



รายงานการวิจัย
ประจำปีงบประมาณ 2561

โครงการอนุรักษ์พันธุกรรมพืชอันเนื่องมาจากพระราชดำริ
สมเด็จพระเทพรัตนราชสุดาฯ สยามบรมราชกุมารี
สนองพระราชดำริโดยจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

เรื่อง

การใช้ประโยชน์จากพันธุกรรมพืชในการพิสูจน์ความแท้ของสมุนไพร
Exploiting Plant Genetic for Authentication of herbs

คณะผู้วิจัย

รองศาสตราจารย์ ร.ต.อ.หญิง เกสัชกรหญิง ดร.สุชาดา สุขหรั่ง
ภาควิชาเภสัชเวชและเภสัชพฤกษศาสตร์ คณะเภสัชศาสตร์
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ปีที่แล้วเสร็จ

พุทธศักราช 2561

กิตติกรรมประกาศ

โครงการวิจัยนี้ได้รับทุนอุดหนุนการวิจัยจากจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ประจำปีงบประมาณ 2561 คณะผู้วิจัยขอขอบพระคุณโครงการอนุรักษ์พันธุกรรมพืชอันเนื่องมาจากพระราชดำริ สมเด็จพระเทพรัตนราชสุดาฯ สยามบรมราชกุมารี รวมทั้งหน่วยบัญชาการสงครามพิเศษทางเรือ กองเรือยุทธการ กองทัพเรือ และศูนย์เครือข่ายการเรียนรู้เพื่อภูมิภาค จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่ให้การสนับสนุนและอำนวยความสะดวกในการทำงานวิจัยในพื้นที่ ขอขอบคุณภาควิชาเกษตรและเกษตรสหกรณ์ ตลอดจนหน่วยปฏิบัติการวิจัย ดีเอ็นเอบาร์โค้ดของพืชสมุนไพร ศูนย์นวัตกรรมทางยาและผลิตภัณฑ์สุขภาพ คณะเภสัชศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย และผู้ร่วมงานทุกท่านที่ได้ให้ความร่วมมือในการปฏิบัติงานภาคสนามมาเป็นอย่างดี

บทคัดย่อ

สมุนไพรข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ เป็นสมุนไพรที่มีความสับสนในการระบุชนิด นิยมเรียกสมุนไพรทั้งสองว่า “ข้าวเย็นทั้งสอง” ข้าวเย็นเหนือเป็นเหง้าของพืชในสกุล *Smilax* วงศ์ Smilacaceae ส่วนข้าวเย็นใต้เป็นเหง้าของพืชในสกุล *Premna* วงศ์ Lamiaceae นอกจากนี้พืชในสกุล *Dioscorea* บางชนิด ในวงศ์ Dioscoreaceae ก็ยังเรียกว่าข้าวเย็นอีกด้วย ดังนั้นจึงใช้ประโยชน์จากพันธุกรรมพืชในการพิสูจน์ความแท้ของสมุนไพรข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ โดยการศึกษาแถบรหัสดีเอ็นเอในคลอโรพลาสต์ (chloroplast) บริเวณ *rbclA* ซึ่งเป็นที่นิยมใช้ในการศึกษาหาความสัมพันธ์ในระดับสกุล (genus) โดยสามารถระบุได้ว่าเป็นพืชในสกุลใด ระหว่าง *Smilax*, *Premna* หรือ *Dioscorea* นับเป็นการศึกษาเพื่อแยกสกุลของเครื่องยาที่เรียก “ข้าวเย็นเหนือ ข้าวเย็นใต้” เป็นครั้งแรก เมื่อเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ที่บริเวณ *rbclA* ของสมุนไพร 3 สกุล คือ *Smilax*, *Premna* และ *Dioscorea* พบตำแหน่งความแตกต่างของลำดับนิวคลีโอไทด์ที่สามารถจำแนกสมุนไพรสกุล *Smilax*, *Premna* และ *Dioscorea* ออกจากกันได้ โดยพบความแตกต่างของนิวคลีโอไทด์บริเวณ *rbclA* ที่ตำแหน่ง 165, 456 และ 564 ทั้งนี้สามารถนำมาประยุกต์ใช้เป็นบริเวณเป้าหมายสำหรับใช้จำแนกความแตกต่างของสมุนไพรข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ ทั้ง 3 สกุล

