย่อยสลายเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแอกทิวิตีเท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร

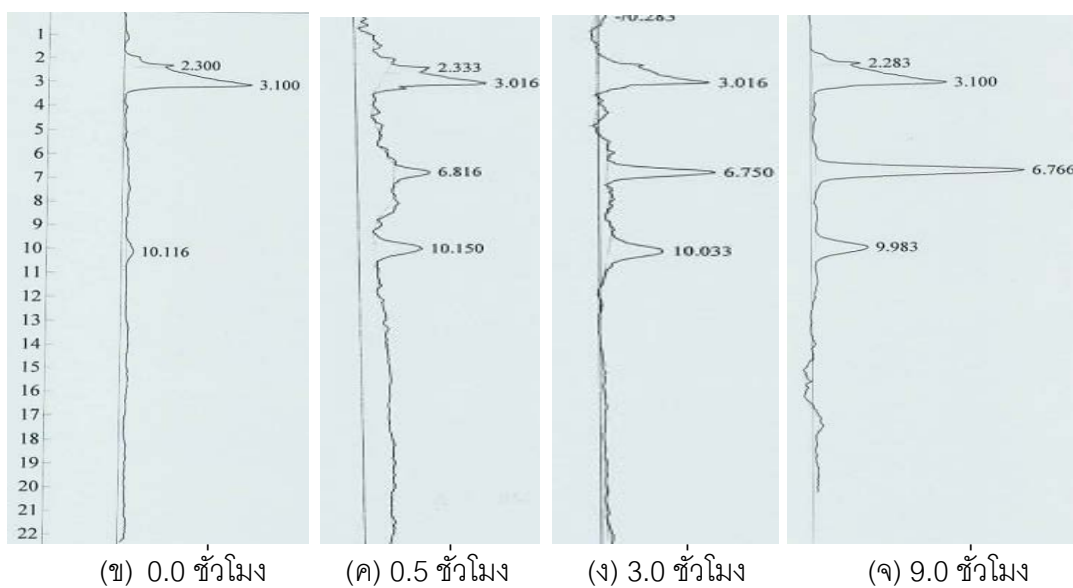
ตรวจสอบผลิตภัณฑ์ที่เกิดขึ้นจากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแอกทิวิตีเท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยเก็บตัวอย่างจากการย่อยครั้งที่ 1 ที่เวลา 0.0 0.5 3.0 และ 9.0 ชั่วโมง มากรองผ่านกระดาษกรองขนาด 0.45 ไมครอน จากนั้นนำไปหาปริมาณและชนิดของน้ำตาลโดยวิธีโครมาโทกราฟีแบบของเหลวสมรรถนะสูง โดยใช้สารละลายกลูโคส มอลโทส มอลโทไทรโอส มอลโทเทตราโอสเป็นสารละลายมาตรฐาน จากรูปที่ 4.4 พบว่า การย่อยเป็นเวลา 0.5 3.0 และ 9.0 ชั่วโมง ให้ผลิตภัณฑ์ที่เด่นชัดเมื่อเทียบกับสารละลายมาตรฐาน คือ กลูโคสและมอลโทส

จากรูปที่ 4.2 (ก) เมื่อพิจารณาการย่อยครั้งที่ 1 ของการสลายพันธะ  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI นั้น พบว่าปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เป็นผลิตภัณฑ์จากการย่อยเพิ่มขึ้นมากสุดในเวลา 0-1.5 ชั่วโมง และช่วงเวลา 1.5-9.0 ชั่วโมง ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มขึ้นเล็กน้อยจนค่อนข้างคงที่ เนื่องจากเมื่อผ่านการย่อยไป 9.0 ชั่วโมง เอนไซม์มีแอกทิวิตีลดลง 81.57 เปอร์เซ็นต์ จากการที่น้ำตาลรีดิวซ์คั้งที่นั้นอาจเกิดจากการย่อยโดยสมบูรณ์หรือเกิดจากการที่เอนไซม์หมดแอกทิวิตี จึงทดสอบโดยเติมเดกซ์แทรนเนส FI 20 หน่วยต่อมิลลิลิตรเพิ่มที่เวลา 4.5 ชั่วโมง จากรูปที่ 4.5 พบว่า การเติมเอนไซม์เพิ่มมีผลให้อัตราการเพิ่มของน้ำตาลรีดิวซ์สูงขึ้นกว่าการไม่เติมเอนไซม์ แต่น้อยกว่าช่วง 0-1.5 ชั่วโมง เนื่องจากช่วงเวลา 0-4.5 ชั่วโมง เดกซ์แทรนเนส FI ย่อยพันธะ  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ได้เป็นส่วนใหญ่ จึงเหลือพันธะ  $\alpha$ -1,6 เป็นส่วนน้อย และพันธะอื่นๆ เช่น พันธะ  $\alpha$ -1,3 ที่ไม่ถูกย่อย ดังนั้น การเติมเดกซ์แทรนเนส FI เพิ่มจึงเป็นการย่อยเดกซ์แทรนที่เหลือเพิ่มเติม





(ก) สารละลายมาตรฐาน



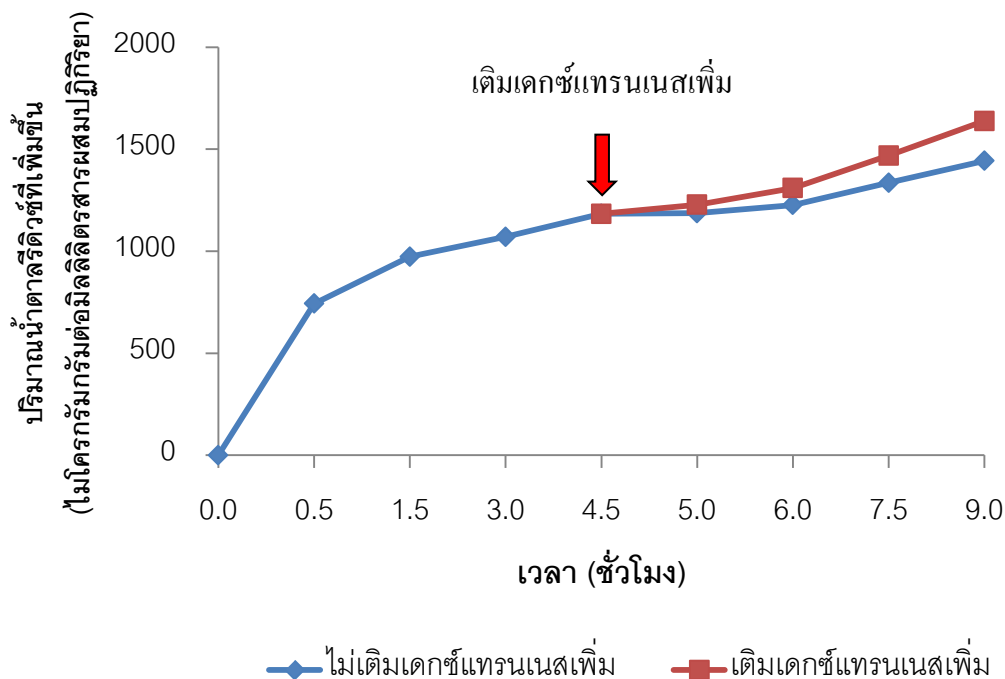
(ข) 0.0 ชั่วโมง

(ค) 0.5 ชั่วโมง

(ง) 3.0 ชั่วโมง

(จ) 9.0 ชั่วโมง

**รูปที่ 4.4** โครมาโทแกรมแสดง (ก) สารละลายมาตรฐาน และผลิตภัณฑ์ของการย่อยครั้งที่ 1 สำหรับการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] แอกลิวิตีเท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตรที่เวลา (ข) 0.0 ชั่วโมง (ค) 0.5 ชั่วโมง (ง) 3.0 ชั่วโมง และ (จ) 9.0 ชั่วโมง

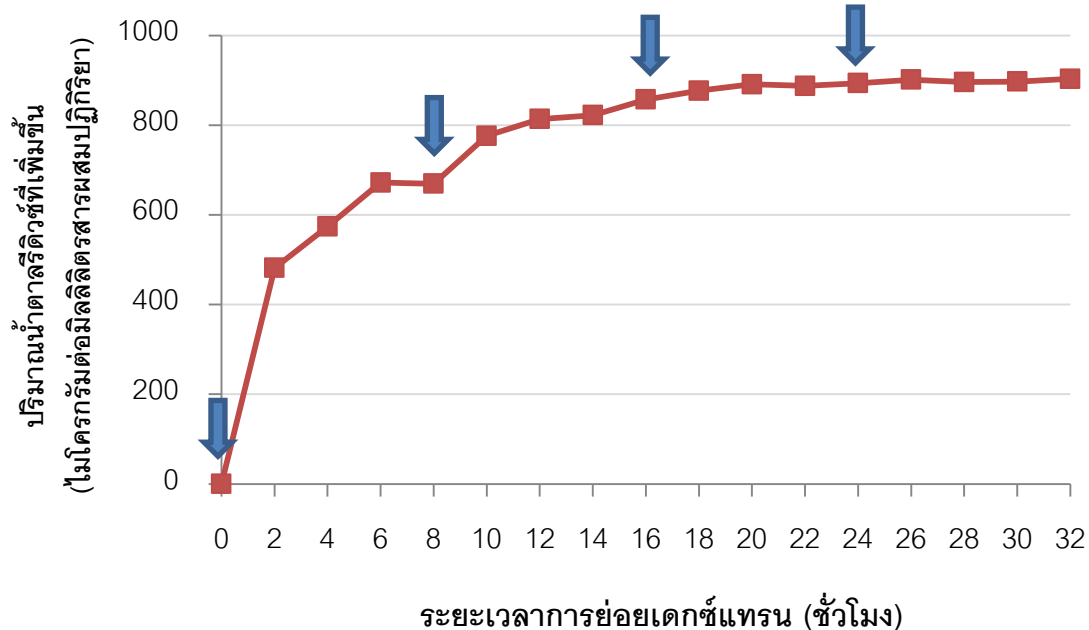


รูปที่ 4.5 แสดงผลการย่อยครั้งที่ 1 ของการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] จาก *P. pinophilum* SMCU3-14 แยกทิวติ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่มีการเติม/ไม่เติมเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] แยกทิวติ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร เพิ่มที่เวลา 4.5 ชั่วโมง

4.1.3.3 การผลิตเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่โดยย่อยสลายพันธะ  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแยกทิวติเท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยไม่ล้างตะกอนเดกซ์แทรนก่อนการเติมเอนไซม์ซ้ำแต่ละครั้ง

ย่อยสลายพันธะ  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 โดยเติมเดกซ์แทรนเนส FI ที่มีแยกทิวติเท่ากับ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทุก 8 ชั่วโมง บ่มที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส พร้อมเขย่าที่ 200 รอบต่อนาที และเก็บตัวอย่างเพื่อวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ทุก 2 ชั่วโมง จากรูปที่ 4.6 แสดงว่า การย่อยครั้งที่ 1 มีอัตราการเกิดผลิตภัณฑ์จากการย่อยเดกซ์แทรน คือ น้ำตาลรีดิวซ์สูงสุด รองลงมาคือ การย่อยครั้งที่ 2 และ 3 ตามลำดับ และการย่อยครั้งที่ 4 ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นคงที่ นั่นคือ เดกซ์แทรนที่เหลือจากการย่อยครั้งที่สี่ควรจะเป็นเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่

จากการทดสอบข้อ 4.1.3.1 และ 4.1.3.3. ที่มีการล้างหรือไม่ล้างตะกอนเดกซ์แทรนก่อนการเติมเอนไซม์ซ้ำแต่ละครั้ง ให้ผลการทดลองที่สอดคล้องกัน คือ เดกซ์แทรนที่เหลือจากการย่อยครั้งที่ 4 เป็นเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ เนื่องจากเติมเดกซ์แทรนที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 มีทั้งพันธะ  $\alpha$ -1,6 และพันธะ  $\alpha$ -1,3 ประมาณ 33 เปอร์เซ็นต์ และ 67 เปอร์เซ็นต์ ตามลำดับ ซึ่งในการย่อยครั้งที่ 4 ที่มีการเติม เดกซ์แทรนเนส FI กลับไม่มีผลต่อการเพิ่มปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เหมือนกับครั้งที่ 1-3 แสดงว่า เดกซ์แทรนพันธะ  $\alpha$ -1,6 ถูกย่อยสลายจนหมดในการย่อยครั้งที่ 4 และคงเหลือเป็นเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่



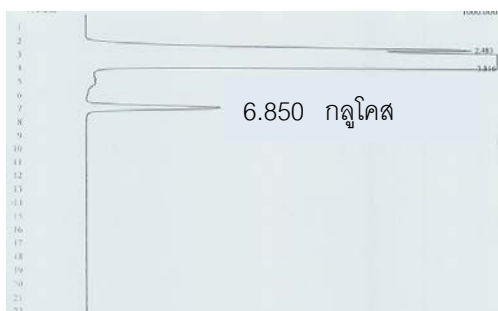
**รูปที่ 4.6** แสดงผลการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส FI ซึ่งมี แอกทิวิตี 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร จำนวน 4 ครั้ง (ตามลูกศร) คือ ชั่วโมงที่ 0 ชั่วโมงที่ 8 ชั่วโมงที่ 16 และชั่วโมงที่ 24

4.1.3.3 การตรวจสอบว่าเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส FI เป็นเดกซ์แทรนที่เป็นพอลิเมอร์ของน้ำตาลกลูโคส

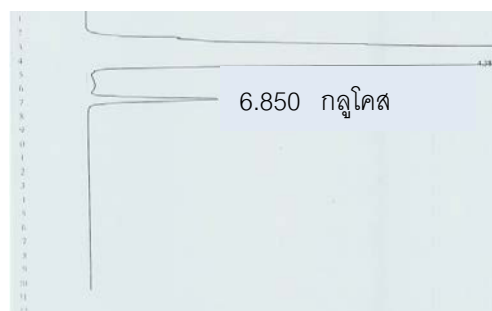
นำเดกซ์แทรนที่-2000 เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม เดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 และเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส FI และผ่านการระเหยแห้งแล้ว ชนิดละ 10 มิลลิกรัม มาย่อยด้วยกรดซัลฟูริก 1 โมลาร์ ปริมาตร 1 มิลลิลิตร โดยนำไปนึ่งในเครื่องอบฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 120 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง จากนั้นปรับสารละลายที่ได้ให้มีค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 7.0 แล้วนำไปกรองผ่านกระดาษกรองขนาด 0.45 ไมครอน จากนั้นนำไปหาปริมาณและชนิดของน้ำตาลโดยวิธีโครมาโทกราฟีแบบของเหลวสมรรถนะสูง โดยใช้สารละลายกลูโคส มอลโทส มอลโทไทรโอส มอลโทเทตราโอสเป็นสารละลายมาตรฐาน จากรูปที่ 4.7 พบว่า ที่เวลา 6.8 นาที สารที่ได้จากการย่อยสลายเดกซ์แทรน ที่-2000 (รูป ข) เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (รูป ค) เดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 (รูป ง) และเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 ในปริมาณสูงที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] (รูป ง) มีเวลาริเทนชัน (Retension time) เดียวกันกับกลูโคส ซึ่งได้ผลิตภัณฑ์เพียงชนิดเดียว และให้ผลสอดคล้องกับงานวิจัยของนันทิดา วานิชวงศ์วรรณ (2545) จึงกล่าวได้ว่าเดกซ์แทรนทั้ง 4 ชนิดที่ผ่านการย่อยด้วยกรดซัลฟูริก ได้ผลิตภัณฑ์เพียงชนิดเดียว คือ กลูโคส ดังนั้น เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่เป็นเดกซ์แทรนที่เป็นพอลิเมอร์ของน้ำตาลกลูโคส เช่นเดียวกับเดกซ์แทรน ที่-2000 เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม และเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715



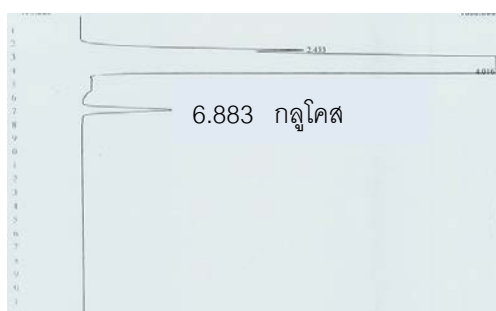
(ก) สารละลายมาตรฐาน



(ข) เดกซ์แทรน ที-2000



(ค) เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม

(ง) เดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715(จ) เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่

**รูปที่ 4.7** โครมาโทแกรมแสดง (ก) สารละลายมาตรฐาน และผลิตภัณฑ์ที่ได้จากการย่อยสลายด้วยกรดซัลฟูริกของ (ข) เดกซ์แทรน ที-2000 (ค) เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (ง) เดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 และ (จ) เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนที่ผลิตจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6]

4.2 แยกทิวิตีจำเพาะของเดกซ์แทรนเนสจาก *Arthrobacter* sp. AG-2 และ *P. pinophilum* SMCU3-14 ที่ชักนำด้วยเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม เดกซ์แทรนจาก *S. sobrinus* 6715 และเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วยเดกซ์แทรนเนส FI

เดกซ์แทรนเนสที่ใช้ในการทดลองนี้จะผลิตจากจุลินทรีย์คือ แบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 และรา *P. pinophilum* SMCU3-14 โดยแต่ละชนิดจะชักนำด้วยสารชักนำ 3 ชนิด ได้แก่

1) เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (Sigma Co.; USA) ที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 ปริมาณสูงจะให้เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อ  $\alpha$ -1,6 หรือเรียกในที่นี้เป็น เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] ชื่อย่อ BI (เดกซ์แทรนเนสจากแบคทีเรีย) และชื่อย่อ FI (เดกซ์แทรนเนสจากรา)

2) เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6 ที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 จะผลิตได้เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อ  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6 หรือเรียกในที่นี้เป็น เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6] ชื่อย่อ BB (เดกซ์แทรนเนสจากแบคทีเรีย) และชื่อย่อ FB (เดกซ์แทรนเนสจากรา)

3) เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] อย่างเต็มที่ ได้เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อ  $\alpha$ -1,3 หรือเรียกในที่นี้เป็น เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,3] ชื่อย่อ BB-1,3 (เดกซ์แทรนเนสจากแบคทีเรีย) และชื่อย่อ FB-1,3 (เดกซ์แทรนเนสจากรา)

เมื่อวิเคราะห์แยกทิวิตีจำเพาะของเดกซ์แทรนเนสทั้ง 6 ชนิดโดยสับสเตรทคือเดกซ์แทรนที-2000 ที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 สูง และวิเคราะห์ตามวิธีในข้อ 3.3.7 พบว่า เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากรา *P. pinophilum* SMCU3-14 มีแยกทิวิตีสูงกว่าเดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 ไม่ว่าจะใช้เดกซ์แทรนชนิดใดเป็นสารชักนำก็ตาม และหากพิจารณาในแง่ของสารชักนำพบว่าเดกซ์แทรนเนสที่มีสารชักนำเป็นเดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรมให้แยกทิวิตีมากที่สุด รองลงมาคือ เดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6 ที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 และเดกซ์แทรนที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนจาก *S. sobrinus* 6715 ด้วย [ $\alpha$ -1,6] เดกซ์แทรนเนส ตามลำดับ ดังแสดงในตารางที่ 4.1

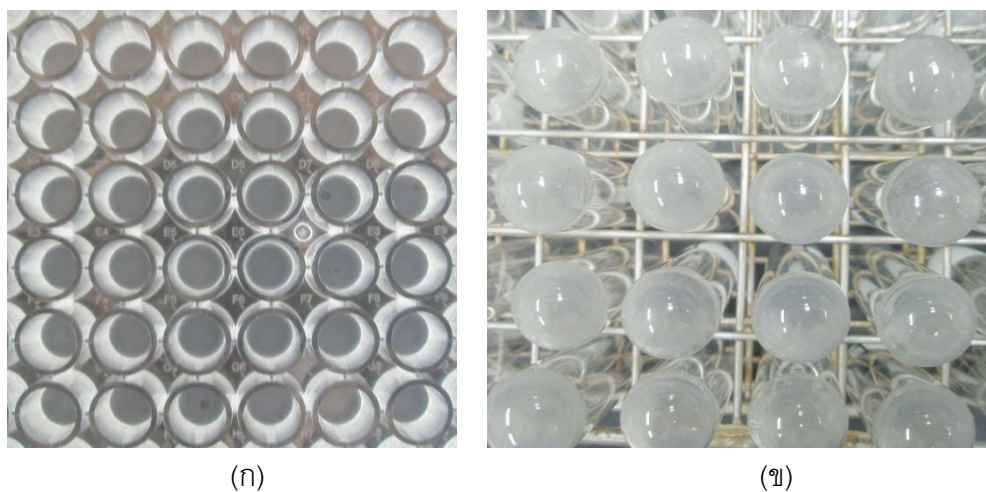
ตารางที่ 4.1 แสดงการเปรียบเทียบแอกทิวิตี ปริมาณโปรตีน และแอกทิวิตีจำเพาะของเดกซ์แทรนเนส