คำสำคัญ: ข้าวเย็นเหนือ, ข้าวเย็นใต้, *Smilax*, *Premna*, *Dioscorea*, แถบรหัสดีเอ็นเอ

Abstract

Herbs namely “Khao-Yen Nuer and Khao-Yen Tai” are confused in the identification. They are often called “the two Khao-Yen”. Khao-Yen Nuer and Khao-Yen Tai are rhizomes of plants in the genus *Smilax* (Smilacaceae) and *Premna* (Lamiaceae), respectively. Besides, plants in the *Dioscorea* (Dioscoreaceae) is called Khao-Yen. Plant genetic was exploit for authentication of “Khao-Yen Nuer and Khao-Yen Tai” herbs. DNA barcode of *rbcLa* DNA region in chloroplast was studied for the differentiation among *Smilax*, *Premna* and *Dioscorea* in the genus level. This is the first time to differentiate crude drugs “Khao-Yen Nuer and Khao-Yen Tai”. Nucleotide polymorphism of the *rbcLa* regions of the three genus, *Smilax*, *Premna* and *Dioscorea*, were found. Nucleotide position 165th, 456th and 564th of *rbcLa* region can be applied as nucleotide targets for genus’s identification of the sources of the crude drugs “Khao-Yen Nuer and Khao-Yen Tai”.

Keywords: Khao-Yen Nuer, Khao-Yen Tai, *Smilax*, *Premna*, *Dioscorea*, DNA barcode

สารบัญเรื่อง

	หน้า
กิตติกรรมประกาศ.....	ก
บทคัดย่อภาษาไทย.....	ข
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	ค
สารบัญเรื่อง.....	ง
สารบัญตาราง.....	จ
สารบัญภาพ.....	ฉ
บทนำและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง.....	1
วัตถุประสงค์.....	1
ขอบเขตการวิจัย.....	2
วิธีดำเนินการวิจัย.....	2
ผลการวิจัยและการอภิปราย.....	3
สรุปการวิจัย.....	10
ข้อเสนอแนะ.....	10
เอกสารอ้างอิง.....	10
ภาคผนวก.....	12
ประวัติผู้วิจัย.....	16

สารบัญตาราง

	หน้า
ตารางที่ 1 แสดงข้อมูลของตัวอย่างสมุนไพรเก็บจากสถานที่ต่าง ๆ	3
ตารางที่ 2 แสดงข้อมูลของตัวอย่างเครื่องยาเก็บจากสถานที่ต่าง ๆ.....	4
ตารางที่ 3 แสดงลำดับนิวคลีโอไทด์ไพรเมอร์ที่ใช้ในการเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอบริเวณ <i>rbcl</i> a.....	4
ตารางที่ 4 ความหลากหลายของลำดับนิวคลีโอไทด์ (DNA polymorphism) ระหว่างพืชสมุนไพรสกุล <i>Smilax</i> , <i>Premna</i> . และ <i>Dioscorea</i> โดยใช้ดีเอ็นเอบาร์โค้ดบริเวณ <i>rbcl</i> a โดยใช้ลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ <i>rbcl</i> ของ <i>S. china</i> (accession no. HM536959.1) เป็นลำดับนิวคลีโอไทด์อ้างอิง กล่องสีต่าง ๆ แสดงเบสแต่ละชนิด โดยกล่องสีแดงคือตำแหน่งที่แสดงความแตกต่างของทั้งสามสกุล.....	7

สารบัญภาพ

		หน้า
รูปที่ 1	ผลิตภัณฑ์พีซีอาร์บริเวณ <i>rbcl</i> a ของตัวอย่างสมุนไพรทั้ง 3 สกุล, อะกาโรส 2%, 100 โวลต์ 35 นาที.....	5
รูปที่ 2	แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ <i>rbcl</i> a ซึ่งเป็นบริเวณส่วนต้นของยีน <i>rbcl</i> ของพืชสมุนไพรสกุล <i>Smilax</i> , <i>Premna</i> และ <i>Dioscorea</i> โดยใช้ลำดับนิวคลีโอไทด์ของ <i>Smilax china</i> เป็นลำดับนิวคลีโอไทด์อ้างอิง (accession number HM536959) ตำแหน่งที่ 1 คือ ตำแหน่ง 5' ของยีน <i>rbcl</i>	6
รูปที่ 3	การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ <i>rbcl</i> a ของพืชสกุล <i>Smilax</i> , <i>Premna</i> และ <i>Dioscorea</i> จากงานวิจัยและจาก GenBanK โดยพบความแตกต่างของนิวคลีโอไทด์ที่ ตำแหน่ง 165, 456 และ 564 เช่นเดียวกัน.....	9

บทนำและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง

การพิสูจน์ความแท้ของสมุนไพรนั้นสามารถทำได้หลายวิธี ได้แก่ การตรวจสอบลักษณะทางมหัพรรณ การตรวจสอบลักษณะทางจุลพรรณ การตรวจสอบองค์ประกอบทางเคมีของสมุนไพร และการตรวจเอกลักษณ์ โดยใช้ดีเอ็นเอ ซึ่งการพิสูจน์เอกลักษณ์โดยวิธีทางมหัพรรณและจุลพรรณนั้นไม่สามารถแยกวัตถุสมุนไพรบางชนิดออกจากกันได้ เนื่องจากวัตถุสมุนไพรมีความเหมือนหรือคล้ายคลึงกันมากเมื่อถูกลดขนาด วิธีการตรวจสอบองค์ประกอบทางเคมีนั้นมีความไม่แน่นอนเนื่องจากสภาพแวดล้อมในการปลูกพืชสมุนไพรมีผลต่อองค์ประกอบทางเคมีและสารสำคัญของสมุนไพร ข้อมูลทางพันธุกรรมได้แก่ดีเอ็นเอจึงเป็นอีกทางเลือกหนึ่งในการพิสูจน์เอกลักษณ์ที่แตกต่างกันในพืชแต่ละสายพันธุ์ ซึ่งจะไม่ผันแปรตามสภาพแวดล้อม เพื่อที่จะยืนยันว่าวัตถุสมุนไพรเหล่านั้นเป็นวัตถุสมุนไพรที่ถูกต้องหรือไม่ หรือว่าเป็นสมุนไพรชนิดอื่นที่มีการใช้สับสน อย่างไรก็ตาม การตรวจโดยวิธีดั้งเดิมนั้นต้องมีการใช้เครื่องมือโดยผู้เชี่ยวชาญและมักต้องทำในห้องปฏิบัติการ ถ้ามีวิธีใดที่จะตรวจพิสูจน์สมุนไพรทั้งในแง่คุณภาพว่าถูกชนิดสมุนไพรหรือไม่ หรือตรวจในแง่ของปริมาณสารสำคัญ อย่างรวดเร็ว สะดวก และถูกต้องแม่นยำ น่าจะเป็นประโยชน์ต่อวงการสมุนไพร ทั้งนี้เพื่อส่งเสริมการใช้สมุนไพรที่มีคุณภาพสูง ทำให้เกิดความปลอดภัยต่อผู้บริโภค และสามารถแข่งขันได้ในระดับสากล

สมุนไพรข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ เป็นสมุนไพรที่มีความสับสนในการระบุชนิด นิยมเรียกสมุนไพรทั้งสองว่า “ข้าวเย็นทั้งสอง” ข้าวเย็นใต้เป็นเหง้าของพืชที่มีชื่อว่า *Premna herbacea* Roxb. วงศ์ Lamiaceae ตำราสรรพคุณยาไทยว่าเหง้าข้าวเย็นใต้ ต้มน้ำดื่ม แก้ไข้ หรือเข้ายาแก้ลมพฤษซ์อัมพาต ส่วนข้าวเย็นเหนือเป็นเหง้าของพืชที่มีชื่อว่า *Smilax corbularia* Kunth วงศ์ Smilacaceae เป็นยาสุขุม ออกฤทธิ์ต่อตับ กระเพาะ ใช้เป็นยาขับพิษร้อน ถอนพิษไข้ นอกจากนี้พืชในสกุล *Dioscorea* บางชนิด ในวงศ์ Dioscoreaceae ก็ยังเรียกว่าหัวยาข้าวเย็นอีกด้วย

ดังนั้นในการศึกษานี้จึงสนใจที่จะใช้ประโยชน์จากพันธุกรรมพืชในการพิสูจน์ความแท้ของสมุนไพรข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ โดยศึกษาการเรียงตัวของนิวคลีโอไทด์ของดีเอ็นเอในคลอโรพลาสต์ (chloroplast) ซึ่งเป็นที่นิยมใช้ในการศึกษาหาความสัมพันธ์ในระดับสกุล (genus)