แหล่งของเดกซ์แทรนเนส และชนิดของสารชักนำ	ตัวอย่าง	แอกทิวิตี* (หน่วย ต่อมล.)	ปริมาณ โปรตีน (มก.ต่อมล.)	แอกทิวิตี จำเพาะ (หน่วยต่อ มก.โปรตีน)
<b>แบคทีเรีย</b>				
<i>Arthrobacter</i> sp.AG-2				
เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม	(BI)	24.18	2.15	11.25
เดกซ์แทรนจาก <i>S. sobrinus</i> 6715	(BB)	0.15	1.88	0.08
เดกซ์แทรนที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วย [ $\alpha$ -1,6] เดกซ์แทรนเนส	(BB-1,3)	0	1.14	0
<b>รา</b>				
<i>P. pinophilum</i> SMCU 3-14				
เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม	(FI)	858.25	4.11	208.82
เดกซ์แทรนจาก <i>S. sobrinus</i> 6715	(FB)	614.25	4.82	127.44
เดกซ์แทรนที่เหลือจากการย่อยเดกซ์แทรนจาก <i>S. sobrinus</i> 6715 ด้วย [ $\alpha$ -1,6] เดกซ์แทรนเนส	(FB-1,3)	5.47	4.36	1.25

\*ในการวัดแอกทิวิตีของเดกซ์แทรนเนสนั้นจะใช้เดกซ์แทรนที-2000 เป็นสับสเตรทซึ่งมีพันธะ  $\alpha$ -1,6 สูง

#### 4.3 การสร้างคราบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลตจากกล้าเชื้อ *S. sobrinus* 6715

การสร้างคราบจุลินทรีย์ในไมโครไตเตอร์เพลตจาก *S. sobrinus* 6715 โดยเติมเชื้อลงในอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว BHI ที่เสริมด้วยซูโครสความเข้มข้น 2 เปอร์เซ็นต์ จนมีค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 560 นาโนเมตร เท่ากับ 0.1 หรือเท่ากับ  $2.46 \times 10^8$  เซลล์ต่อมิลลิลิตร จึงเติมในไมโครไตเตอร์เพลตหรือหลอดทดลอง บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ในภาวะที่มีออกซิเจนต่ำเป็นเวลา 3 ชั่วโมง จะได้คราบจุลินทรีย์ ดังรูปที่ 4.8



**รูปที่ 4.8** แสดงคราบจุลินทรีย์ที่เกิดจาก *S. sobrinus* 6715 ใน (ก) ไมโครไตเตอร์เพลต (ข) หลอดทดลอง

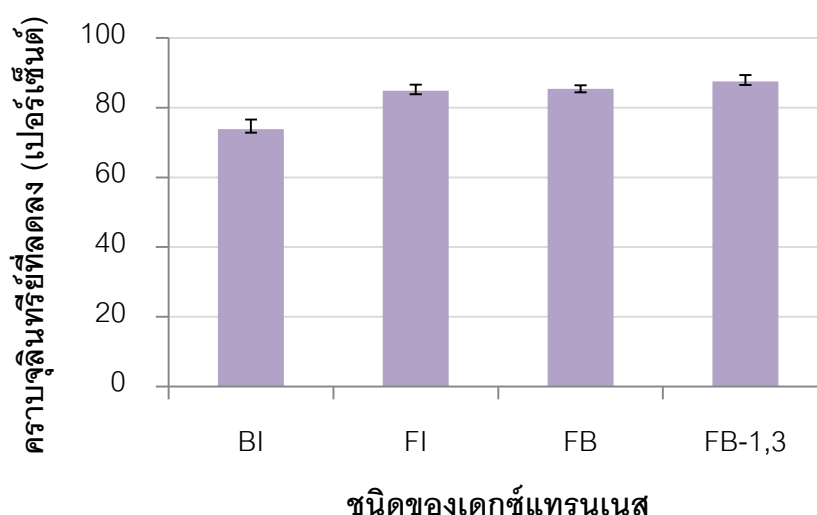


#### 4.4 ภาวะที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส

ศึกษาภาวะการสลายคราบจุลินทรีย์บนไมโครไตเตอร์เพลต หรือหลอดทดลอง ที่ใช้เป็นแบบจำลองภายนอกร่างกาย โดยทดสอบที่อุณหภูมิห้อง และระบบบัพเฟอร์ที่เหมาะสมกับเอนไซม์ เพื่อสามารถนำไปประยุกต์ใช้ในการล้างทำความสะอาดอุปกรณ์ที่ใช้ภายในช่องปาก เช่น ฟันปลอม

##### 4.4.1 ชนิดของเดกซ์แทรนเนสต่อการสลายคราบจุลินทรีย์

จากข้อ 4.2 ที่แอกทิวิตีของเดกซ์แทรนเนส BB และ BB-1,3 มีค่าน้อยมากไม่สามารถนำมาศึกษาต่อได้ ดังนั้นการศึกษาต่อไปจึงเปรียบเทียบเฉพาะความสามารถในการสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส BI FI FB และ FB-1,3 ที่มีความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ในเวลา 15 นาที เท่านั้น พบว่า เดกซ์แทรนเนสจากแบคทีเรีย (BI) และเดกซ์แทรนเนสจากรา (FI FB และ FB-1,3) สามารถย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ได้ใกล้เคียงกันโดยไม่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญ ดังรูปที่ 4.9 แต่ในการผลิตเดกซ์แทรนเนสในปริมาณที่เท่ากันราจะผลิตเดกซ์แทรนเนสที่มีแอกทิวิตีสูงกว่า จึงเหมาะต่อการผลิตในเชิงอุตสาหกรรมมากกว่า ดังนั้นจึงเลือกเดกซ์แทรนเนสจากรา เพื่อการทดสอบต่อไป



รูปที่ 4.9 การสลายคราบจุลินทรีย์โดยเดกซ์แทรนเนส BI FI FB และ FB-1,3 ที่มีความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ในระบบบัพเฟอร์ อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 15 นาที

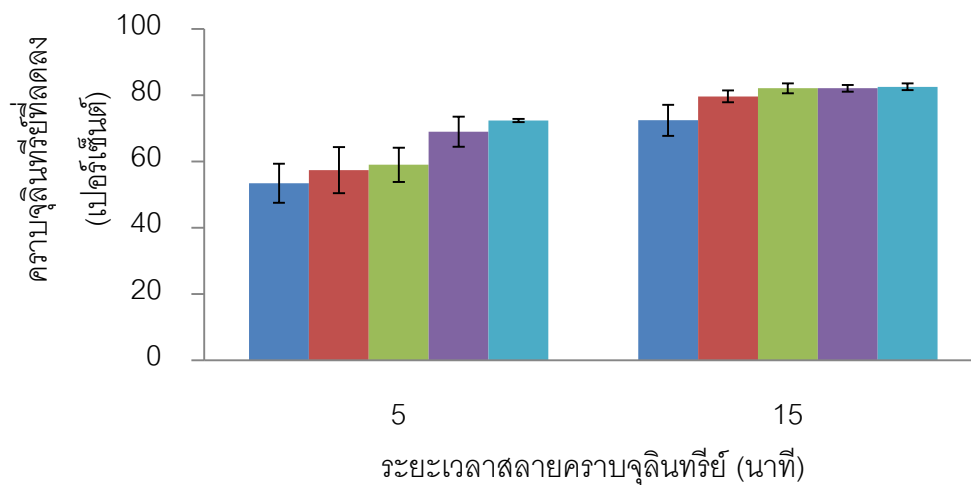
#### 4.4.2 ความเข้มข้นที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส FI FB และ FB-1,3 โดยมีระยะเวลาสลายคราบเป็นเวลา 5 และ 15 นาที

จากการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส FI FB และ FB-1,3 ที่มีความเข้มข้นสุดท้ายเป็น 1 2 3 4 และ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร และระยะเวลาสลายคราบจุลินทรีย์เป็นเวลา 5 และ 15 นาที จากรูปที่ 4.10 พบว่า เดกซ์แทรนเนส FI และ FB สามารถสลายคราบจุลินทรีย์ได้เพิ่มมากขึ้นตามความเข้มข้นและระยะเวลาที่เพิ่มขึ้น แต่เดกซ์แทรนเนส FB-1,3 เมื่อเพิ่มความเข้มข้นจาก 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็น 2 หน่วยต่อมิลลิลิตร จะสลายคราบจุลินทรีย์ได้สูงที่สุด และการสลายคราบจะลดลงเมื่อความเข้มข้นสูงกว่า 2 หน่วยต่อมิลลิลิตร เนื่องจากแอกทิวิตีเริ่มต้นจากเอนไซม์หยาบ (Crude enzyme) ของเดกซ์แทรนเนส FB-1,3 ต่ำกว่าเดกซ์แทรนเนส FI และ FB เท่ากับ 156.90 และ 112.29 เท่า ตามลำดับ จึงต้องปรับความเข้มข้นสุดท้ายของแต่ละเอนไซม์ให้เท่ากันเพื่อเปรียบเทียบความเข้มข้นที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนสได้ จึงทำให้ต้องใช้เนื้อสารของเดกซ์แทรนเนส FB-1,3 มากกว่า ดังนั้น เนื้อสารดังกล่าวที่มีส่วนผสมของอาหารเลี้ยงเชื้ออาจเข้ายึดติดกับคราบจุลินทรีย์ทำให้บดบังการทำงานของเอนไซม์ได้

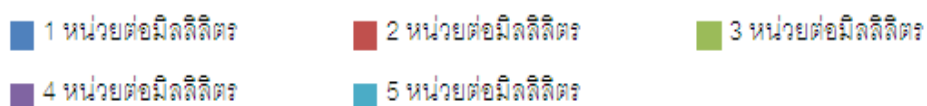
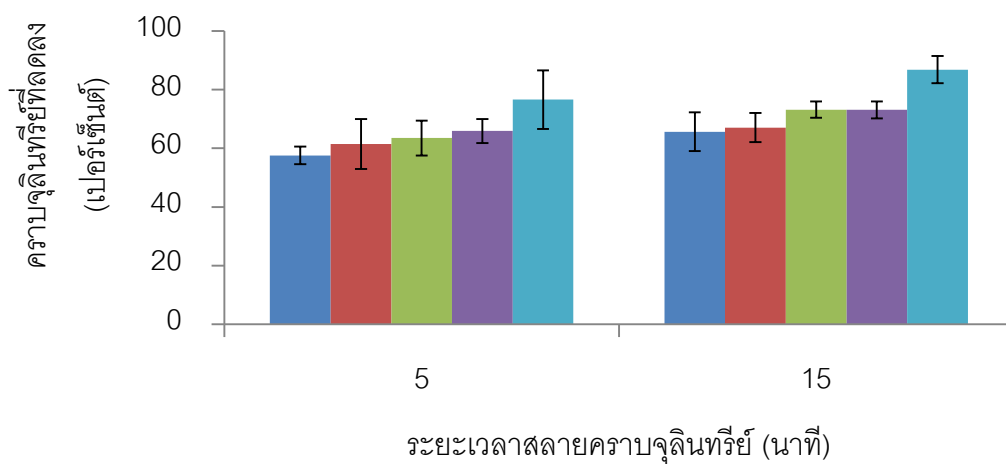
เมื่อเปรียบเทียบประสิทธิภาพของการสลายคราบจุลินทรีย์ พบว่า เดกซ์แทรนเนส FI และ FB สลายคราบจุลินทรีย์ได้ใกล้เคียงกันในทุกความเข้มข้น และเดกซ์แทรนเนส FI FB และ FB-1,3 ที่ความเข้มข้น 1-2 หน่วยต่อมิลลิลิตร มีระยะเวลาสลายคราบจุลินทรีย์ 15 นาที สามารถย่อยสลายคราบได้ใกล้เคียงกัน แต่เดกซ์แทรนเนส FI เป็นเอนไซม์ที่ใช้เดกซ์แทรนเนสเกรดอุตสาหกรรมเป็นสารชักนำ จึงผลิตง่ายกว่าและเหมาะสมต่อการผลิตเอนไซม์เชิงอุตสาหกรรมมากกว่าการเตรียมสารชักนำเองจากแบคทีเรีย *S. sobrinus* 6715 จึงใช้เดกซ์แทรนเนส FI ในการทดสอบต่อไป

สำหรับความเข้มข้นและระยะเวลาที่เหมาะสมที่สุดต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส FI คือ ความเข้มข้น 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่ระยะเวลา 5 นาที หรือ ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่ระยะเวลา 15 นาที ทั้งนี้ขึ้นกับจุดประสงค์ของการทดสอบว่าต้องการประหยัดเวลา หรือประหยัดเอนไซม์

(ก) การสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส FI

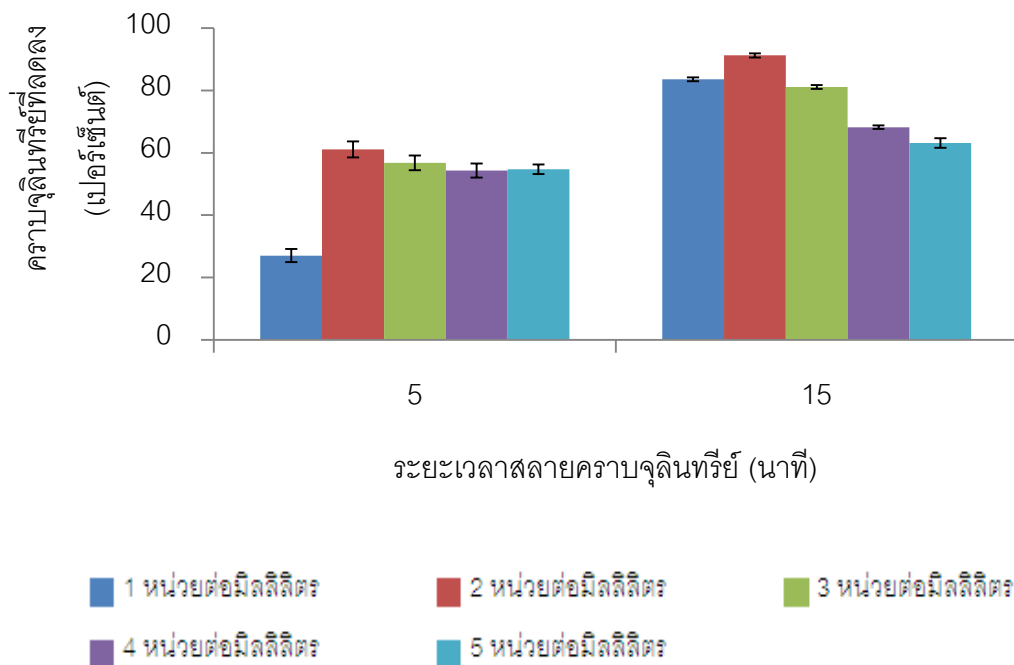


(ข) การสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส FB



**รูปที่ 4.10** การสลายคราบจุลินทรีย์โดย (ก) เดกซ์แทรนเนส FI (ข) เดกซ์แทรนเนส FB และ (ค) เดกซ์แทรนเนส FB-1,3 ที่มีความเข้มข้น 1 2 3 4 และ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 5 และ 15 นาที ในระบบบัพเฟอร์ อุณหภูมิห้อง

(ค) การสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส FB-1,3



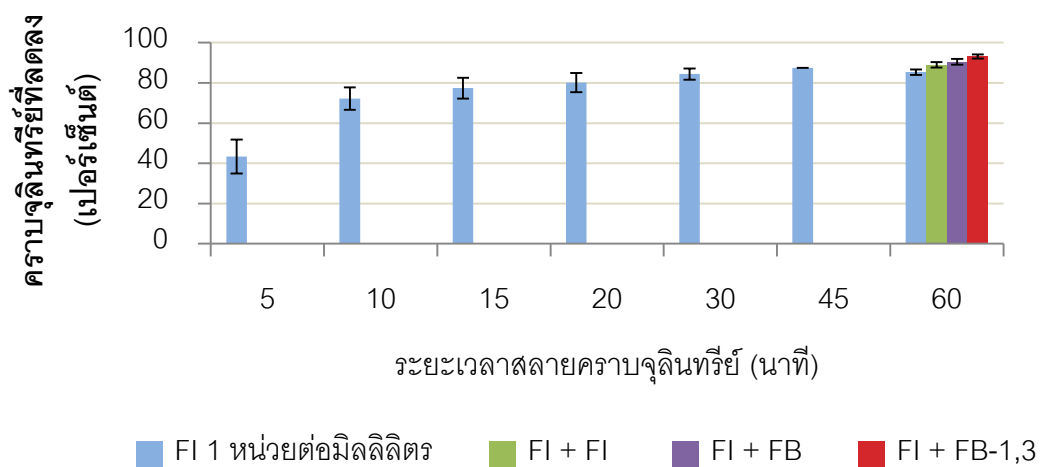
**รูปที่ 4.10** (ต่อ) การสลายคราบจุลินทรีย์โดย (ก) เดกซ์แทรนเนส FI (ข) เดกซ์แทรนเนส FB และ (ค) เดกซ์แทรนเนส FB-1,3 ที่มีความเข้มข้น 1 2 3 4 และ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 5 และ 15 นาที ในระบบบัพเฟอร์ อุณหภูมิห้อง

#### 4.4.3 ประสิทธิภาพของการทำงานร่วมกันระหว่างเดกซ์แทรนเนส 2 ชนิด ต่อการสลายคราบจุลินทรีย์

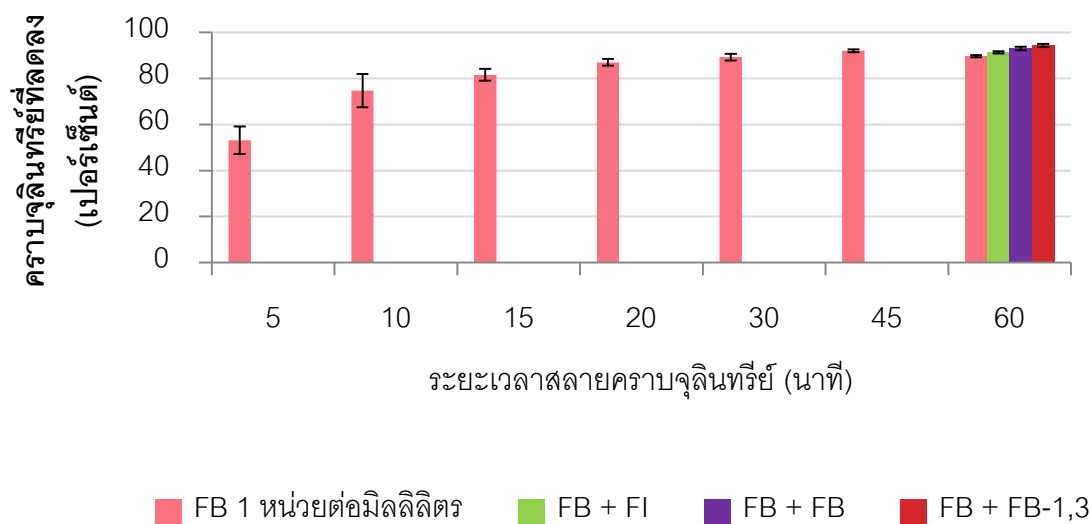
จากการศึกษาที่ผ่านมาโดยย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนสชนิดใดชนิดหนึ่งเป็นเวลา 15 นาที ยังไม่สามารถย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ได้ 100 เปอร์เซ็นต์ จึงเพิ่มประสิทธิภาพของการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยการเติมเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาเป็นเวลา 0-45 นาที แล้วเติมเดกซ์แทรนเนส (FI FB หรือ FB-1,3) ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่เวลา 45 นาที แล้วทำปฏิกิริยาต่ออีก 15 นาที พบว่า การเพิ่มระยะเวลาการสลายคราบของจุลินทรีย์เป็นเวลา 45 นาที ให้ผลไม่แตกต่างจากการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์เพียง 15 นาที ซึ่งการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ค่อนข้างคงที่ อาจเนื่องมาจากเดกซ์แทรนเนส FI ย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 ได้หมดและเหลือพันธะอื่นๆ ที่เดกซ์แทรนเนส FI ไม่สามารถย่อยได้ หรือประสิทธิภาพการทำงานของเดกซ์แทรนเนสลดลงจากระยะเวลาการสลายคราบจุลินทรีย์ที่นานขึ้น จึงเติมเดกซ์แทรนเนส FI, FB หรือ FB-1,3 แล้วทำปฏิกิริยาต่อ พบว่า การย่อยสลายคราบจุลินทรีย์เพิ่มขึ้นเล็กน้อย แต่ไม่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญ และการเติมเดกซ์แทรนเนส FB-1,3 จะทำให้คราบจุลินทรีย์ลดลงมากที่สุด ดังรูปที่ 4.11 (ก)

เมื่อทำการทดลองเช่นเดิม แต่เติมเดกซ์แทรนเนส FB ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาเป็นเวลา 0-45 นาที แทน เดกซ์แทรนเนส FI แล้วเติมเดกซ์แทรนเนส (FI FB หรือ FB-1,3) ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่เวลา 45 นาที แล้วทำปฏิกิริยาต่ออีก 15 นาที พบว่า การย่อยสลายคราบจุลินทรีย์เพิ่มขึ้นเล็กน้อย แต่ไม่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญ และการเติมเดกซ์แทรนเนส FB-1,3 จะทำให้คราบจุลินทรีย์ลดลงมากที่สุด ดังรูป 4.11 (ข)

จากผลการทดลองสรุปได้ว่า การเพิ่มระยะเวลาการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ หรือการทำงานร่วมกันของเดกซ์แทรนเนส 2 ชนิด ไม่มีผลต่อการเพิ่มประสิทธิภาพของการสลายคราบจุลินทรีย์อย่างมีนัยสำคัญ



รูปที่ 4.11 แสดงการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส (ก) FI และ (ข) FB ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 0-45 นาที แล้วเติมเดกซ์แทรนเนส (FI FB และ FB-1,3) ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่เวลา 45 นาที แล้วย่อยสลายคราบต่ออีก 15 นาที



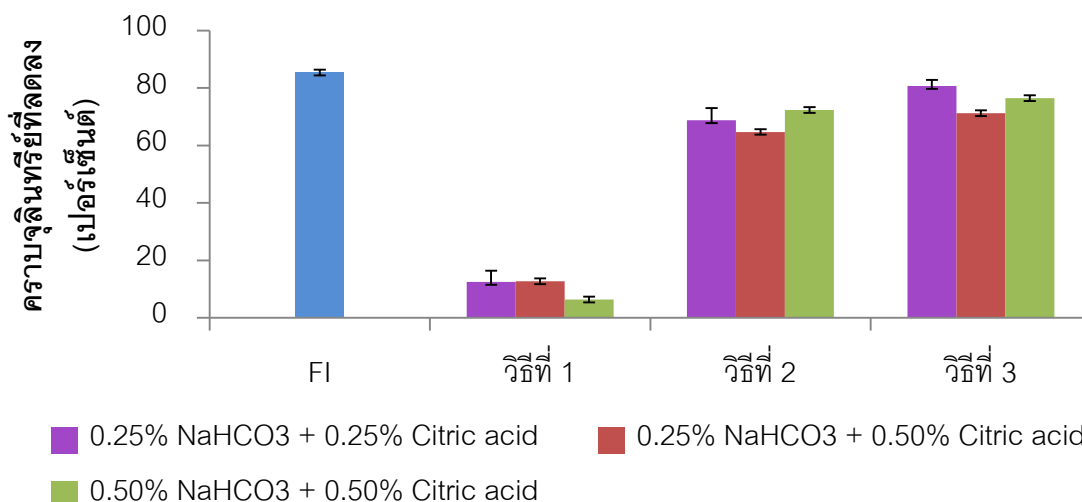
รูปที่ 4.11 แสดงการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส (ก) FI และ (ข) FB ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 0-45 นาที แล้วเติมเดกซ์แทรนเนส (FI FB และ FB-1,3) ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่เวลา 45 นาที แล้วย่อยสลายคราบต่ออีก 15 นาที

#### 4.5 การเพิ่มประสิทธิภาพในการลดคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย

จากการทดลองที่ผ่านมา จะเห็นได้ว่า เดกซ์แทรนเนสสามารถสลายคราบจุลินทรีย์ได้เพียงส่วนหนึ่ง และใช้เวลาการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ที่นานถึง 15 นาที จึงต้องหาวิธีเพิ่มประสิทธิภาพของการลดคราบจุลินทรีย์บนแบบจำลองภายนอกร่างกายเพื่อลดเวลาที่ใช้ลงแต่ยังคงมีประสิทธิภาพ

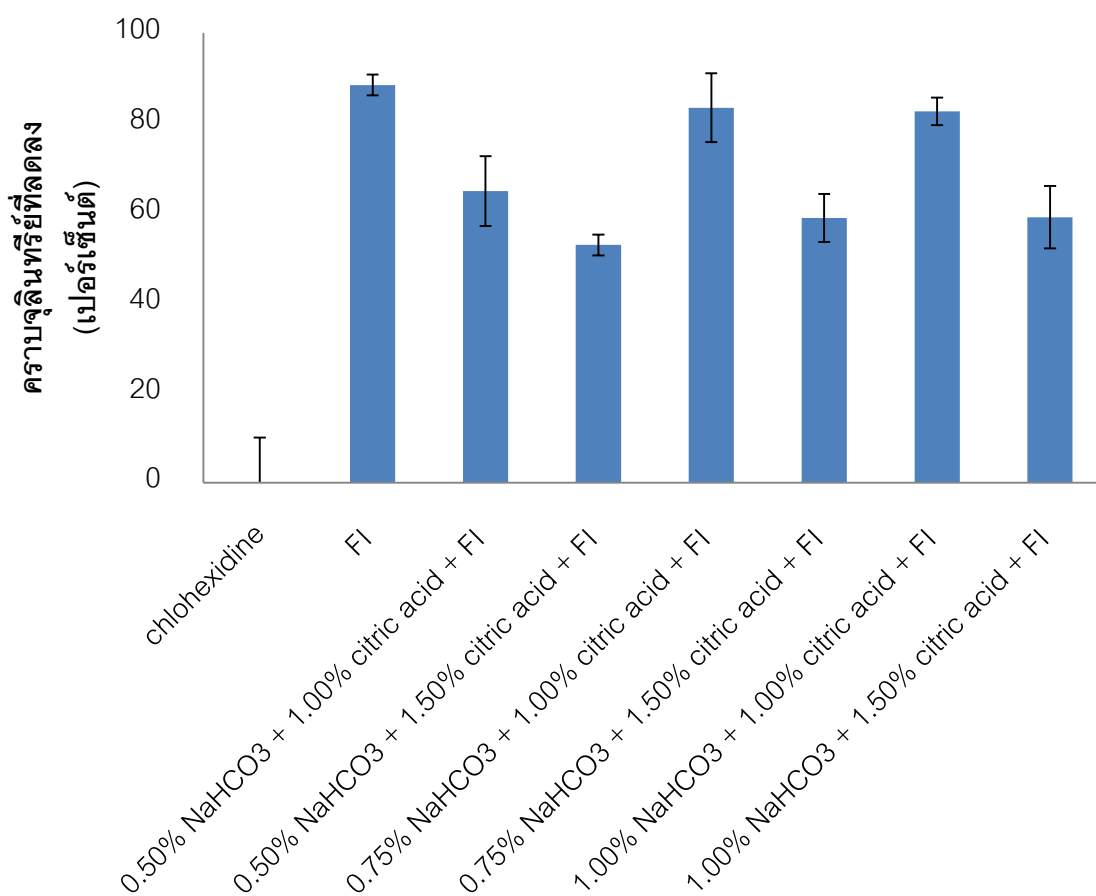
##### 4.5.1 การใช้สารฟู่ร่วมกับเดกซ์แทรนเนส

เมื่อทดสอบการลดคราบจุลินทรีย์โดยใช้สารฟู่ร่วมกับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 5 หน่วยต่อมิลลิเมตร ด้วยวิธีต่างๆคือ วิธีที่ 1 คือ เติมสารฟู่เท่านั้น วิธีที่ 2 คือ เติมสารผสมของสารฟู่กับเดกซ์แทรนเนสทำปฏิกิริยาพร้อมกัน และวิธีที่ 3 คือ เติมสารฟู่ ทำปฏิกิริยาก่อน 10 นาที จากนั้นเติมเดกซ์แทรนเนส FI ทำปฏิกิริยาต่ออีก 5 นาที พบว่า การใช้สารฟู่ร่วมกับเดกซ์แทรนเนส ไม่ว่าจะวิธีใดก็ตามลดปริมาณคราบจุลินทรีย์ได้น้อยกว่าการเติมเดกซ์แทรนเนส FI เพียงอย่างเดียว และเมื่อเปรียบเทียบแต่ละวิธีของการเติมสารฟู่ พบว่า วิธีที่ 2 มีประสิทธิภาพใกล้เคียงกับวิธีที่ 3 แต่ใช้เวลาน้อยกว่า และอัตราส่วนผสมของสารฟู่มีผลต่อการทำปฏิกิริยาของเดกซ์แทรนเนส FI (รูปที่ 4.12)



**รูปที่ 4.12** แสดงผลการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยวิธีต่าง คือ วิธีที่ 1 คือ สารฟู่เพียงอย่างเดียว ทำปฏิกิริยาเป็นเวลา 5 นาที วิธีที่ 2 คือ สารฟู่ผสมกับเดกซ์แทรนเนส FI ทำปฏิกิริยาพร้อมกันเป็นเวลา 5 นาที และ วิธีที่ 3 คือ สารฟู่ ทำปฏิกิริยา 10 นาที แล้วเติมเดกซ์แทรนเนส FI ทำปฏิกิริยาต่อ 5 นาที รวมเวลาทำปฏิกิริยาเป็น 15 นาที

จากผลการทดลองข้างต้น จึงยืนยันผลการลดคราบจุลินทรีย์โดยใช้วิธีที่ 2 คือ ผสม เดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร กับสารฟลูออไรด์ที่มีอัตราส่วนผสมต่างๆ โดยแปรผัน ความเข้มข้นละอัตราส่วนเพื่อหาส่วนผสมที่เหมาะสมในการสลายคราบจุลินทรีย์ ทำปฏิกิริยาเป็น เวลา 5 นาที ดังรูปที่ 4.13 พบว่า อัตราส่วนผสมของสารฟลูออไรด์ที่มีค่าความเป็นกรด-เบสที่เป็นกลาง มากกว่าจะลดคราบจุลินทรีย์ได้มากกว่าแต่น้อยกว่าการใช้เดกซ์แทรนเนสเพียงอย่างเดียว ดังนั้น สารฟลูออไรด์ไม่มีผลต่อการเพิ่มประสิทธิภาพของการลดคราบจุลินทรีย์ เนื่องจากสารฟลูออไรด์ทำให้เกิดฟองฟู ที่ลอยขึ้นสูผิวหน้า จึงอาจมีโอกาสนำเดกซ์แทรนเนสเข้าทำปฏิกิริยาการย่อยสลายคราบที่ก้นเพดาน หรือกันหลอดทดลองน้อยลง



รูปที่ 4.13 แสดงผลการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส FI กับสารฟลูออไรด์ที่มีอัตราส่วนผสมที่แตกต่างกัน

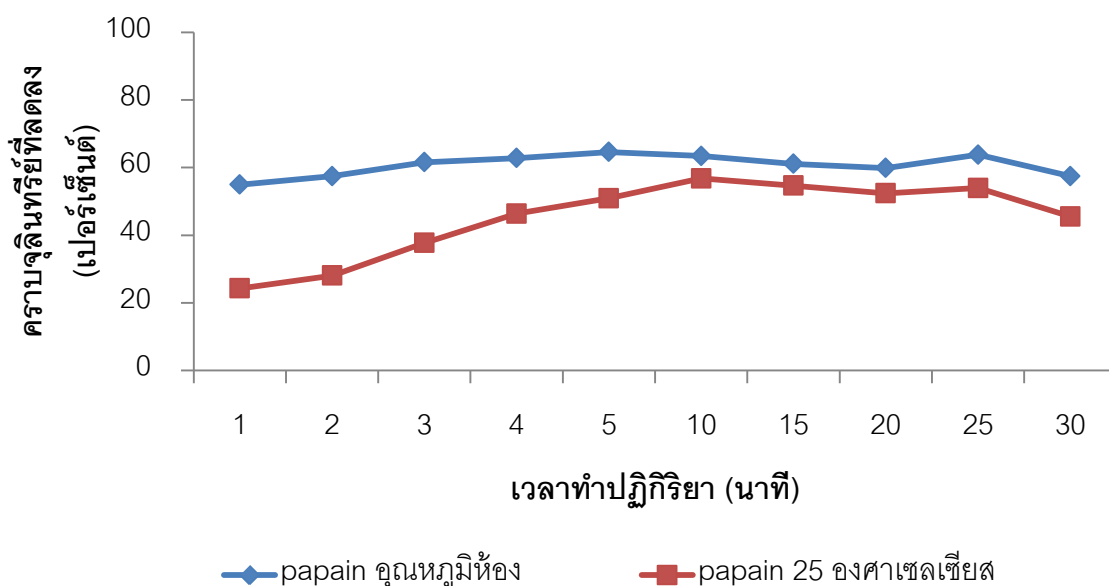


#### 4.5.2 การใช้โปรตีนเอส

เนื่องจากโปรตีน เป็นหนึ่งในส่วนประกอบของคราบจุลินทรีย์ ดังนั้นการย่อยโปรตีนด้วยโปรตีนเอส จึงน่าจะเป็นวิธีหนึ่งที่สามารถลดปริมาณคราบจุลินทรีย์ได้ การทดลองนี้เลือกใช้โปรตีนเอส 2 ชนิด คือ ปาเปน และเปปซิน เนื่องจากเป็นเอนไซม์ที่มีการย่อยโปรตีนแบบสุ่ม และมีความเป็นกรด-เบส เหมาะสมกับการผสมเดกซ์แทรนเนสเพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการลดคราบจุลินทรีย์

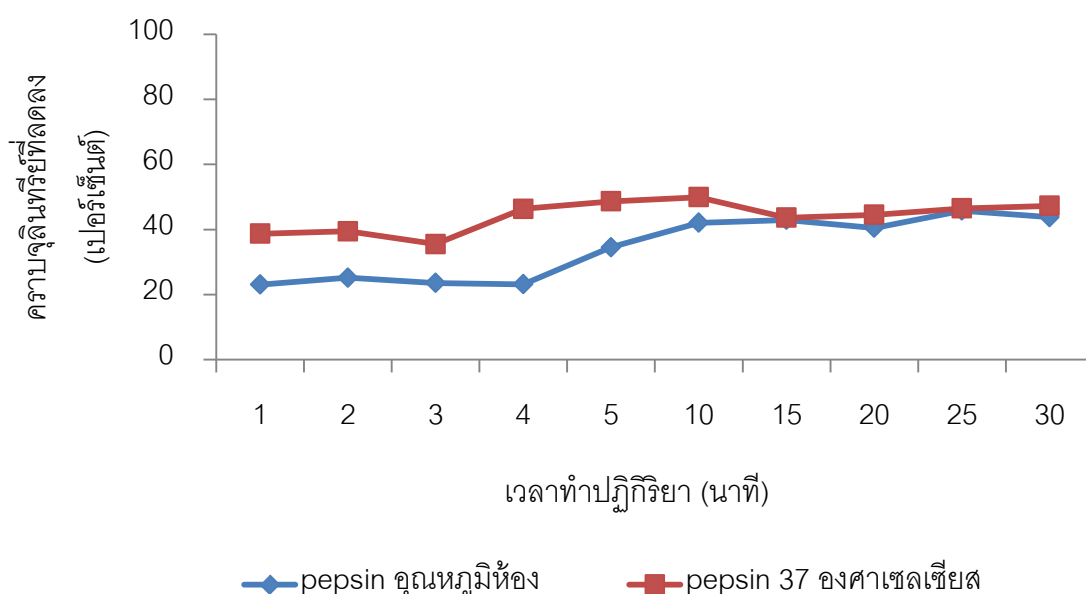
##### 4.5.2.1 ผลของอุณหภูมิและระยะเวลาที่มีผลต่อการลดคราบจุลินทรีย์ของโปรตีนเอส

จากรูปที่ 4.14 เปรียบเทียบความสามารถในการลดคราบจุลินทรีย์ด้วยปาเปนความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 1 2 3 4 5 10 15 20 25 และ 30 นาที ที่อุณหภูมิห้อง (30 องศาเซลเซียส) และที่อุณหภูมิ 25 องศาเซลเซียส (อุณหภูมิที่ระบุโดยผู้ผลิต) พบว่า ปาเปนสามารถลดคราบจุลินทรีย์ที่อุณหภูมิห้องได้ดีกว่าที่ 25 องศาเซลเซียส และ คราบจุลินทรีย์ที่เหลืออยู่ลดลงตามระยะเวลาการทำปฏิกิริยาและค่อนข้างคงที่ตั้งแต่เวลาที่ 10 ดังนั้น ในการลดคราบจุลินทรีย์ด้วยปาเปนจึงเลือกใช้เวลาทำปฏิกิริยา 10 นาที ที่อุณหภูมิห้อง เพื่อการทดสอบต่อไป



รูปที่ 4.14 แสดงการสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยปาเปน ที่อุณหภูมิห้องและที่อุณหภูมิ 25 องศาเซลเซียส

เมื่อทดสอบด้วยเปปซินความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตรแทนปาเปน ทำปฏิกิริยาที่ อุณหภูมิห้องและ 37 องศาเซลเซียส (อุณหภูมิที่ระดับข้างขวดสารเคมี) พบว่า เปปซินสามารถลด ควบจุลินทรีย์ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียสได้ดีกว่าแต่ตั้งแต่วันที่ 10 การลดควบจุลินทรีย์ทั้งสอง อุณหภูมิมีค่าไม่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญ ดังรูปที่ 4.15 ดังนั้น ในการลดควบจุลินทรีย์ ด้วยเปปซินจึงเลือกใช้เวลาทำปฏิกิริยา 10 นาที ที่อุณหภูมิห้อง เพื่อประหยัดค่าใช้จ่ายในการทำ ความสะอาด อุปกรณ์ในช่องปากโดยไม่ต้องควบคุมอุณหภูมิ



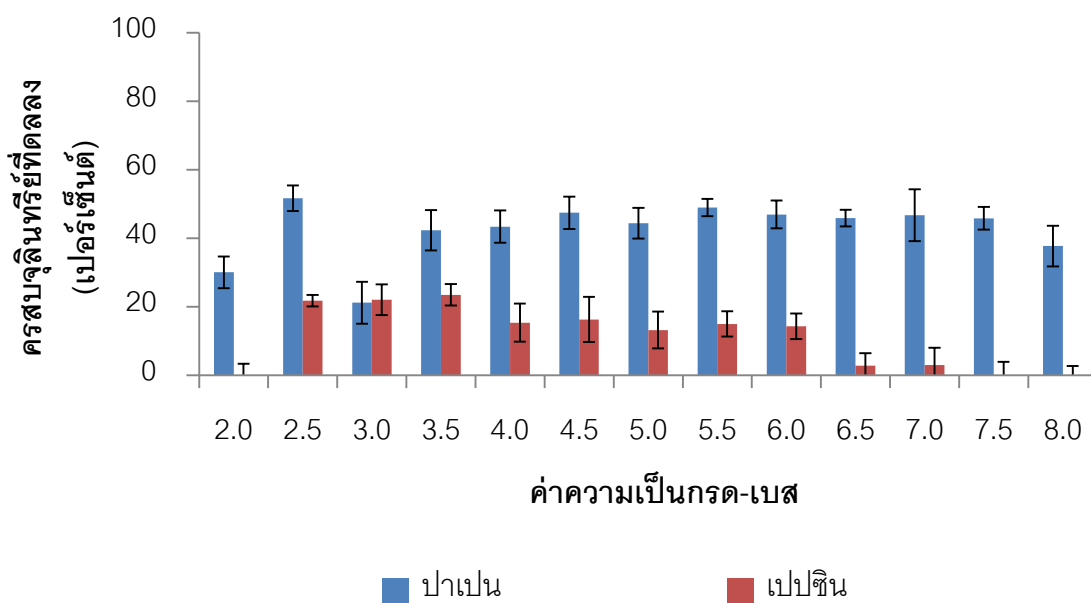
รูปที่ 4.15 แสดงการสลายควบจุลินทรีย์ด้วยเปปซิน ที่อุณหภูมิห้องและที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส

#### 4.5.2.2 ผลของค่าความเป็นกรด-เบส ที่เหมาะสมต่อการลดควบจุลินทรีย์ของ โปรติเอส

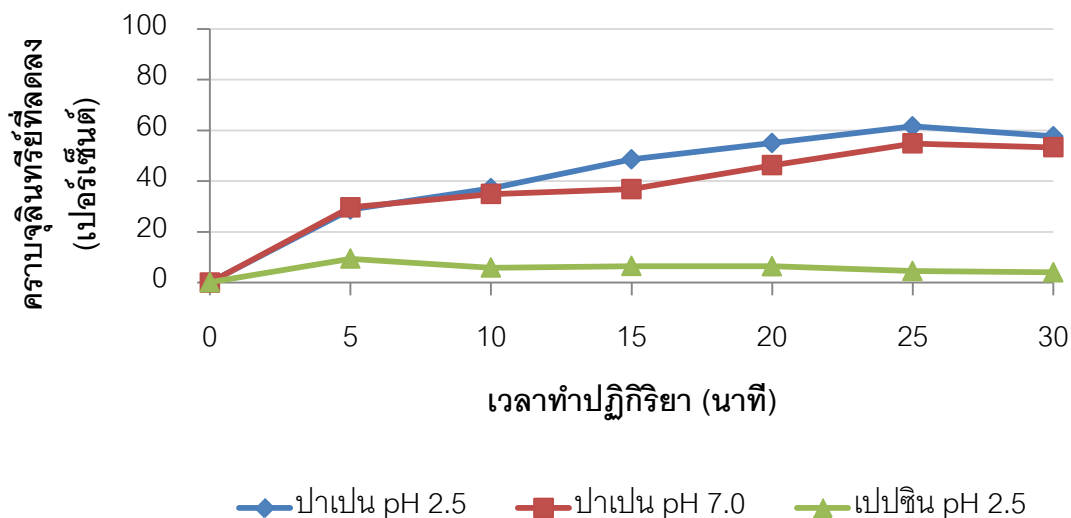
ศึกษาค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมต่อการลดควบจุลินทรีย์ของปาเปนและเปปซิน ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร โดยแปรผันค่าความเป็นกรด-เบสของบัฟเฟอร์ที่ 2.0 2.5 3.0 3.5 4.0 4.5 5.0 5.5 6.0 6.5 7.0 7.5 และ 8.0 (ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.0 และ 2.5 คือ สารละลายกรดไฮโดรคลอริก/โพแทสเซียมคลอไรด์บัฟเฟอร์, ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 3.0 คือ สารละลายโพแทสเซียมไฮโดรเจนพทาเลต/กรดไฮโดรคลอริกบัฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 3.5 4.0 4.5 5.0 5.5 และ 6.0 คือสารละลายโซเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์, ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 6.5 7.0 7.5 และ 8.0 คือสารละลายฟอสเฟตบัฟเฟอร์) และใช้เวลาทำปฏิกิริยา 10 นาที ที่อุณหภูมิห้อง จากรูปที่ 4.16 พบว่า เปปซินลดควบจุลินทรีย์ได้มากที่สุดที่ค่าความเป็น

กรด-เบส เท่ากับ 2.5–3.5 ส่วนปลาแปนสามารถลดคราบจุลินทรีย์ได้มากกว่าเปปซิน ที่ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.0-8.0 และลดคราบจุลินทรีย์ได้สูงสุดที่ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.5 สรุปได้ว่า ปลาแปนมีค่าความเป็นกรด-เบสสำหรับการลดคราบจุลินทรีย์ที่กว้างกว่าเปปซิน

เพื่อยืนยันว่าปลาแปนสามารถลดคราบจุลินทรีย์ได้ทั้งภาวะที่เป็นกรดและเป็นกลาง จึงแปรผันระยะเวลาทำปฏิกิริยาที่ เวลา 0 5 10 15 20 25 และ 30 นาที พบว่า ปลาแปนลดคราบจุลินทรีย์ได้มากกว่าเปปซินที่ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.5 และ 7.0 เช่นเดิม ดังรูปที่ 4.17 ดังนั้น จึงเลือกปลาแปน เพื่อทำการทดลองต่อไป



รูปที่ 4.16 แสดงคราบจุลินทรีย์ที่ลดลงโดยปลาแปนและเปปซิน ที่บัฟเฟอร์ที่มีค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.0-8.0

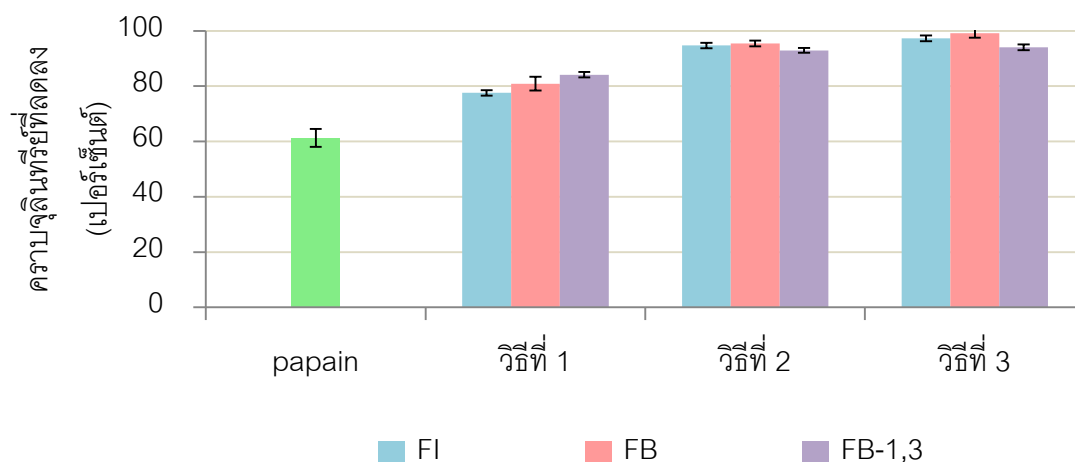


รูปที่ 4.17 แสดงการบดจุลินทรีย์ที่ลดลงโดยป้าเปินและเปปซิน ที่บัฟเฟอร์ที่มีค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.5 และ 7.0

#### 4.5.3 การใช้ป้าเปินร่วมกับเดกซ์แทรนเนส FI

##### 4.5.3.1 ` การใช้ป้าเปินร่วมกับเดกซ์แทรนเนสในการลดการบดจุลินทรีย์

จากการทดลองที่ผ่านมาพบว่า ป้าเปินสามารถลดการบดจุลินทรีย์ได้ที่ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.0-8.0 ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 10 นาที จึงนำป้าเปินมาใช้ร่วมกับเดกซ์แทรนเนสตามวิธีต่างๆในระบบอะซิเตดบัฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 4.5 ซึ่งเป็นค่าความเป็นกรด-เบส ที่เหมาะสมต่อการทำปฏิกิริยาของเดกซ์แทรนเนส FI เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการลดการบดจุลินทรีย์ โดยวิธีที่ 1 คือ เติมเดกซ์แทรนเนสเท่านั้น วิธีที่ 2 คือ เติมสารผสมของเดกซ์แทรนเนสกับโปรตีนเอส ทำปฏิกิริยาพร้อมกัน และวิธีที่ 3 คือ เติมโปรตีนเอสทำปฏิกิริยาก่อน 10 นาที จากนั้นเทส่วนผสมทิ้งแล้วล้างน้ำ 3 ครั้ง จึงเติมเดกซ์แทรนเนสทำปฏิกิริยาต่ออีก 15 นาที จากการเปรียบเทียบพบว่า การใช้ป้าเปินร่วมกับเดกซ์แทรนเนส แบบวิธีที่ 2 และแบบวิธีที่ 3 จะลดการบดจุลินทรีย์ได้ใกล้เคียงกันและมากกว่าการใช้ป้าเปินหรือเดกซ์แทรนเนสเพียงอย่างเดียวอย่างใดอย่างหนึ่ง (ป้าเปิน และวิธีที่ 1 ตามลำดับ) จึงเลือกวิธีที่ 2 คือ การผสมป้าเปินกับเดกซ์แทรนเนสแล้วทำปฏิกิริยากับการบดจุลินทรีย์พร้อมกัน และเลือกเดกซ์แทรนเนส FI สำหรับการทดลองต่อไป เนื่องจากใช้เวลาในการลดการบดจุลินทรีย์น้อยกว่าวิธีที่ 3



**รูปที่ 4.18** แสดงการลดคราบจุลินทรีย์ที่ลดลงโดยปาเปนและเปปซิน ที่บีฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.5 และ 7.0 โดยทดสอบด้วยวิธีต่างๆ คือ วิธีที่ 1 คือ เดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตรเท่านั้น ทำปฏิกิริยา 15 นาที วิธีที่ 2 คือ เดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมปาเปนความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาพร้อมกันเป็นเวลา 15 นาที และ วิธีที่ 3 คือ ปาเปนความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยา 10 นาที จากนั้นเทส่วนผสมทิ้งแล้วล้างน้ำ 3 ครั้ง จึงเติมเดกซ์แทรนเนส FI FB หรือ FB-1,3 ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาต่ออีก 15 นาที รวมเวลาทำปฏิกิริยาทั้งสิ้น 25 นาที

#### 4.5.3.2 ผลของปาเปนต่อเดกซ์แทรนเนส FI และผลของการลดคราบจุลินทรีย์

เนื่องจากปาเปนเป็นเอนไซม์ที่ย่อยโปรตีนได้ และเดกซ์แทรนเนสเป็นเอนไซม์ที่เป็นโปรตีน จึงมีโอกาสถูกย่อยด้วยปาเปนเช่นกัน ดังนั้น จึงศึกษาผลของระยะเวลาผสมปาเปนกับ เดกซ์แทรนเนส FI ต่อการลดคราบจุลินทรีย์ โดยการผสมปาเปนกับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น อย่างละ 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ในระบบอะซิเตตบีฟเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 4.5 เป็น เวลา 0 15 30 45 และ 60 นาที แล้วจึงนำไปทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์เป็นเวลา 15 นาที ที่ อุณหภูมิห้อง พบว่า ไม่ว่าจะผสม เดกซ์แทรนเนสกับปาเปนเป็นเวลา 0-60 นาที เดกซ์แทรนเนส ยังคงมีแอกทิวิตีใกล้เคียงกับการไม่ผสมกับปาเปน และสามารถย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ได้ ใกล้เคียงกันเช่นเดิมดังตารางที่ 4.2

**ตารางที่ 4.2** แสดงแอกทิวิตีที่เหลือของเดกซ์แทรนเนส FI หลังจากผสมปาเปน เป็นเวลา 0-60 นาที และ เปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงจากการนำส่วนผสมไปทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์

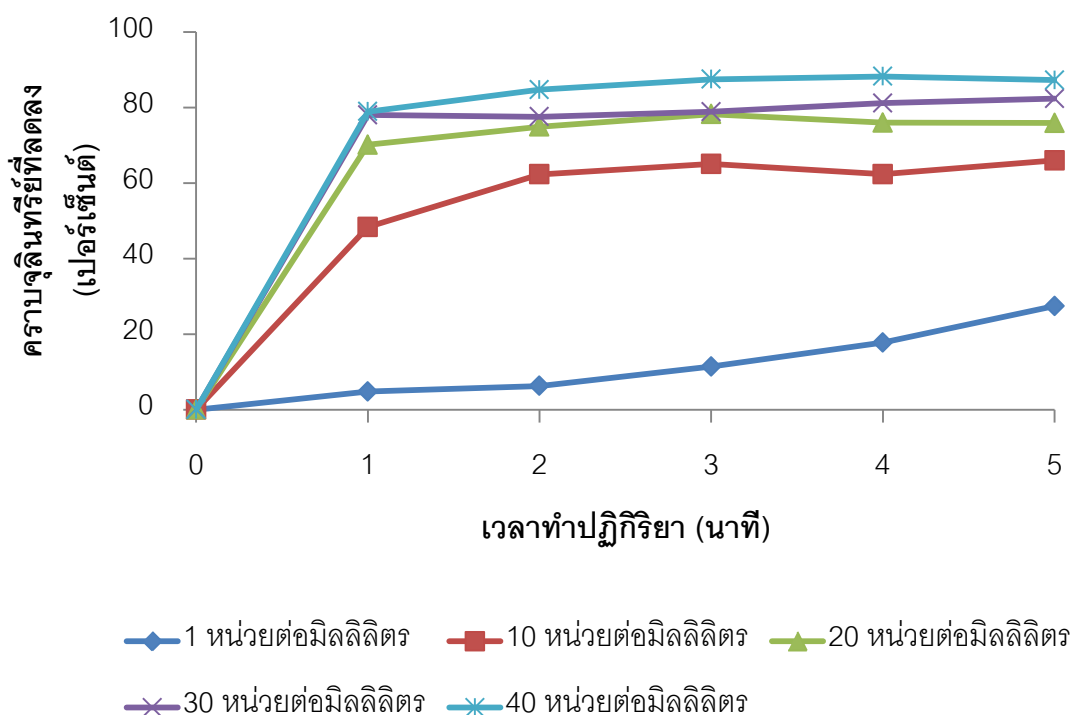
ระยะเวลาผสม (นาที)	แอกทิวิตีที่เหลือของ เดกซ์แทรนเนส FI หลังจากผสมปาเปน (หน่วยต่อมิลลิลิตร)	คราบจุลินทรีย์ที่ลดลง (เปอร์เซ็นต์)
0	0.88	96.79 ± 0.36
15	0.96	97.26 ± 0.90
30	0.98	97.54 ± 0.56
45	0.99	98.72 ± 0.62
60	0.98	99.05 ± 1.17

แสดงว่า สามารถผสมเดกซ์แทรนเนสกับปาเปนเพื่อใช้เป็นสารผสมในการสลายคราบจุลินทรีย์ได้ และเป็นการสลายคราบจุลินทรีย์ในขั้นตอนเดียว ประหยัดเวลา สะดวกต่อการปรับใช้หรือผลิตเพื่อจำหน่ายทางอุตสาหกรรม

#### 4.6 การลดคราบจุลินทรีย์ในแบบจำลองภายนอกร่างกาย ภายในระยะเวลา 5 นาที

##### 4.6.1 การเพิ่มความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนส FI

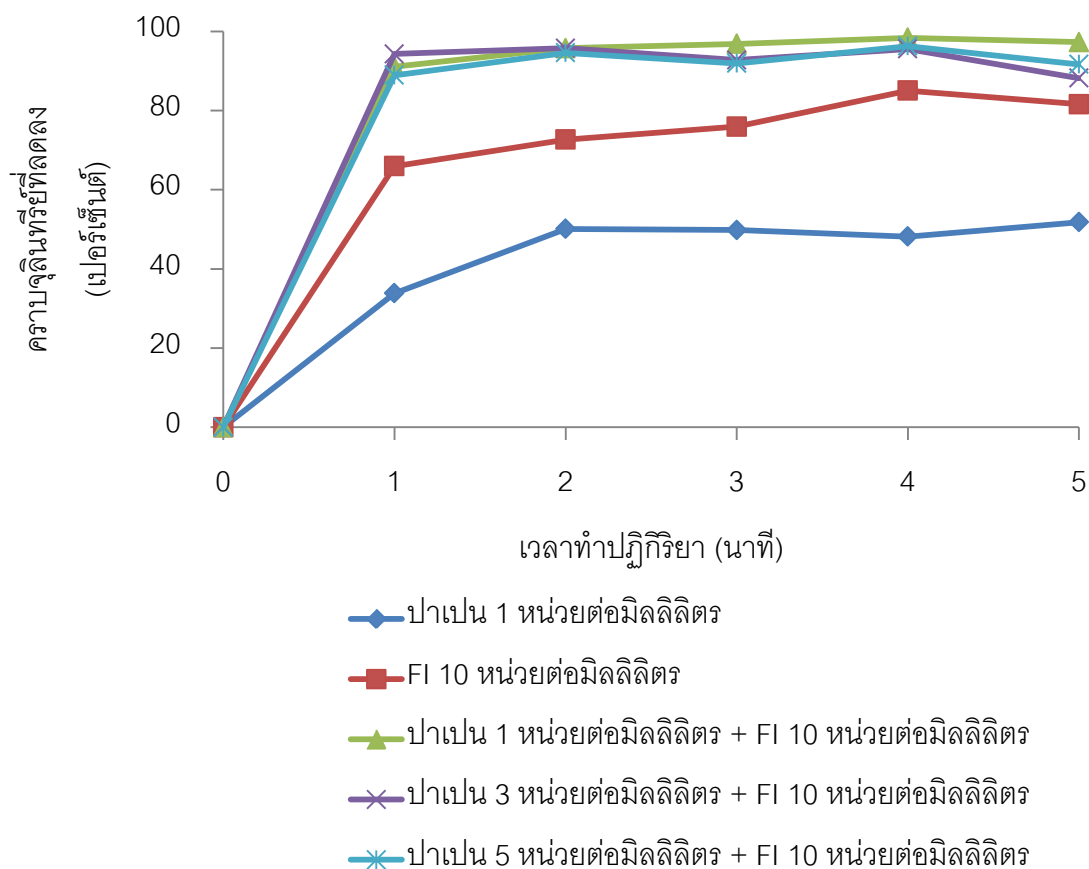
จากการสลายคราบจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 1 10 20 30 และ 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร ในระบบอะซิเตตบัพเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 4.5 เป็นเวลา 0-5 นาที จากรูป 4.19 พบว่า เดกซ์แทรนเนส FI สามารถลดคราบจุลินทรีย์ได้เพิ่มขึ้นตามความเข้มข้นที่เพิ่มขึ้น และที่ความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนส เท่ากับ 20 30 และ 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร จะลดคราบจุลินทรีย์ได้ใกล้เคียงกัน ดังนั้น จะเลือกเดกซ์แทรนเนสความเข้มข้น 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร สำหรับการลดคราบจุลินทรีย์ ภายในระยะเวลา 5 นาที ด้วยเดกซ์แทรนเนสเพียงอย่างเดียว แต่หากต้องการเพิ่มประสิทธิภาพการลดคราบจุลินทรีย์โดยใช้ปาเปนร่วมกับเดกซ์แทรนเนส จะเลือกเดกซ์แทรนเนสความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร สำหรับการทดสอบต่อไป เพื่อเป็นการประหยัดเดกซ์แทรนเนสและสามารถตรวจสอบประสิทธิภาพที่เพิ่มขึ้นได้ชัดเจนกว่า



รูปที่ 4.19 แสดงการสลายความจุลินทรีย์ของเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 1 10 20 30 และ 40 หน่วยต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 0-5 นาที

#### 4.6.2 การเพิ่มความเข้มข้นปาเปนที่ผสมกับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร

การทดสอบการสลายความจุลินทรีย์โดยผสมปาเปน ความเข้มข้น 1 3 หรือ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร กับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร ในระบบอะซิเตตบัพเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 4.5 ทำปฏิกิริยาที่เวลา 0-5 นาที จากรูปที่ 4.20 พบว่า ปาเปนความเข้มข้น 1 3 หรือ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตรที่ผสมกับเดกซ์แทรนเนส สามารถย่อยสลายความจุลินทรีย์ได้เท่ากัน และมากกว่าการใช้เดกซ์แทรนเนสหรือปาเปนเพียงอย่างเดียวใดอย่างหนึ่ง ดังนั้นภาวะที่เหมาะสม สำหรับการสลายความจุลินทรีย์ คือ ปาเปนความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตรผสมกับเดกซ์แทรนเนส ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร



รูปที่ 4.20 แสดงการสลายคราบจุลินทรีย์ของการผสมปาเปน ความเข้มข้น 1 3 หรือ 5 หน่วยต่อมิลลิลิตร กับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาที่เวลา 0-5 นาที

#### 4.6.3 การแปรผันอัตราส่วนความเข้มข้นของปาเปนกับเดกซ์แทรนเนส สำหรับการสลายคราบจุลินทรีย์

จากการทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์ที่ผ่านมา ภาวะที่เหมาะสม สำหรับการสลายคราบจุลินทรีย์ คือ ปาเปนความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตรผสมกับเดกซ์แทรนเนส ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร แต่ถ้าสามารถหาอัตราส่วนของการผสมที่เหมาะสมระหว่างปาเปน และเดกซ์แทรนเนส FI ได้ จะสามารถลดปริมาณเอนไซม์และคงประสิทธิภาพในการลดคราบจุลินทรีย์ได้ จึงทดลองต่อโดยแปรผันความเข้มข้นของปาเปน คือ 0.00 0.10 0.25 0.50 0.75 และ 1.00 หน่วยต่อมิลลิลิตร และแปรผันความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนส คือ 0 1 5 10 50 และ 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่อุณหภูมิห้อง ในระบบอะซิเตดบัพเฟอร์ ค่าความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 4.5 เป็นเวลา 5 นาที



ตารางที่ 4.3 แสดงเปอร์เซ็นต์ความจุลินทรีย์ที่ลดลง จากการแปรผันความเข้มข้นของปาเปนและ เดกซ์แทรนเนส FI