วัตถุประสงค์

1. เพื่อสนองพระราชดำริ โครงการอนุรักษ์พันธุกรรมพืชอันเนื่องมาจากพระราชดำริฯ (อพ.สธ.) ในเรื่องการอนุรักษ์พันธุกรรมพืช
2. ใช้ประโยชน์จากพันธุกรรมพืชในการพิสูจน์ความแท้ของสมุนไพรข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ ในระดับสกุล (genus)

ขอบเขตการวิจัย

งานวิจัยนี้จะศึกษาลายพิมพ์ดีเอ็นเอของสมุนไพรรูปที่เรียกข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ในระดับสกุล ที่มีความสับสนในการใช้และที่พบในประเทศไทยเท่านั้น โดยเก็บตัวอย่างพืชจากพื้นที่ของโครงการอนุรักษ์พันธุกรรมพืช อันเนื่องมาจากพระราชดำริฯ ประกอบกับที่เก็บจากแหล่งอื่น แล้ววิเคราะห์ข้อมูล

วิธีดำเนินการวิจัย







1. เก็บตัวอย่างพืชและตรวจสอบชื่อวิทยาศาสตร์
2. เตรียมตัวอย่างพรรณไม้แห้ง (herbarium specimen) เก็บไว้ที่พิพิธภัณฑ์สมุนไพรรูป คณะเภสัชศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย
3. สกัดดีเอ็นเอจากพืช โดยนำตัวอย่างใบพืชสดหรือส่วนเนื้อเยื่อเจริญของเครื่องยาหยาบข้าวเย็นปริมาณไม่เกิน 100 มิลลิกรัม มาบดให้ละเอียดด้วยเครื่อง TissueLyser LT (QIAGEN, Germany) จากนั้น ทำการสกัดจีโนมิกดีเอ็นเอโดยใช้ชุดสกัดดีเอ็นเอสำเร็จรูป DNeasy[®] Plant Mini Kit (QIAGEN, Germany) และทำจีโนมิกดีเอ็นเอให้บริสุทธิ์มากขึ้นด้วยชุดน้ำยา GENCLEAN[®] II Kit (MP Biomedicals, USA)
4. สร้างลายพิมพ์ดีเอ็นเอโดยเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอเป้าหมายด้วยวิธีพีซีอาร์ โดยใช้ไพรเมอร์ที่จำเพาะเจาะจงต่อดีเอ็นเอที่บริเวณ *rbcL* ซึ่งเป็นดีเอ็นเอในคลอโรพลาสต์
5. เตรียมปฏิกิริยาพีซีอาร์ปริมาตร 25 ไมโครลิตร ซึ่งประกอบด้วย 1X พีซีอาร์บัฟเฟอร์, 1.5 มิลลิโมลาร์ แมกนีเซียมคลอไรด์, 2 มิลลิโมลาร์ dNTPs, 2.5 มิลลิโมลาร์ ดีเอ็นเอไพรเมอร์, 0.5 U platinum *Taq* DNA polymerase (Invitrogen, USA) และจีโนมิกดีเอ็นเอ 50-100 นาโนกรัม
6. ทำปฏิกิริยาพีซีอาร์บนเครื่องพีซีอาร์ Bio-Rad T1000 (Bio-Rad, USA) โดยบ่มที่ 94 องศาเซลเซียส 4 นาที จากนั้นทำซ้ำเป็นจำนวน 30 รอบ ที่อุณหภูมิ 94 องศาเซลเซียส 30 วินาที, 57 องศาเซลเซียส 30 วินาที, 72 องศาเซลเซียส 1 นาที และบ่ม 72 องศาเซลเซียส 10 นาที เก็บผลผลิตพีซีอาร์ที่ 4 องศาเซลเซียส จนกว่าจะใช้ในขั้นตอนต่อไป
7. ตรวจสอบขนาดของผลผลิตพีซีอาร์โดยการแยกขนาดด้วยกระแสไฟฟ้า 100 โวลต์ นาน 30 นาที บน 1-2% อะกาโรสเจล ในสารละลาย 0.5 X TBE บัฟเฟอร์ ย้อมสีเอธิเดียมโบรไมด์ และตรวจสอบการแยกด้วยเครื่อง Gel Doc XR (Bio-Rad, USA)
8. ส่งผลผลิตพีซีอาร์ไปอ่านลำดับนิวคลีโอไทด์
9. วิเคราะห์ผลโดยใช้โปรแกรม BioEdit และเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์กับฐานข้อมูลนานาชาติ (National Center for Biotechnology Information, NCBI) ด้วยโปรแกรม Blast ในฐานข้อมูล NCBI และทำการเปรียบเทียบความเหมือนของลำดับนิวคลีโอไทด์ด้วยโปรแกรม Multalign interface page
10. วิเคราะห์ลายพิมพ์ดีเอ็นเอเพื่อจำแนกความแตกต่างของสมุนไพรรูปแต่ละสกุล