เดกซ์แทรนเนส FI (หน่วยต่อ มิลลิลิตร)	ปาเปน (หน่วยต่อมิลลิลิตร)					
	0.00	0.10	0.25	0.50	0.75	1.00
0	0.00% (0.00)	6.07% (5.17)	15.05% (5.39)	17.15% (2.65)	19.58% (2.93)	16.79% (5.36)
1	11.04% (4.37)	20.39% (2.79)	17.90% (2.61)	26.54% (3.60)	37.01% (2.70)	31.80% (9.06)
5	14.89% (3.33)	50.00% (3.10)	53.03% (4.98)	65.49% (2.55)	71.24% (5.46)	78.44% (5.50)
10	13.47% (0.61)	61.33% (9.33)	80.62% (3.60)	67.23% (7.04)	71.12% (6.26)	83.90% (3.08)
50	15.23% (0.91)	83.68% (0.30)	80.10% (1.94)	82.73% (5.45)	89.16% (1.40)	85.32% (5.90)
100	14.14% (6.74)	85.50% (4.92)	93.99% (0.79)	84.83% (5.49)	90.94% (4.87)	87.10% (5.51)

จากตารางที่ 4.3 แสดงให้เห็นว่า การลดความจุลินทรีย์ได้มากกว่า 80 เปอร์เซ็นต์ มีอัตราส่วนผสมระหว่างเดกซ์แทรนเนสและปาเปน คือ

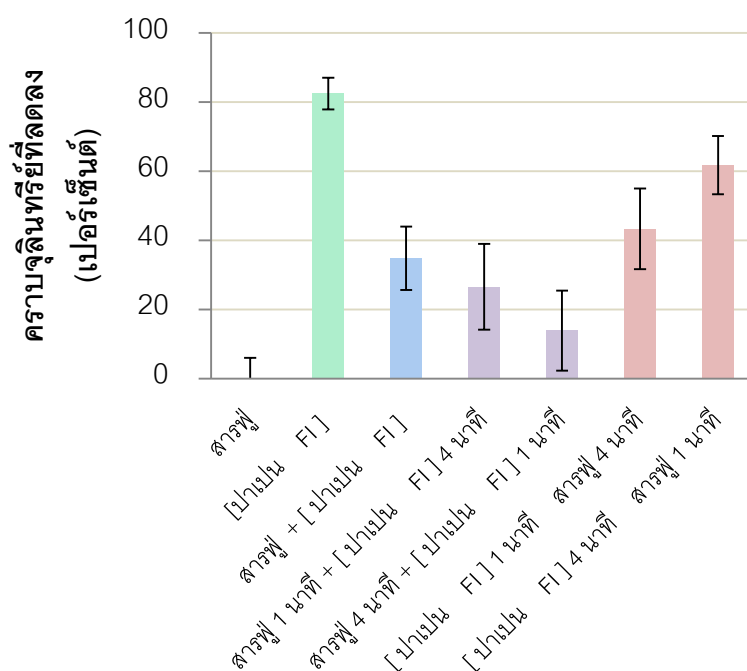
- 1) เดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมกับ ปาเปนความเข้มข้น 0.25 หรือ 1.00 หน่วยต่อมิลลิลิตร
- 2) เดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 50 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมกับ ปาเปนความเข้มข้น 0.10 0.25 0.50 0.75 และ 1.00 หน่วยต่อมิลลิลิตร
- 3) เดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 100 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมกับ ปาเปนความเข้มข้น 0.10 0.25 0.50 0.75 และ 1.00 หน่วยต่อมิลลิลิตร

ดังนั้น จึงเลือกอัตราส่วนที่น้อยที่สุด คือ เดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมกับปาเปนความเข้มข้น 0.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร สำหรับการลดคราบจุลินทรีย์ในการทดลองต่อไป

#### 4.6.4 การใช้สารฟู่ร่วมกับส่วนผสมของปาเปนและเดกซ์แทรนเนส สำหรับการสลายคราบจุลินทรีย์

สำหรับส่วนผสมเดกซ์แทรนเนส FI กับปาเปน สามารถลดคราบจุลินทรีย์ได้เป็นอย่างดี จึงศึกษาต่อว่าการเติมสารฟู่ (0.75 % โซเดียมไบคาร์บอเนต + 1.00 % กรดซิตริก) จะเพิ่มประสิทธิภาพการลดคราบจุลินทรีย์ ภายใน 5 นาที ได้หรือไม่ โดยทดสอบในภาวะต่างๆ ตามรูปที่ 4.21 พบว่า

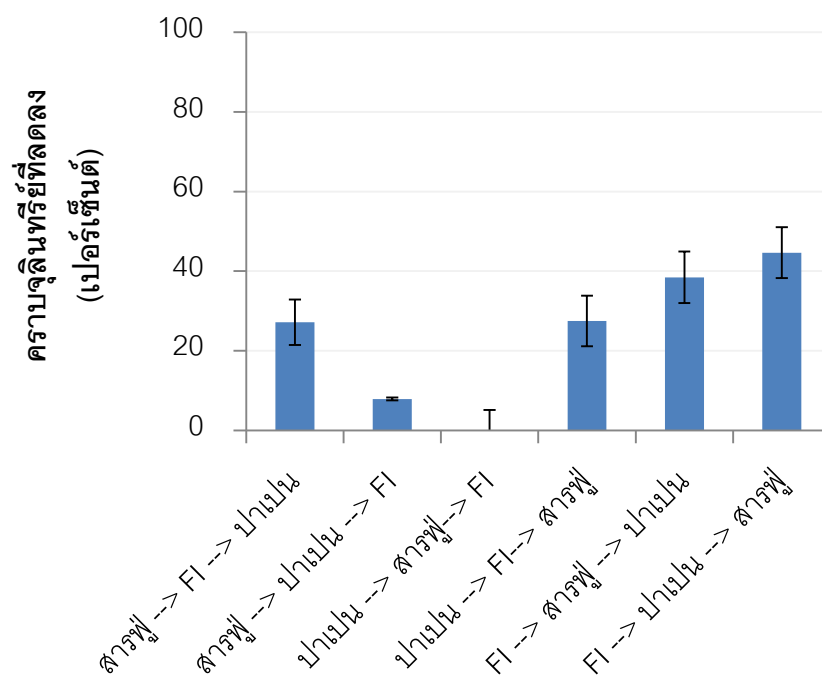
- 1) การลดคราบจุลินทรีย์ได้มากที่สุดคือ ใช้ส่วนผสมเดกซ์แทรนเนส FI กับปาเปน รองลงมาคือ การเติมส่วนผสมเดกซ์แทรนเนส FI กับปาเปนก่อนเติมสารฟู่ และ การเติมสารฟู่ก่อนเติมส่วนผสมเดกซ์แทรนเนส FI กับปาเปน
- 2) สารฟู่ที่เติมมีผลให้เกิดการสลายคราบจุลินทรีย์น้อยลง
- 3) การสลายคราบจุลินทรีย์ขึ้นกับเวลาการทำปฏิกิริยาของส่วนผสมเดกซ์แทรนเนส FI กับปาเปน



รูปที่ 4.21 แสดงเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงจากการเติมสารทดสอบในภาวะต่างๆ

#### 4.6.5 ลำดับการเติมสารฟลู ปาเปนและเดกซ์แทรนเนส ที่เหมาะสมต่อการสลายคราบจุลินทรีย์

ศึกษาการสลายคราบจุลินทรีย์โดยการเติมสารทดสอบ 3 ชนิด โดยเติมสารทดสอบชนิดที่ 1 ที่เวลา 0 นาที และเติมสารทดสอบที่ 2 และ 3 ที่เวลา 2 และ 4 นาที ตามลำดับ ซึ่งสารทดสอบทั้ง 3 ชนิด คือ FI ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร ปาเปน ความเข้มข้น 1 หน่วยต่อมิลลิลิตร และสารฟลู ทดสอบโดยเปลี่ยนลำดับการเติมเพื่อลดคราบจุลินทรีย์ จากรูปที่ 4.22 พบว่า การเติมเดกซ์แทรนเนส FI เป็นลำดับที่ 1 จะลดคราบจุลินทรีย์ได้มากที่สุด รองลงมาคือ การเติมเดกซ์แทรนเนส FI เป็นลำดับที่ 2 และ 3 ตามลำดับ และการเติมเดกซ์แทรนเนสและปาเปนในลำดับที่ติดกันจะลดคราบจุลินทรีย์ได้ดีกว่าเติมสารฟลูแทรก สรุปได้ว่า ระยะเวลาการทำปฏิกิริยาของเอนไซม์มีผลต่อการสลายคราบจุลินทรีย์ และเดกซ์แทรนเนส FI มีผลต่อการสลายคราบจุลินทรีย์มากกว่าปาเปนและสารฟลูในระยะเวลาที่เท่ากัน



รูปที่ 4.22 แสดงคราบจุลินทรีย์ที่ลดลงจากการแปรผันลำดับการเติมสารฟลู ปาเปนและเดกซ์แทรนเนส

#### 4.6.6 การตรวจสอบปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์หลังจากการย่อยสลายคราบจุลินทรีย์

การวัดความสามารถของเอนไซม์สามารถวัดจากปริมาณผลิตภัณฑ์ที่เกิดขึ้นได้ ซึ่งในที่นี้จะวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เป็นผลิตภัณฑ์ของการย่อยเดกซ์แทรนด้วยเดกซ์แทรนเนส แต่จากการวัดปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เกิดขึ้นหลังการทดสอบ พบว่า ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เกิดขึ้นน้อยมาก เมื่อเทียบกับความสัมพันธ์ของเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลง ซึ่งอาจเกิดจากขั้นตอนการล้างคราบจุลินทรีย์ก่อนการทดสอบมีผลให้คราบจุลินทรีย์ส่วนเกินหลุดออกและเหลือเพียงคราบจุลินทรีย์ที่มีความเหนียวแน่นยึดเกาะบนแบบจำลองภายนอกร่างกาย

ดังนั้น เพื่อเป็นการยืนยันว่าเดกซ์แทรนเนสสามารถย่อยคราบจุลินทรีย์ได้จริง จึงศึกษาเปรียบเทียบปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เกิดขึ้นหลังการย่อยคราบจุลินทรีย์ 2 แบบ คือ ล้างคราบจุลินทรีย์และไม่ล้างคราบจุลินทรีย์ ก่อนการทดสอบ จากนั้นทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์โดยเติมเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 1 5 10 15 และ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 5 นาที เมื่อครบเวลานำน้ำส่วนใสตรวจสอบปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ จากตารางที่ 4.4 พบว่า การเพิ่มความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนสมีผลต่อการเพิ่มขึ้นของเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงเช่นเดียวกับปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นของการย่อยคราบจุลินทรีย์ที่ไม่ได้ล้างก่อนการทดสอบ แต่ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้นของการย่อยคราบจุลินทรีย์ที่ล้างก่อนการทดสอบกลับค่อนข้างคงที่ แสดงให้เห็นว่า เดกซ์แทรนเนสสามารถย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ได้ ผลิตภัณฑ์เป็นน้ำตาลรีดิวซ์จริง แต่การล้างคราบจุลินทรีย์ก่อนการทดสอบมีผลให้คราบจุลินทรีย์ส่วนเกินหลุดออก ทำให้ได้ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์แตกต่างกัน

ตารางที่ 4.4 แสดงเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงและปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้น โดยเดกซ์แทรนเนส FI

ความเข้มข้นของ เดกซ์แทรนเนส (หน่วยต่อมิลลิลิตร)	เปอร์เซ็นต์คราบ จุลินทรีย์ที่ลดลง (เปอร์เซ็นต์)	ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้น (ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร)	
		ล้างคราบจุลินทรีย์ ก่อนการทดสอบ	ไม่ล้างคราบ จุลินทรีย์ ก่อนการทดสอบ
1	0.13 ± 1.45	0.00	4.43
5	10.55 ± 4.95	1.09	6.79
10	18.79 ± 5.71	1.03	8.97
15	19.85 ± 1.64	1.15	11.88
20	24.64 ± 2.09	1.09	14.73

ศึกษาเพิ่มเติม โดยการทดลองเช่นเดียวกับการทดลองข้างต้น แต่ใช้สารทดสอบเป็น ปาเปนความเข้มข้น 0.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร ผสมกับเดกซ์แทรนเนส FI ความเข้มข้น 1 5 10 15 และ 20 หน่วยต่อมิลลิลิตร จากตารางที่ 4.5 พบว่า สารผสมปาเปนและเดกซ์แทรนเนสสามารถ สลายคราบจุลินทรีย์ได้ผลดีกว่าเป็นน้ำตาลรีดิวซ์ โดยการล้างคราบจุลินทรีย์ก่อนการทดสอบนั้น ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มขึ้นน้อยกว่าการไม่ล้างคราบจุลินทรีย์ก่อนการทดสอบ และปริมาณ น้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มขึ้นตามความเข้มข้นของเดกซ์แทรนเนส FI ที่ทดสอบเช่นเดียวกัน แสดงให้เห็นว่า เดกซ์แทรนเนสที่ผสมรวมกับปาเปนในการทดสอบ ยังคงสามารถย่อยสลายคราบจุลินทรีย์ได้ ผลดีกว่าเป็นน้ำตาลรีดิวซ์จริง

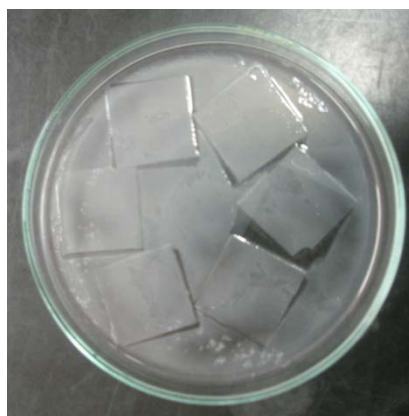
**ตารางที่ 4.5** แสดงเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงและปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้น โดยสาร ผสมปาเปนและเดกซ์แทรนเนส FI

สารผสมปาเปนและ เดกซ์แทรนเนสที่มี ความเข้มข้นต่าง ๆ (หน่วยต่อมิลลิลิตร)	เปอร์เซ็นต์คราบ จุลินทรีย์ที่ลดลง (เปอร์เซ็นต์)	ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ที่เพิ่มขึ้น (ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร)	
		ล้างคราบจุลินทรีย์ ก่อนการทดสอบ	ไม่ล้างคราบ จุลินทรีย์ ก่อนการทดสอบ
1	33.36 ± 4.61	3.76	6.24
5	44.01 ± 1.32	5.69	12.42
10	65.27 ± 2.17	3.76	12.73
15	70.14 ± 1.12	4.00	21.34
20	73.76 ± 3.26	5.33	21.88

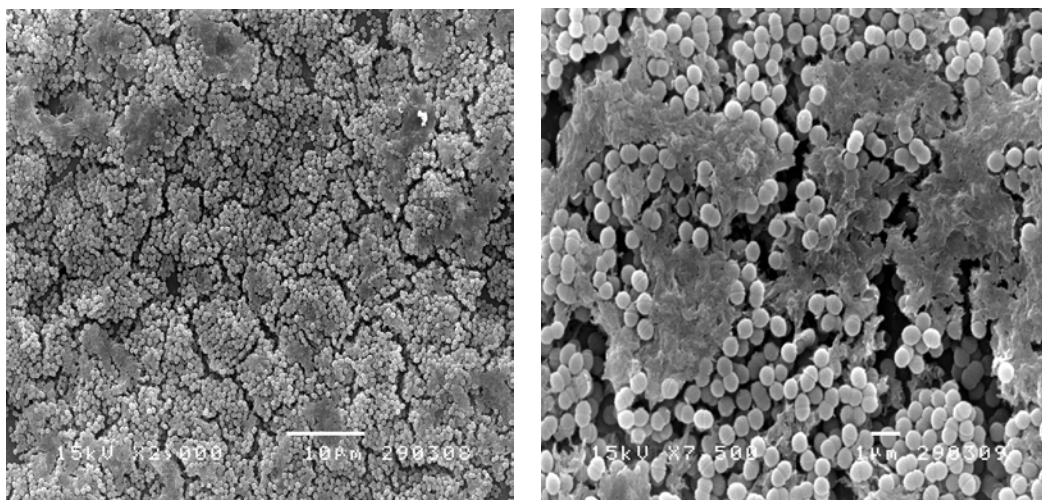
จากตารางที่ 4.4 และตารางที่ 4.5 แสดงให้เห็นว่า การเติมปาเปนเพิ่มในส่วนผสม มีผล ต่อการเพิ่มเปอร์เซ็นต์คราบจุลินทรีย์ที่ลดลงประมาณ 3.5 เท่า และปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มขึ้น ประมาณ 1.5 เท่า อาจเนื่องมาจากปาเปนมีผลต่อความสามารถของเดกซ์แทรนเนส FI ทำให้ย่อย คราบจุลินทรีย์ได้ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เพิ่มมากขึ้น จึงมีผลต่อการเกาะติดของคราบจุลินทรีย์ทำให้ เกิดการหลุดล่อนได้ง่ายขึ้น

#### 4.6.7 การตรวจสอบลักษณะคราบจุลินทรีย์ด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด

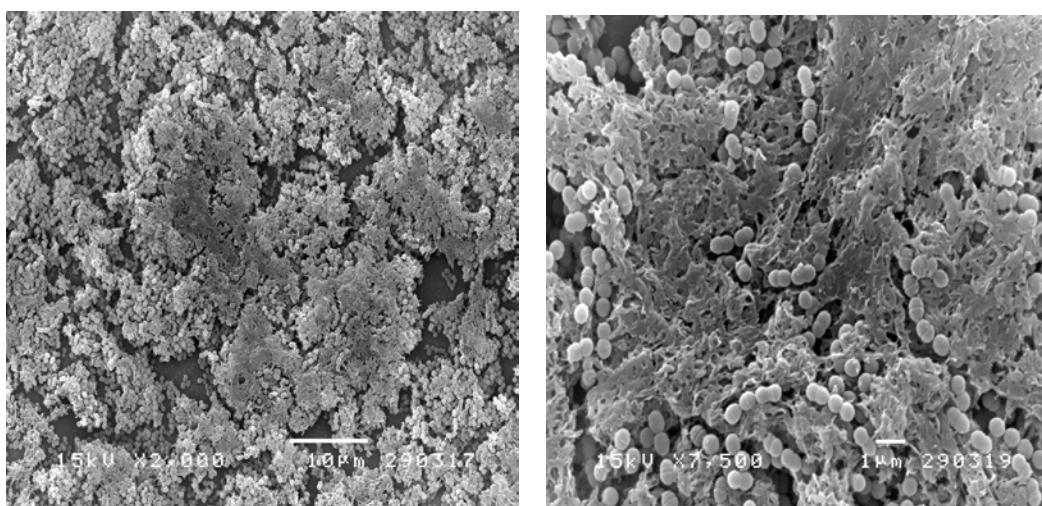
เมื่อสร้างคราบจุลินทรีย์บนแผ่นปิดสไลด์ ดังรูปที่ 4.23 แล้วจึงนำออกมาทดสอบการย่อยคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนส ความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 10 หน่วยต่อมิลลิลิตร และ/หรือ ปาเปนความเข้มข้นสุดท้าย เท่ากับ 0.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร ทดสอบเป็นเวลา 5 นาที แล้วจึงเตรียมตัวอย่างเพื่อดูลักษณะคราบจุลินทรีย์ด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดพบว่า คราบจุลินทรีย์ของชุดควบคุมมีลักษณะเป็นแผ่นหนาเกาะติดกันแน่นและเซลล์แบคทีเรียเกาะกันเป็นกลุ่มอยู่กับคราบจุลินทรีย์ (รูปที่ 4.24 (ก)) คราบจุลินทรีย์ที่ถูกย่อยด้วยปาเปนมีลักษณะเป็นแผ่นหนามีร่องรอยของการย่อยเล็กน้อย และเซลล์แบคทีเรียยังคงเกาะกันแน่น (รูปที่ 4.24 (ข)) คราบจุลินทรีย์ที่ถูกย่อยด้วยเดกซ์แทรนเนสเกิดช่องว่างจากการย่อยเป็นจำนวนมากซึ่งมากกว่าการย่อยด้วยปาเปนแต่น้อยกว่าสารผสมของเดกซ์แทรนเนสและปาเปน เนื่องจากคราบจุลินทรีย์ประกอบด้วยพอลิเมอร์ของน้ำตาลดี-กลูโคสที่ต่อกันด้วยพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 จึงถูกย่อยด้วยเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] และความหนาแน่นของเซลล์แบคทีเรียน้อยกว่าการใช้ปาเปนเพียงอย่างเดียว (รูปที่ 4.24 (ค)) และคราบจุลินทรีย์ที่ถูกย่อยด้วยสารผสมของเดกซ์แทรนเนสและปาเปน มีช่องว่างของคราบจุลินทรีย์มากที่สุด ทำให้เซลล์แบคทีเรียเกิดการยึดติดกันน้อยที่สุด จึงเป็นส่วนผสมที่มีประสิทธิภาพมากที่สุดในการสลายคราบจุลินทรีย์ รองลงมาคือ เดกซ์แทรนเนส ปาเปน ตามลำดับ



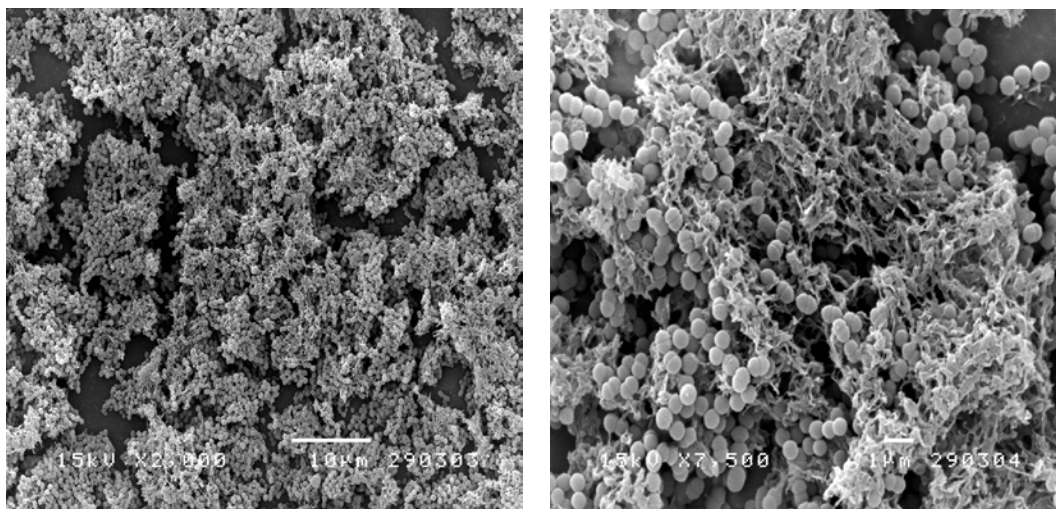
รูปที่ 4.23 แสดงคราบจุลินทรีย์ที่ถูกสร้างบนแผ่นปิดสไลด์



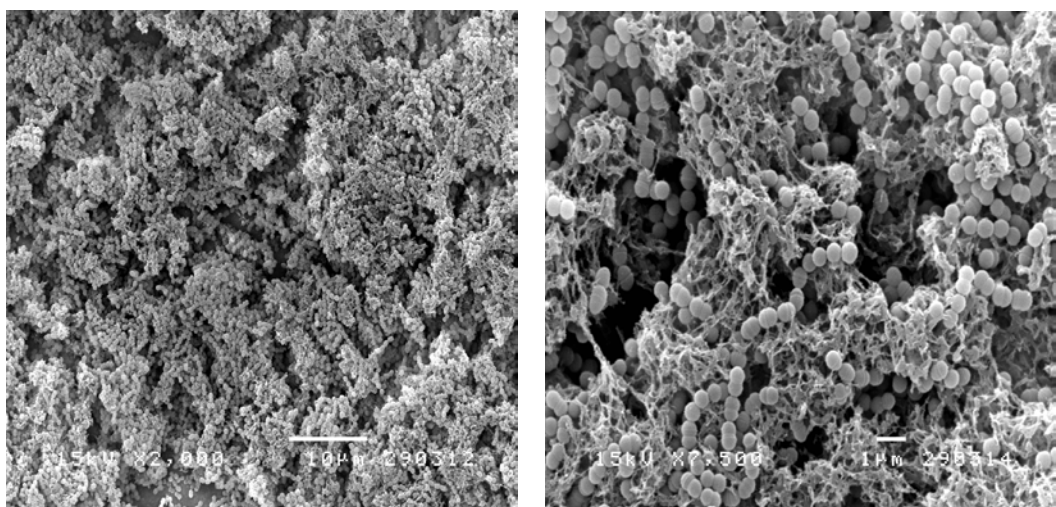
รูปที่ 4.24 (ก) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่เป็นชุดควบคุม เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา)



รูปที่ 4.24 (ข) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่ย่อยด้วยเปาเปน เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา)



รูปที่ 4.24 (ค) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่ย่อยด้วยเดกซ์แทรนเนส FI เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา)



รูปที่ 4.24 (ง) แสดงลักษณะคราบจุลินทรีย์ที่ย่อยด้วยสารละลายเดกซ์แทรนเนสและปาเปน เมื่อดูด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราดกำลังขยาย 2,000 เท่า (ซ้าย) และกำลังขยาย 7,500 เท่า (ขวา)



## บทที่ 5

### สรุปผลการวิจัย อภิปรายผล และข้อเสนอแนะ

#### 5.1 สรุปผลการวิจัย และอภิปรายผลการวิจัย

งานวิจัยนี้ศึกษาการสลายคราบจุลินทรีย์โดยใช้โปรตีนไฮดรอกซีร่วมกับเดกซ์แทรนเนสในไมโครไตเตอร์เพลตและหลอดทดลองที่ใช้เป็นแบบจำลองภายนอกร่างกาย

การสลายคราบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนสนั้นผลิตจากแบคทีเรีย *Arthrobacter* sp. AG-2 และรา *Penicillium pinophilum* SMCU3-14 ที่มีเดกซ์แทรนเนสเป็นสารชักนำการผลิต โดยความจำเพาะของเดกซ์แทรนเนสต่อการสลายพันธะขึ้นกับพันธะของเดกซ์แทรนเนสซึ่งคราบจุลินทรีย์ในงานวิจัยนี้เป็นเดกซ์แทรนเนสที่มีทั้งพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6 จึงต้องการผลิตเดกซ์แทรนเนสสำหรับการสลายคราบจุลินทรีย์ที่มีความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกดังนี้

- 1) เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 จึงใช้เดกซ์แทรนเนสเกรดอุตสาหกรรมที่มีพันธะ  $\alpha$ -1,6 ประมาณ 95 เปอร์เซ็นต์ เป็นสารชักนำ
- 2) เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 และ  $\alpha$ -1,6 จึงใช้เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 มีพันธะชนิด  $\alpha$ -1,3 ประมาณ 67 เปอร์เซ็นต์ และชนิด  $\alpha$ -1,6 ประมาณ 33 เปอร์เซ็นต์ เป็นสารชักนำ
- 3) เดกซ์แทรนเนสที่มีความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 จึงใช้เดกซ์แทรนเนสที่มีพันธะชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ ที่ได้จากการย่อยพันธะชนิด  $\alpha$ -1,6 ออกจากเดกซ์แทรนเนสที่ผลิตโดย *S. sobrinus* 6715 เป็นสารชักนำ

ในการผลิตเดกซ์แทรนเนสที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ มีการตรวจสอบว่าพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ถูกย่อยไปจนหมดแล้วหรือไม่ โดยพิจารณาจากการไม่เกิดผลิตภัณฑ์เพิ่มขึ้นหลังการย่อย นั่นก็คือ ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์สะสมคงที่ จากรูปที่ 4.2 เห็นได้ว่าปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์สะสมเริ่มคงที่ อาจเนื่องจากพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ถูกย่อยจนหมดหรือเกิดการสูญเสียสเตรทในขั้นตอนการล้างตะกอน หรือ เดกซ์แทรนเนสสูญเสียแอกทิวิตี จึงศึกษาต่อโดยการเติมเดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] ใหม่ ทุก 8 ชั่วโมงเพื่อชดเชยส่วนที่สูญเสียไปดังกล่าว พบว่า ตั้งแต่ชั่วโมงที่ 20 ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์สะสมคงที่ (รูปที่ 4.6) แสดงให้เห็นว่าพันธะชนิด  $\alpha$ -1,6 ถูกย่อยไปเป็นส่วนใหญ่แล้ว และคงเหลือพันธะอื่นๆที่เดกซ์แทรนเนส [ $\alpha$ -1,6] ไม่สามารถย่อยได้ เช่น พันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3

การผลิตเดกซ์แทรนเนสจากสารชักนำข้างต้นจะได้เดกซ์แทรนเนสทั้งหมด 6 ชนิด (ตารางที่ 4.1) โดยเดกซ์แทรนเนสจากรามีแอกทิวิตีและแอกทิวิตีจำเพาะสูงกว่าแบคทีเรียไม่ว่าจะใช้เดกซ์แทรนชนิดใดเป็นสารชักนำก็ตาม ซึ่งเดกซ์แทรนที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 เป็นส่วนใหญ่ที่ใช้เป็นสารชักนำจะให้แอกทิวิตีน้อยมาก เนื่องจากสับสเตรทที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 มีราคาจำหน่ายสูงมาก จึงใช้เดกซ์แทรนที่-2000 ที่มีพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 สูง เป็นสับสเตรทชนิดเดียวในการวัดแอกทิวิตี เมื่อปรับแอกทิวิตีของเดกซ์แทรนเนสให้เท่ากันแล้ว เดกซ์แทรนเนสจากรา FI FB และ FB-1,3 จะมีความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 เท่ากัน ในขณะที่ความจำเพาะต่อพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,3 จะเรียงลำดับจากน้อยไปหามาก ซึ่งเดกซ์แทรนเนสจากราจะสลายควบจุลินทรีย์ได้ใกล้เคียงกัน เป็นผลจากการทำงานของเดกซ์แทรนเนสที่จำเพาะต่อพันธะ  $\alpha$ -1,6 ที่ย่อยสลายสายหลักของเดกซ์แทรน และทำให้พันธะ  $\alpha$ -1,3 ที่ต่อเป็นกิ่งสาขาของสายหลักหลุดออกด้วย เมื่อมวลโมเลกุลของเดกซ์แทรนลดลงและมีพันธะ  $\alpha$ -1,3 น้อยกว่า 43 เพอร์เซ็นต์แล้ว เดกซ์แทรนนั้นจะละลายน้ำส่งผลให้ควบจุลินทรีย์ลดลงประกอบกับเดกซ์แทรนในควบจุลินทรีย์ที่มีบทบาทต่อการยึดติดมีปริมาณน้อย ดังนั้นควบจุลินทรีย์ที่เหลืออยู่จะมีสับสเตรทของพันธะ  $\alpha$ -1,3 เหลือน้อยมาก ถึงแม้ว่าจะมีการทำงานของเดกซ์แทรนเนสที่จำเพาะต่อพันธะ  $\alpha$ -1,3 ก็อาจเห็นความแตกต่างของควบจุลินทรีย์ที่ลดลงได้ไม่ชัดเจน อีกทั้งการผลิตสารชักนำสำหรับการผลิตเดกซ์แทรนเนส FB และ FB-1,3 มีหลายขั้นตอน มีระยะเวลาการผลิตมาก และได้ปริมาณน้อยจึงไม่เหมาะแก่การนำมาใช้ในทางอุตสาหกรรม จึงคัดเลือกเดกซ์แทรนเนส FI สำหรับการสลายควบจุลินทรีย์ร่วมกับโปรตีนเอส

โปรตีนเอสที่เลือกใช้ คือ ปาเปน เนื่องจากปาเปนมีค่าความเป็นกรด-เบสที่เหมาะสมต่อการสลายควบจุลินทรีย์ที่กว้างกว่าเปปซิน คือ ช่วงความเป็นกรด-เบส เท่ากับ 2.5-8.0 ที่อุณหภูมิห้อง (รูปที่ 4.14 4.15 4.16 และ 4.17)

การสลายควบจุลินทรีย์โดยใช้สารผสมของเดกซ์แทรนเนสและปาเปนสามารถสลายควบจุลินทรีย์ได้ดีกว่าการใช้เดกซ์แทรนเนสหรือปาเปนเพียงอย่างเดียวอย่างใดอย่างหนึ่ง และส่วนผสมที่เหมาะสมที่สุดคือ สารผสมของเดกซ์แทรนเนสความเข้มข้น 10 หน่วยต่อมิลลิลิตรกับปาเปนความเข้มข้น 0.25 หน่วยต่อมิลลิลิตร ที่สามารถลดควบจุลินทรีย์ได้มากกว่า 80 เพอร์เซ็นต์ ที่อุณหภูมิห้อง ภายในเวลา 5 นาที โดยลักษณะควบจุลินทรีย์ภายใต้กล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด (รูปที่ 4.24) มีช่องว่างระหว่างเซลล์จำนวนมากและเพิ่มขึ้นจากเดิม ทำให้จุลินทรีย์ที่ยึดเกาะกับควบจุลินทรีย์มีจำนวนลดน้อยลง เป็นผลจากการสลายควบจุลินทรีย์ด้วยเดกซ์แทรนเนสและปาเปน อย่างที่ทราบว่าเดกซ์แทรนเนสเป็นเอนไซม์ซึ่งเป็นโปรตีนชนิดหนึ่งย่อม

ถูกย่อยด้วยโปรตีเอสได้ แต่จากการทดลองเดกซ์แทรนเนสยังมีความสามารถในการสลายพันธะไกลโคซิดิกชนิด  $\alpha$ -1,6 ได้ เนื่องจากปาเปนย่อยพันธะเพปไทด์แบบสุ่มแต่ไม่ตัดส่วนที่เป็นบริเวณเร่งของเอนไซม์ จึงไม่ส่งผลกระทบต่อเดกซ์แทรนเนสในการสลายคราบจุลินทรีย์

ทั้งนี้ความสัมพันธ์ของน้ำตาลรีดิวซ์ที่เกิดขึ้นหลังการสลายคราบจุลินทรีย์ไม่มีความสัมพันธ์แบบเส้นตรงกับปริมาณคราบจุลินทรีย์ที่ลดลง (ตารางที่ 4.4 และ 4.5) เนื่องจากคราบจุลินทรีย์ประกอบด้วยส่วนอื่นๆอีก เช่น มิวแทน ไชมัน สารอินทรีย์ จุลินทรีย์ นอกเหนือจากเดกซ์แทรนที่ถูกย่อยสลายและเกิดผลิตภัณฑ์เป็นน้ำตาลรีดิวซ์ เมื่อเดกซ์แทรนที่มีบทบาทต่อการยึดติดของจุลินทรีย์ลดลง จุลินทรีย์เหล่านั้นก็จะหลุดออกไปพร้อมกับเดกซ์แทรนและส่วนหนึ่งจะหลุดล่อนออกจากคราบจุลินทรีย์ได้ง่ายขึ้น

ในงานวิจัยนี้ พบว่า สารฟลูออไรด์ไม่เพิ่มประสิทธิภาพในการสลายคราบจุลินทรีย์ เมื่อใช้ร่วมกับเดกซ์แทรนเนส หรือเดกซ์แทรนเนสร่วมกับปาเปน เนื่องจากสารฟลูออไรด์ใช้เป็นสารละลายของกรดซิตริกและโซเดียมโบคาร์บอเนต ที่ทำปฏิกิริยากันแล้วเกิดฟองฟูของก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ลอยขึ้นสู่ผิวหน้าของเหลว และนำพาเดกซ์แทรนเนสขึ้นสู่ผิวหน้าของเหลวด้วย ทำให้เดกซ์แทรนเนสเข้าทำปฏิกิริยากับคราบจุลินทรีย์ที่อยู่ด้านล่างของแบบจำลองจุลินทรีย์ได้ยากขึ้น ซึ่งแตกต่างจากการใช้เม็ดฟู่ที่มีน้ำหนักจึงอยู่บริเวณด้านล่างที่มีคราบจุลินทรีย์โดยตรงและอาจมีส่วนประกอบอื่นๆในเม็ดฟู่ที่มีผลต่อการสลายคราบจุลินทรีย์มากกว่าการมีแค่กรดซิตริกและโซเดียมโบคาร์บอเนต (โสภิต บุญยจารุ และ อภิรดา สุขพันธ์พันธ์, 2538)

## 5.2 ข้อเสนอแนะ

1. ในงานวิจัยต่อไป อาจศึกษาเกี่ยวกับการทำงานของปาเปนร่วมกับเดกซ์แทรนเนสเพิ่มเติมว่าปาเปนมีผลต่อการเพิ่มแอกทิวิตีของเดกซ์แทรนเนสโดยตรงหรือไม่ นอกเหนือจากที่ปาเปนไม่ส่งผลกระทบต่อบริเวณเร่งของเดกซ์แทรนเนส และยังคงทำหน้าที่ในการสลายคราบจุลินทรีย์ของแต่ละเอนไซม์ได้เช่นเดิม
2. ศึกษาการใช้สารผสมเดกซ์แทรนเนสกับปาเปนที่มีผลต่อการใช้งานจริงกับอุปกรณ์ในช่องปาก เช่น ฟันปลอม อุปกรณ์ที่ใช้ในทางทันตกรรม
3. ศึกษาปริมาณเดกซ์แทรนที่มีอยู่ทั้งหมดในคราบจุลินทรีย์ ทั้งที่มีการล้างคราบจุลินทรีย์และไม่ล้างคราบจุลินทรีย์ ก่อนและหลังการทดสอบการสลายคราบจุลินทรีย์ เพื่อเป็นอีกหนึ่งแนวทางในการยืนยันผลการทดลอง

## รายการอ้างอิง

### ภาษาไทย

- กฤษณ์ชัย เบศรภิญโญวงศ์. 2544. ผลร่วมระหว่างฟลูออไรด์กับเบสิค-เอพจีเอฟหรือพีดีจีเอฟ ที่มีต่อเซลล์สร้างเส้นใยจากโพรงฟันของมนุษย์. วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิต. สาขาวิชาชีววิทยาช่องปาก ภาควิชากายวิภาคศาสตร์ คณะทันตแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- เกศสุดา เงินประเสริฐ. 2538. การใช้ปองโซ 4 อาร์เป็นสารย้อมติดสีคราบจุลินทรีย์. วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิต. สาขาวิชาปริทันตวิทยา ภาควิชาปริทันตวิทยา คณะทันตแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- ขวัญชนก รัตนอุบล. 2542. การเปรียบเทียบผลของยาสีฟันผสมฟลูออไรด์ความเข้มข้น 500 และ 1,000 ส่วนในล้านส่วนต่อความแข็งผิวฟันน้ำนมในห้องปฏิบัติการ. วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิต. สาขาวิชาทันตกรรมสำหรับเด็ก ภาควิชาทันตกรรมสำหรับเด็ก คณะทันตแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- จินตกร คูวัฒนสุชาติ. 2544. จุลชีววิทยาช่องปาก และที่มาของโรคฟันผุ โรคปริทันต์ และโรคในช่องปาก. พิมพ์ครั้งที่ 2. กรุงเทพมหานคร:จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย
- ชัชวีร์ สุชาติล้ำพงศ์ และ ญญา อัครวรฤทธิ. 2545. ตำราทันตกายวิภาคศาสตร์ประยุกต์ 1. พิมพ์ครั้งที่ 2. กรุงเทพมหานคร:จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- ณฤดี อัครเสวีเลิศ. 2550. การสลายเด็กซ์แทรนบนแบบจำลองฟันเรียบด้วยเด็กซ์แทรนเนสจากจุลินทรีย์. วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- ณัฐณี สุวรรณสิงห์. 2540. การคัดเลือกแบคทีเรียที่สามารถสร้างเอนไซม์เด็กซ์แทรนเนสและการศึกษาสมบัติบางประการของเอนไซม์. รายงานการวิจัย. ภาควิชาเทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี มหาวิทยาลัยธรรมศาสตร์.
- นิลเนตร อัครศิริจินดา. 2551. การโคลนและการแสดงของเด็กซ์แทรนเนสจาก *Penicillium pinophilum* SMCU3-14 ในแบคทีเรียและยีสต์. วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาอุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.

- นันทิดา วานิชวงศ์วรรณ. 2545. การผลิตเดกซ์แทรนเนสโดย *Streptococcus sobrinus* 6715 เพื่อชักนำการสร้างเดกซ์แทรนเนสใน *Arthrobacter* sp. AG-2. วิทยานิพนธ์ปริญญา  
มหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะ  
วิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- ปราณี อ่านเบรื่อง. 2547. เอนไซม์ทางอาหาร. กรุงเทพมหานคร:จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- ทวีศักดิ์ วุฒิเวียงธรรม. 2536. การทำให้บริสุทธิ์และตรวจสอบคุณสมบัติของเอนไซม์ปาเปนจาก  
ยางมะละกอพันธุ์แขกดำ (*Carica papaya* Linn.). วิทยานิพนธ์ปริญญามหาบัณฑิต.  
หลักสูตรเทคโนโลยีชีวภาพ บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- พิมลรัตน์ เต็มจิตต์ภักดี. 2549. การโคลนและการหาลำดับของยีนเดกซ์แทรนเนสจาก *Penicillium*  
sp. SMCU 3-14. วิทยานิพนธ์ปริญญามหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาอุตสาหกรรม  
ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- พัชรราวดี บุตรทา. 2548. ภาวะการเก็บเดกซ์แทรนเนสให้เสถียร. วิทยานิพนธ์ปริญญามหาบัณฑิต.  
สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- วิมลสิน ศิริพัฒนานนท์. 2549. การผลิตเดกซ์แทรนโดย *Leuconostoc mesenteroides* 473 เพื่อให้  
เป็นสารชักนำการสร้างเดกซ์แทรนเนสโดย *Penicillium* sp. SMCU 3-14. วิทยานิพนธ์  
ปริญญามหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาอุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะ  
วิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- ศิโรจน์ ศรีสราภรณ์. 2547. ภาวะที่เหมาะสมในการผลิตเดกซ์แทรนเนสโดย *Penicillium* sp.  
SMCU3-14 ในถังหมัก. วิทยานิพนธ์ปริญญามหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาทาง  
อุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- สิทธิชัย ชุนทองแก้ว. 2552. วิทยาการโรคพืช. พิมพ์ครั้งที่ 2. กรุงเทพมหานคร:โอกรูป เพรส
- สันศณี จงจิตสำราญ. 2538. การเปรียบเทียบประสิทธิภาพการย่อยโปรตีนในน้ำยางธรรมชาติ  
ระหว่างปาเปนตรังรูปบนเม็ดทรายกับปาเปนอิสระ. วิทยานิพนธ์ปริญญามหาบัณฑิต.  
สหวิชาเทคโนโลยีทางชีวภาพ บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- สุวรรณา นพพรพันธุ์. 2538. การปรับปรุงสายพันธุ์เพื่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสของ  
*Penicillium* sp. สายพันธุ์ 61. วิทยานิพนธ์ปริญญามหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยา  
อุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.

- สุหัทยา จิระนันท์พิพร. 2543. การกลายพันธุ์ *Arthrobacter* sp. สายพันธุ์ AG-2 เพื่อเพิ่มการสร้าง  
เดกซ์แทรนเนส. วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม  
 ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- โสภิต มุขยจารุ และอภิรดา สุคนธ์พันธ์. 2538. การพัฒนายาเม็ดทำความสะอาดฟันปลอม.  
 โครงการพิเศษของนักศึกษาระดับปริญญาตรี คณะเภสัชศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล.
- กรมอนามัย. 2551. รายงานผลการสำรวจสภาวะสุขภาพช่องปากระดับประเทศ ครั้งที่ 6  
 [ออนไลน์]. กรุงเทพมหานคร : กรมอนามัย. แหล่งที่มา :  
<http://dental.anamai.moph.go.th/oralhealth/PR/E-book/index.html> [2553, ธันวาคม  
 21]
- เอก แสงวิเชียร. 2531. เดกซ์แทรนเนสจาก *Penicillium* sp. สายพันธุ์ 61. วิทยานิพนธ์ปริญญา  
 มหาบัณฑิต. สาขาวิชาจุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะ  
 วิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.

### ภาษาอังกฤษ

- Aquino, F.W.B. and Franco, D.W. 2009. Molecular mass distribution of dextran in  
 Brazilian sugar and insoluble deposits of cachaça. Food Chem. 114:1391–1395.
- Andrew, R.G. 1984. Effervescent denture cleaning composition comprising  
 monoperphthalate. U.S. patent :4490269.
- Arbige, M.V. and Pitcher, W.H. 1986. Industrial enzymology: a look forwards the future.  
Trends Biotech. 7:330-335.
- Arnon, R. 1970. In Methods in Enzymology. Academic Press, New York.
- Aslan, Y. and Tanriseven, A. 2007. Immobilization of *Penicillium lilacinum* dextranase to  
 produce isomaltooligosaccharide from dextran. Biochem. Eng. J. 34:8-12.
- Berg, I.C.H., Kalfas, S., Malmsten, M. and Arnebrant, T. 2001. Proteolytic degradation of  
 oral biofilms *in vitro* and *in vivo*: potential of proteases originating from  
*Euphausia superba* for plaque control. Eur J Oral Sci. 109:316-324.
- Charoenpornwattana, S., Jiranuntipon, S., Tangjitpinitkarn, S., Thaniyavarn. J. and  
 Thaniyavarn, S. 2001. Dextranase from *Arthrobacter* sp. AG-2 and characterization  
 thereof. Biotechnology for Sustainable Utilization of Biological Resources in the  
 Tropics. 15:405-410.

- Collins, L.M.C. and Dawes, C. 1987. The surface area of the adult human and thickness of salivary film covering the teeth and oral mucosa. J Dent Res. 66:1300-1302.
- Dall, L., Keilhofner, M., Herndon, B., Barnes, W. and Lane, J. 1990. Clindamycin effect on glycocalyx production in experimental viridans streptococcal endocarditis. J Infect Dis. 161:1221–1224.
- Davis, H.M., Hines, H.B. and Edwards, J.R. 1986. Structural elucidation of a water-insoluble glucan produced by a cariogenic oral Streptococcus. Carbohydr Res. 156:69-77.
- Dols, M., Remaud-Simeon, M. and Monsan, P.F. 1997. Dextranase production by *Leuconostoc mesenteroides* NRRL B-1299 comparison with *L. mesenteroides* NRRL-512F. Enz Microb Tech. 20:523-530.
- Edmondson, E.M.S. 1990. Food composition and food cariogenicity factors affecting the cariogenic potential of foods. Caries Res. 24(Suppl 1):60-71.
- Edwina, K. 2005. Essentials of dental caries. 3<sup>rd</sup>. Oxford University press, New York.
- Eggleson, G. and Monge, A. 2005. Optimization of sugarcane application of commercial dextranase. Process Biochem. 40:1881-1894.
- Enzyme Nomenclature. 1992. Nomenclature Committee of the International Union of Biochemistry and Molecular Biology (NC-IUBMB). Academic press, San Diego, California.
- Erhard, F.A. and Jordening, H-J. 2007. Immobilization of dextranase from *Chaetomium erraticum*. J Biotechnol. 131:440-447.
- Flemming, H.C., Wingender, J. and Griegbe, M.C. 2000. Physico-chemical properties of biofilms, p.19–34. In: Evans LV, (ed), Biofilms: recent advances in their study and control. Harwood Academic Publishers., Amsterdam.
- Fukumoto, J., Tsuji, H. and Tsura, D. 1971. *Penicillium luteum* dextranase: its production and some enzymatic properties. J Biochem. 69:1113-1121.
- Grenier, D. 1993. Reduction of proteolytic degradation by chlorhexidine. J Dent Res. 72(3):630-633.

- Gohel, M.C. and Sumitra, M.G. 2002. Modulation of active pharmaceutical material release from a novel 'tablet in capsule system' containing an effervescent blend. J Control Release. 79:157-164.
- Hamada, S., Ooshima, T., Masuda, N., Mizuno, J. and Sobue, S. 1976. Inhibition of rat dental caries by dextranase from a strain of *Spicaria violacea*. Jpn J Microbiol. 20(4):321-330.
- Hansen, H. J. 1998. Method for antibody targeting of therapeutic agents. U.S. patent. :5851527.
- Hare, M.D., Svensson, S. and Walker, G.J. 1978. Characterization of the extracellular, water-insoluble  $\alpha$ -D-glucans of oral Streptococci by methylation analysis and by enzymic synthesis and degradation. Carbohydr Res. 66:245-264.
- Hashizume, L.N., Shinada, K., Kawaguchi, Y. and Yamashita Y. 2002. Sequence of ultrastructural change of enamel crystals and *Streptococcus mutans* biofilm in early caries *in vitro*. J Med Dent Sci. 49:67-75.
- Hayacibara, M.F., Koo, H., Vacca-Smith, A.M., Kopec, L.K., Scott-Anne, K., Cury, J.A. and Bowen, W.H. 2004. The influence of mutanase and dextranase on the production and structure of glucans synthesized by Streptococcal glucosyltransferases. Carbohydr Res. 339:2127-2137.
- Hillson, S. 2005. Teeth 2<sup>nd</sup>. Cambridge University press, New York.
- Houte, J.H. 1994. Role of micro-organism in caries etiology. J Dent Res. 73(3):672-681.
- Iain, A.H., Elizabeth, M.R. and Christopher, D.W. 1999. Cleansing composition. U.S.patent :6008171.
- Igarashi, T., Yamamoto, A. and Goto, N. 1998. Detection of dextranase-producing Gram-negative oral bacteria. Oral Microb Immunol. 13: 382-386.
- Imazato, S., Russell, R. R. B. and McCabet, J. F. 1995. Antibacterial activity of MDPB polymer incorporated in dental resin. J Dent. 23(3):177-181.
- Imazato, S., Ebi, N., Takahashi, Y., Kaneko, T., Ebisu, S. and Russell, R.R.B. 2003. Antibacterial activity of bactericide-immobilized filler for resin-based restoratives. Biomaterials. 24:3605–3609.



- Khalikova, E., Susi, P. and Korpela, T. 2005. Microbial dextran-hydrolyzing enzyme: Fundamental and applications. Microbiol Mol Biol Rev. 69(2):306-325.
- Kim, D., Robyt, J.F., Lee, S-Y., Lee, J-H. and Kim, Y-M. 2003. Dextran molecular size and degree of branching as a function of sucrose concentration, pH, and temperature of reaction of *Leuconostoc mesenteroides* B-512FMCM dextranase. Carbohydr Res. 338:1183-1189.
- Kim, J.S., Reuhs, B.L., Michon, F., Kaiser, R.E. and Arumugham, R.G. 2006. Addition of glycerol for improved methylation linkage analysis of polysaccharides. Carbohydr Res. 341:1061-1064.
- Ko, W., Wong, C., Yeung, H., Yung, M., Shaw, P. and Tam, S. 1991. Increasing the plasma half-life of trichosanthin by coupling to dextran. Biochem Pharmacol. 42:1721-1728.
- Kolenbrader, P.E., Andersen, R.N., Blehert, D.S., Eglund, P.G., Foster, J.S. and Palmer, R.J. 2002. Communication among oral bacteria. Mol Microbiol Mol Biol Rev. 66:486-505.
- Lang, C., Bottner, M., Holz, C., Veen, M., Ryser, M., Reindl, A., Pompejus, M. and Tanzer, J.M. 2010. Specific Lactobacillus/Mutan streptococcus co-aggregation. J Dent Res. 89(2):175-179.
- Leroy, C., Delbarre, C., Ghillebaert, C., Compere, C and Combes, D. 2008. Effect of commercial enzymes on the adhesion of a marine biofilm forming bacterium. Biofouling. 24(1):11-22.
- Li, F., Chai, Z.G., Sun, M.N., Wang, F., Ma, S., Zhang, L., Fang, M. and Chen, J.H. 2009. Anti-biofilm effect of dental adhesive with cationic monomer. J Dent Res. 88(4): 372-376.
- Ely, L., Roa, W., Finlay, W.H. and Löbenberg, R. 2007. Effervescent dry powder for respiration drug delivery. Eur J Pharm Biopharm. 65:346-353.
- Lowry, O.H., Rosebrough, N.J., Farr, A.L. and Randall, R.J. 1951. Protein measurement with the folin phenol reagent. J Biol Chem. 193: 265-275.

- Ly, K., Milgrom, P. and Rothem, M. 2006. Xylitol, sweeteners, and dental caries. Pediatr Dent. 28(2):154-163.
- Mitsue, F.H., Hyun, K., Anne, M.V.S., Leslie, K.K., Kathleen, S-A., Jaime, A.C. and William, H.B. 2004. The influence of mutanase and dextranase on the production and structure of glucans synthesized by Streptococcal glucosyltransferases. Carbohydr Res. 339:2127-2137.
- Molobela, I.P., Cloete, T.E. and Beukes, M. 2010. Protease and amylase enzymes for biofilm removal and degradation of extracellular polymeric substances (EPS) produced by *Pseudomonas fluorescens* bacteria. Afr J Microbiol Res. 4(14): 1515-1524.
- Murayama, Y., Wada, H., Hayashi, H-O., Uchida, T., Yokomizo, I. and Hamada, S. 1973. Effects of dextranase from *Spicaria violaceae* (IFO 6120) on the polysaccharides produced by oral Streptococci and on human dental plaque. J Dent Res. 52:658-667.
- Musaka, H., Shimamura, A. and Tsumori, H. 1989. Purification and characterization of cell-associated glucosyltransferase synthesizing insoluble glucans from *Streptococcus mutans* serotype C. J Gen Microbiol. 135:2055-2063.
- Niu, Y., Sun, J., Fan, M., Xu, Q.-A., Guo, J., Jia, R. and Li, Y. 2009. Construction of a new fusion anti-caries DNA vaccine. J Dent Res. 88(5):454-460.
- Peter, B., Gregory, L.C. and Anthony, B-C. 1994. Purification and properties of alternanase, a novel endo- $\alpha$ -1,3- $\alpha$ -1,6-D-glucanase. Eur J Biochem. 226:633-639.
- Pitts, B., Hamilton, M.A., Zilver, N., and Stewart, P.S. 2003. Amicrotiter-plate screening method for biofilm disinfection and removal. J Microbiol Meth. 54:269-276.
- Ritz, H.L. 1967. Microbial population shifts in developing human dental plaque. Arch Oral Biol. 12:1562-1568.
- Robert, A. 2005. Bacteria in the mouth. Dent update. 32:134-142.
- Robinson, C. Shore, R.C., Brookes, S.J. and Strafford, S. 2000. The chemistry of enamel caries. Crit Rev Oral Biol Med. 11(4):481-495.

- Rozen, R., Bachrach, G., Bronshteyn, M. and Steenberg, D. 2001. The role of fructans on dental formation by *Streptococcus sobrinus*, *Streptococcus mutans*, *Streptococcus gordonii* and *Actinomyces viscosus*. FEMS Microbiol Lett. 195:205-210.
- Simonson, L.G. and Jackola, D. 1979. Effects of dextranses on attachment of *Streptococcus mutans* to hydroxyapatite. Antimicrob Agents Chemother. 16(1): 9-12.
- Silverstone, L.M. 1974. Fissure Sealants. Caries Res. 8:2-26.
- Somogyi, M. 1952. Note on sugar determination. J Biol Chem. 195:19-23.
- Tanzer, J.M. 1989. On changing the cariogenic chemistry of coronal plaque. J Dent Res. 68 (Spec iss):1576-1587.
- Van Houte, J. 1994. Role of micro-organism in caries etiology. J Dent Res. 73(3):672-681.
- Xiao, J., Zuo, Y.L., Liu, Y., Li, J.Y., Hao, Y.Q. and Zhou, X.D. 2007. Effect of Nidus Vespaee extract and chemical fraction on glucosyltransferases, adherence and biofilm formation of *Streptococcus mutans*. Arch Oral Biol. 52:869-875.
- Yano, A., Kikuchi, S., Yamashita, Y., Sakamoto, Y., Nakagawa, Y. and Yoshida, Y. 2010. The inhibitory effects of mushroom extracts on sucrose-dependent oral biofilm formation. Appl Microbiol Biotechnol. 86:615-623.
- Yoo, S.Y., Kim, K-J. Lim, S-H., Kim, K-W., Hwang, H-K., Min, B-M., Choe, S-J. and Kook, J-K. 2005. First isolate of *Streptococcus downei* from human dental plaque. FEMS Microbiol Lett. 249:323-326.

ภาคผนวก

**ภาคผนวก ก**  
**สูตรและวิธีการเตรียมอาหารเลี้ยงเชื้อ**

**1. อาหารเลี้ยงเชื้อสำหรับ *Streptococcus sobrinus* 6715**

1.1 อาหารเลี้ยงเชื้อเหลว Brain Heart Infusion (BHI)

BHI 37 กรัม

ละลายส่วนผสมในน้ำกลั่นปริมาตร 1,000 มิลลิลิตร นำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยอุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดันไอ 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที

สำหรับอาหารเลี้ยงเชื้อแข็งเตรียมอาหารเช่นเดียวกับอาหารเลี้ยงเชื้อเหลว แล้วเติมวุ้นผงเพิ่ม 15 กรัมต่ออาหารเหลว 1,000 มิลลิลิตร ก่อนนำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยอุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดันไอ 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที

1.2 อาหารเลี้ยงเชื้อเหลว Brain Heart Infusion (BHI) ที่เสริมด้วยซูโครส 2 เปอร์เซ็นต์

BHI 37.0 กรัม

ซูโครส (Sucrose) 20.0 กรัม

ละลายส่วนผสมทั้งหมดในน้ำกลั่นปริมาตร 1,000 มิลลิลิตร นำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยอุณหภูมิ 110 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที

**2. อาหารเลี้ยงเชื้อสำหรับ *Arthrobacter* sp.AG-2**

2.1 อาหารเลี้ยงเชื้อเหลว Yamaguchi (yamaguchi และ Gocho, 1973)

เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (Dextran industrial grade) 5.0 กรัม

พอลิเพปโตน (Polypeptone) 10.0 กรัม

ไดโพแทสเซียมไฮโดรเจนฟอสเฟต ( $K_2HPO_4$ ) 2.0 กรัม

โพแทสเซียมไดไฮโดรเจนฟอสเฟต ( $KH_2PO_4$ ) 1.0 กรัม

แมกนีเซียมซัลเฟตเฮปตะไฮเดรต ( $MgSO_4 \cdot 7H_2O$ ) 0.1 กรัม

สารสกัดจากยีสต์ (Yeast extract) 0.1 กรัม

โซเดียมคลอไรด์ (NaCl) 30.0 กรัม

ละลายส่วนผสมทั้งหมดยกเว้นเดกซ์แทรนในน้ำกลั่นปริมาตรประมาณ 500 มิลลิลิตร ปรับค่าความเป็นกรด-เบสให้เป็น 7.0 ด้วยสารละลายไฮโดรคลอริกความเข้มข้น 1 นอร์มัล หรือสารละลายกรดไฮโดรคลอริกความเข้มข้น 1 นอร์มัล จากนั้นเติมเดกซ์แทรน นำไปละลายโดยอุ่นให้ความร้อนด้วยเครื่องไมโครเวฟและปรับปริมาตรอาหารเลี้ยงเชื้อให้เป็น 1,000 มิลลิลิตร ด้วยน้ำกลั่น และนำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยความดันไอน้ำ 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที

สำหรับอาหารเลี้ยงเชื้อแข็งเตรียมอาหารเช่นเดียวกับอาหารเลี้ยงเชื้อเหลวแล้วเติมวุ้นผงเพิ่ม 15 กรัมต่ออาหารเหลว 1,000 มิลลิลิตร ก่อนนำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยอุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดันไอน้ำ 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที

### 3. อาหารเลี้ยงเชื้อสำหรับ *Penicillium pinophilum* SMCU 3-14

3.1 อาหารเลี้ยงเชื้อแข็งของ Fukumoto และคณะ (1971) ที่ปรับปรุงโดย เอก แสงวิเชียร (2531)

เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (Dextran industrial grade)	10.0	กรัม
โซเดียมไนเตรต ( $\text{NaNO}_3$ )	2.0	กรัม
ไดโพแทสเซียมไฮโดรเจนฟอสเฟต ( $\text{K}_2\text{HPO}_4$ )	2.0	กรัม
โพแทสเซียมคลอไรด์ (KCl)	0.5	กรัม
แมกนีเซียมซัลเฟตเฮปตะไฮเดรต ( $\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ )	0.5	กรัม
เฟอร์รัสซัลเฟตเฮปตะไฮเดรต ( $\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ )	0.005	กรัม
สารสกัดจากยีสต์ (Yeast extract)	2.0	กรัม
วุ้นผง	15.0	กรัม

ละลายส่วนผสมทั้งหมดยกเว้นเดกซ์แทรนในน้ำกลั่นปริมาตรประมาณ 500 มิลลิลิตร ปรับค่าความเป็นกรด-เบสให้เป็น 4.8 ด้วยสารละลายกรดไฮโดรคลอริกความเข้มข้น 1 นอร์มัล หรือ สารละลายโซเดียมไฮดรอกไซด์ความเข้มข้น 1 นอร์มัล จากนั้นเติมเดกซ์แทรนและวุ้นผงนำไปละลายโดยอุ่นให้ความร้อนด้วยเครื่องไมโครเวฟและปรับปริมาตรอาหารเลี้ยงเชื้อให้เป็น 1,000 มิลลิลิตร ด้วยน้ำกลั่น และนำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยความดันไอน้ำ 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที

### 3.2 อาหารเลี้ยงเชื้อแข็งของ Fukumoto และคณะ (1971) ที่ปรับปรุงโดย ศิริโรจน์ ศรีสรากรณ์ (2547)

เดกซ์แทรนเกรดอุตสาหกรรม (Dextran industrial grade)	10.0	กรัม
กากน้ำตาล (Molass)	15.0	มล.
โซเดียมไนเตรต ( $\text{NaNO}_3$ )	0.9	กรัม
ไดโพแทสเซียมไฮโดรเจนฟอสเฟต ( $\text{K}_2\text{HPO}_4$ )	2.0	กรัม
โพแทสเซียมคลอไรด์ (KCl)	0.5	กรัม
แมกนีเซียมซัลเฟตเฮปตะไฮเดรต ( $\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ )	0.5	กรัม
เฟอร์รัสซัลเฟตเฮปตะไฮเดรต ( $\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ )	0.005	กรัม
สารสกัดจากยีสต์ (Yeast extract)	3.9	กรัม

ละลายส่วนผสมทั้งหมดยกเว้นเดกซ์แทรนในน้ำกลั่นปริมาตรประมาณ 500 มิลลิลิตร ปรับค่าความเป็นกรด-เบสให้เป็น 4.0 ด้วยสารละลายกรดไฮโดรคลอริกความเข้มข้น 1 นอร์มัล หรือ สารละลายโซเดียมไฮดรอกไซด์ความเข้มข้น 1 นอร์มัล จากนั้นเติมเดกซ์แทรนนำไปละลายโดยอุ่นให้ความร้อนด้วยเครื่องไมโครเวฟและปรับปริมาตรอาหารเลี้ยงเชื้อให้เป็น 1,000 มิลลิลิตร ด้วยน้ำกลั่น และนำไปนึ่งฆ่าเชื้อด้วยความดันไอ 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที

**ภาคผนวก ข**  
**สารเคมีและอุปกรณ์ที่ใช้ในการทดลอง**

**1. สารละลายสำหรับวิเคราะห์ปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ด้วยวิธีของ Somogyi-Nelson (Somogyi, 1952)**

**1.1 สารละลายอัลคาไลน์คอปเปอร์ (Alkaline copper reagent)**

ละลายไดโซเดียมไฮโดรเจนฟอสเฟตโดเดคาไฮเดรต ( $\text{Na}_2\text{HPO}_4 \cdot 12\text{H}_2\text{O}$ ) 71 กรัม และโซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทรตเตตระไฮเดรต ( $\text{C}_4\text{H}_4\text{KNaO}_6 \cdot 4\text{H}_2\text{O}$ ) 40 กรัม ในน้ำกลั่น 700 มิลลิลิตร เติมโซเดียมไฮดรอกไซด์ ( $\text{NaOH}$ ) ความเข้มข้น 1 นอร์มอล ปริมาตร 100 มิลลิลิตร แล้วเติมสารละลายคอปเปอร์ซัลเฟตเพนตะไฮเดรต ( $\text{CuSO}_4 \cdot 5\text{H}_2\text{O}$ ) ความเข้มข้น 10 เปอร์เซ็นต์ ปริมาตร 80 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน จากนั้นค่อยๆเติมโซเดียมซัลเฟต ( $\text{Na}_2\text{SO}_4$ ) ปริมาณ 180 กรัม ในสารละลายที่ตั้งในอ่างควบคุมอุณหภูมิประมาณ 50 องศาเซลเซียส เพื่อช่วยในการละลายแล้วปรับปริมาตรสุดท้ายด้วยน้ำกลั่นเป็น 1,000 มิลลิลิตร เก็บในขวดสีชา ตั้งทิ้งไว้ที่อุณหภูมิห้อง 1-2 วัน ถ้ามีตะกอนกรองก่อนใช้

**1.2 สารละลายเนลสัน (Nelson's reagent)**

ละลายแอมโมเนียมโมลิบเดตเตตระไฮเดรต ( $(\text{NH}_4)_6\text{Mo}_7\text{O}_{24} \cdot 4\text{H}_2\text{O}$ ) 53.2 กรัม ในน้ำกลั่น 900 มิลลิลิตร แล้วเติมกรดซัลฟูริกเข้มข้น (Sulfuric acid) ปริมาตร 21 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน จากนั้นเติมสารละลายโซเดียมอาร์ซีเนต ( $\text{NaHAsO}_4$ ) ความเข้มข้น 12 เปอร์เซ็นต์ ปริมาตร 50 มิลลิลิตร ละลายให้เข้ากันแล้วปรับปริมาตรสุดท้ายด้วยน้ำกลั่นเป็น 1,000 มิลลิลิตร เก็บในขวดสีชา ตั้งทิ้งไว้ที่อุณหภูมิห้อง 1-2 วัน ถ้ามีตะกอนกรองก่อนใช้

**2. สารละลายสำหรับวิเคราะห์ปริมาณน้ำตาลโปรตีนด้วยวิธีของ Lowry (Lowry, 1951)**

**2.1 สารละลาย Lowry A**

ละลายโซเดียมคาร์บอเนต ( $\text{Na}_2\text{CO}_3$ ) 20 กรัม โซเดียมไฮดรอกไซด์ ( $\text{NaOH}$ ) 4 กรัม และโซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทรตเตตระไฮเดรต ( $\text{C}_4\text{H}_4\text{KNaO}_6 \cdot 4\text{H}_2\text{O}$ ) 0.2 กรัม ในน้ำกลั่น 1,000 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันแล้วเก็บในขวดสีชา



## 2.2 สารละลาย Lowry B

ละลายคอปเปอร์ซัลเฟตเพนตะไฮเดรต ( $\text{CuSO}_4 \cdot 5\text{H}_2\text{O}$ ) 5.0 กรัม ในน้ำกลั่น 1,000 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันแล้วเก็บในขวดสีชา

## 2.3 สารละลาย Lowry C

ผสมสารละลาย Lowry A 50 ส่วน กับสารละลาย Lowry B 1 ส่วน โดยในการวิเคราะห์ปริมาณโปรตีนนี้ต้องเตรียมใหม่ทุกครั้ง

## 2.4 สารละลาย Lowry D

ผสมสารละลายฟอลินฟีนอลรีเอเจนท์ (Folin phenol reagent) 1 ส่วน กับน้ำกลั่น 1 ส่วน โดยในการวิเคราะห์ปริมาณโปรตีนนี้ต้องเตรียมใหม่ทุกครั้ง

### 3. สารละลายเดกซ์แทรนที-2000 ความเข้มข้น 0.625 เปอร์เซ็นต์

ละลายเดกซ์แทรนที-2000 ปริมาณ 0.625 กรัม ในโซเดียมฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ที่ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 7.0 สำหรับเดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจาก *Arthrobacter* sp.AG-2 จากนั้นนำไปละลายโดยใช้เครื่องกำเนิดความถี่สูง (Sonicator) จนกว่าจะละลายหมด และปรับปริมาตรสุดท้ายด้วยขวดปรับปริมาตรขนาด 100 มิลลิลิตร

ละลายเดกซ์แทรนที-2000 ปริมาณ 0.625 กรัม ในโซเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ที่ค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 4.5 สำหรับเดกซ์แทรนเนสที่ผลิตจาก *Penicillium pinophilum* SMCU3-14 จากนั้นนำไปละลายโดยใช้เครื่องกำเนิดความถี่สูง (Sonicator) จนกว่าจะละลายหมด และปรับปริมาตรสุดท้ายด้วยขวดปรับปริมาตรขนาด 100 มิลลิลิตร

**4. สารละลายกรดไฮโดรคลอริก/โพแทสเซียมคลอไรด์บัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ค่าความเป็นกรดต่างๆ**

เตรียมสารละลายโพแทสเซียมคลอไรด์ ความเข้มข้น 0.2 โมลาร์ ปริมาตร 50 มิลลิลิตร ปรับค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 2.0 และ 2.5 ด้วยสารละลายกรดไฮโดรคลอริก ความเข้มข้น 0.2 โมลาร์ จากนั้นเจือจางสารละลายไฮโดรคลอริก/โพแทสเซียมคลอไรด์บัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.2 โมลาร์ ที่ได้เป็นความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ด้วยน้ำกลั่น

**5. สารละลายโพแทสเซียมไฮโดรเจนพทาเลต/กรดไฮโดรคลอริก ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ค่าความเป็นกรดต่างๆ**

เตรียมสารละลายโพแทสเซียมไฮโดรเจนพทาเลต ความเข้มข้น 0.1 โมลาร์ ปรับค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 3.0 ด้วยสารละลายกรดไฮโดรคลอริกความเข้มข้น 0.1 โมลาร์ จากนั้นเจือจางสารละลายโพแทสเซียมไฮโดรเจนพทาเลต/กรดไฮโดรคลอริก ความเข้มข้น 0.1 โมลาร์ ที่ได้เป็นความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ด้วยน้ำกลั่น

**6. สารละลายโซเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ค่าความเป็นกรดต่างๆ**

เตรียมสารละลายโซเดียมอะซิเตตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1.0 โมลาร์ ที่ค่าความเป็นกรด-เบสต่างๆได้แก่ 3.5 4.0 4.5 5.0 5.5 และ 6.0 โดยละลายโซเดียมอะซิเตต 0.42 1.21 2.91 5.07 6.94 และ 7.76 กรัม ตามลำดับ ในน้ำกลั่น 80 มิลลิลิตร ปรับค่าความเป็นกรด-เบสตามต้องการด้วยกรดอะซิติก (Acetic acid) และปรับปริมาตรสุดท้ายด้วยขวดปรับปริมาตรขนาด 100 มิลลิลิตร จากนั้นเจือจางโซเดียมฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1.0 โมลาร์ ที่ได้เป็นความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ด้วยน้ำกลั่น

## 7. สารละลายฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ค่าความเป็นกรดต่างๆ

เตรียมสารละลายฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1.0 โมลาร์ ที่ค่าความเป็นกรด-เบสต่างๆได้แก่

ค่าความเป็นกรด-เบส	ไดโซเดียมไฮโดรเจนฟอสเฟต (กรัม)	โซเดียมไดไฮโดรเจนฟอสเฟต (กรัม)	น้ำกลั่น (มิลลิลิตร)
6.0	1.87	10.42	80
6.5	4.60	8.11	80
7.0	8.55	4.77	80
7.5	11.74	2.46	80
8.0	13.34	0.85	80

ปรับค่าความเป็นกรด-เบสตามต้องการด้วยโซเดียมไฮดรอกไซด์ (NaOH) และปรับปริมาตรสุดท้ายด้วยขวดปรับปริมาตรขนาด 100 มิลลิลิตร จากนั้นเจือจางสารละลายฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1.0 โมลาร์ ความเข้มข้น 1.0 โมลาร์ ที่ได้เป็นความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ด้วยน้ำกลั่น

## 8. สารละลายคริสตัลไวโอเล็ต 0.02 เปอร์เซ็นต์ (โดยน้ำหนัก)

ละลายคริสตัลไวโอเล็ต (Crystal violet) 0.02 กรัม ในน้ำกลั่น 100 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันแล้วเก็บในขวดสีชา

## 9. กรดอะเซติก (CH<sub>3</sub>COOH) ความเข้มข้น 30 เปอร์เซ็นต์ (โดยปริมาตร)

เติมกรดอะเซติกเข้มข้น 30 มิลลิลิตร ลงในน้ำกลั่นปริมาตร 70 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันแล้วเก็บในขวดสีชา

## 10. สารละลายทวิน-80 (Tween-80) ความเข้มข้น 0.1 เปอร์เซ็นต์ (โดยปริมาตร)

ผสมทวิน-80 ปริมาตร 0.1 มิลลิลิตร ลงในน้ำกลั่นแล้วปรับปริมาตรสุดท้ายเป็น 100 มิลลิลิตร และนำไปนิ่งฆ่าเชื้อด้วยความดันไอน้ำ 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที

11. โซเดียมไฮดรอกไซด์ ความเข้มข้น 0.1 นอร์มัล (0.1 N NaOH)

ละลายโซเดียมไฮดรอกไซด์ 0.4 กรัม ในน้ำกลั่น 100 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน

12. สารละลายเคซีน ความเข้มข้น 1.5 เปอร์เซ็นต์

ละลายเคซีนในสารละลายโซเดียมไฮดรอกไซด์ ความเข้มข้น 0.1 นอร์มัล คนและปรับค่าความเป็นกรด-เบสเท่ากับ 7 จึงเติมฟอสเฟตบัพเฟอร์ความเข้มข้น 0.5 โมลาร์ แล้วปรับปริมาตรเป็น 100 มิลลิลิตร ด้วยน้ำกลั่น

13. สารละลายไตรคลอโรอะซิติกแอซิด ความเข้มข้น 0.4 โมลาร์

ละลายกรดไตรคลอโรอะซิติก 6.53 กรัมในน้ำกลั่น 100 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน

14. สารละลายโซเดียมคาร์บอเนต ความเข้มข้น 0.4 โมลาร์

ละลายโซเดียมคาร์บอเนต 4.24 กรัมในน้ำกลั่น 100 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน

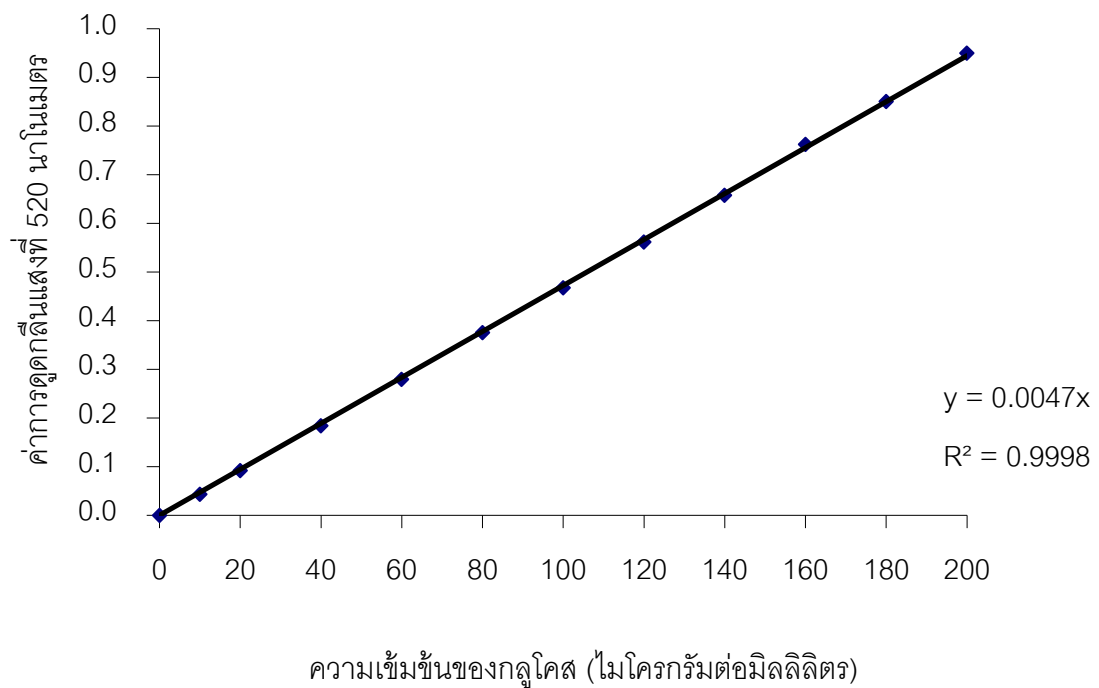
15. สารละลายโฟลินรีเอเจนท์

เตรียม Folin-ciocateus เจือจางกับน้ำกลั่นในอัตราส่วน 1 ต่อ 1 และต้องเตรียมใหม่ทุกครั้งที่ใช้

ภาคผนวก ค  
กราฟมาตรฐาน

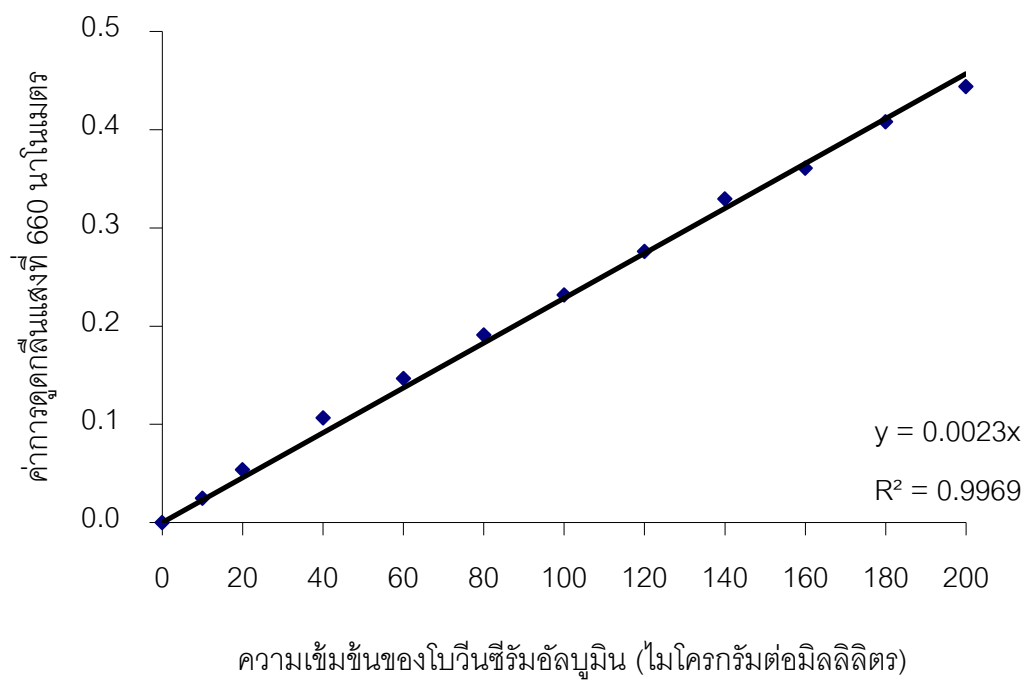
1. กราฟมาตรฐานสำหรับวิเคราะห์น้ำตาลรีดิวซ์ด้วยวิธีของ Somogyi-Nelson (Somogyi, 1952)

กราฟมาตรฐานกลูโคส ความเข้มข้น 0-200 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร



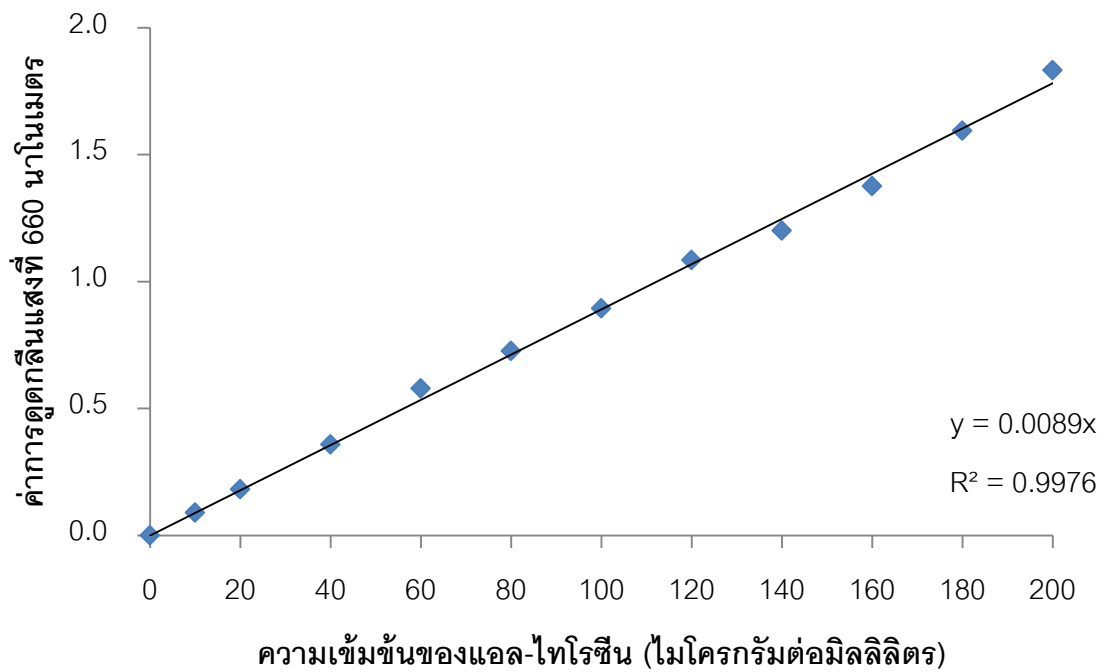
## 2. กราฟมาตรฐานสำหรับวิเคราะห์โปรตีนด้วยวิธีของ Lowry (Lowry, 1951)

กราฟมาตรฐานของโบวีนซีรัมอัลบูมิน ความเข้มข้น 0-200 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร



### 3. กราฟมาตรฐานสำหรับวิเคราะห์แอกทิวิตีของโปรตีน

กราฟมาตรฐานของแอล-ไทโรซีน ความเข้มข้น 0-200 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร



### ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์

นางสาวศันสนีย์ ศิริลักษณ์ เกิดเมื่อวันที่ 28 กุมภาพันธ์ พ.ศ. 2525 สำเร็จการศึกษาปริญญาตรีวิทยาศาสตร์บัณฑิต (เทคนิคการสัตวแพทย์) คณะเทคนิคการสัตวแพทย์ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ ในปีการศึกษา 2547 และเข้ารับการศึกษาคณะปริญญาโท สาขาจุลชีววิทยาทางอุตสาหกรรม ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ในปีการศึกษา 2552

### ผลงานทางวิชาการ

Sirilak. S., Assawasereelert. N., and Thaniyavarn. S. Dental biofilm degradation by combination of dextranase and papain. The First ASEAN Plus Three Graduate Research Congress (AGRC), 2012 March 1-2, The Empress Hotel, Chiang Mai, Thailand.