ผลการวิจัยและการอภิปราย

1. การเก็บตัวอย่างสมุนไพรและตัวอย่างเครื่องยาสมุนไพร

พบว่าตัวอย่างสมุนไพรที่เก็บได้ประกอบด้วยพืช *Smilax* sp. จำนวน 2 ตัวอย่าง พืช *Premna* sp. จำนวน 2 ตัวอย่าง และพืช *Dioscorea* sp. จำนวน 2 ตัวอย่าง ดังแสดงใน ตารางที่ 1 และเครื่องยาสมุนไพรที่เรียกหว่ายาข้าวเย็นใต้ จำนวน 2 ตัวอย่าง และสมุนไพรที่เรียกหว่ายาข้าวเย็นเหนือจำนวน 1 ตัวอย่าง ดังแสดงใน ตารางที่ 2

ตารางที่ 1 แสดงข้อมูลของตัวอย่างสมุนไพรเก็บจากสถานที่ต่าง ๆ

รหัสตัวอย่าง	ชื่อที่เรียก	ชื่อสมุนไพร	ชนิดของตัวอย่าง	สถานที่เก็บ	รูปตัวอย่าง
SM-01	ข้าวเย็นเหนือ	<i>Smilax</i> sp.	ใบ	นนทบุรี	
SM-02	ข้าวเย็นเหนือ	<i>Smilax</i> sp.	ใบ	เลย	
PN-01	ข้าวเย็นใต้	<i>Premna</i> sp.	ใบ	นนทบุรี	
PN-02	ข้าวเย็นใต้	<i>Premna</i> sp.	ใบ	นนทบุรี	
DR-01	ข้าวเย็นใต้	<i>Dioscorea</i> sp.	ใบ	กรุงเทพมหานคร	
DR-02	ข้าวเย็นเหนือ	<i>Dioscorea</i> sp.	ใบ	กรุงเทพมหานคร	

ตารางที่ 2 แสดงข้อมูลของตัวอย่างเครื่องยาเก็บจากสถานที่ต่าง ๆ

ชื่อที่เรียก	ชนิดของตัวอย่าง	สี	สถานที่เก็บ	รูปตัวอย่าง
ห่วยข้าวเย็นใต้	เหง้าแห้ง	เนื้อสีขาว	นนทบุรี (งานมหกรรมสมุนไพร)	
ห่วยข้าวเย็นเหนือ	เหง้าแห้ง	เนื้อสีน้ำตาลแดง	นนทบุรี (งานมหกรรมสมุนไพร)	
ห่วยข้าวเย็นใต้	เหง้าแห้ง	เนื้อสีขาว	กรุงเทพมหานคร	

2. การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอจากตัวอย่างสดและเครื่องยาสมุนไพร

เมื่อตรวจสอบจีโนมิกดีเอ็นเอด้วยกระแสไฟฟ้าบนอะกาโรสเจล 0.8 % และย้อมสีด้วยเอธิเดียมโบรไมด์ พบว่าดีเอ็นเอที่สกัดจากใบของสมุนไพรสดมีคุณภาพดี แต่จีโนมิกดีเอ็นเอที่สกัดได้จากเครื่องยาสมุนไพรมีความเข้มข้นน้อยมากจนไม่สามารถตรวจสอบได้ บางตัวอย่างไม่สามารถสกัดดีเอ็นเอได้ น่าจะเพราะเกิดการเสื่อมสลายของดีเอ็นเอ

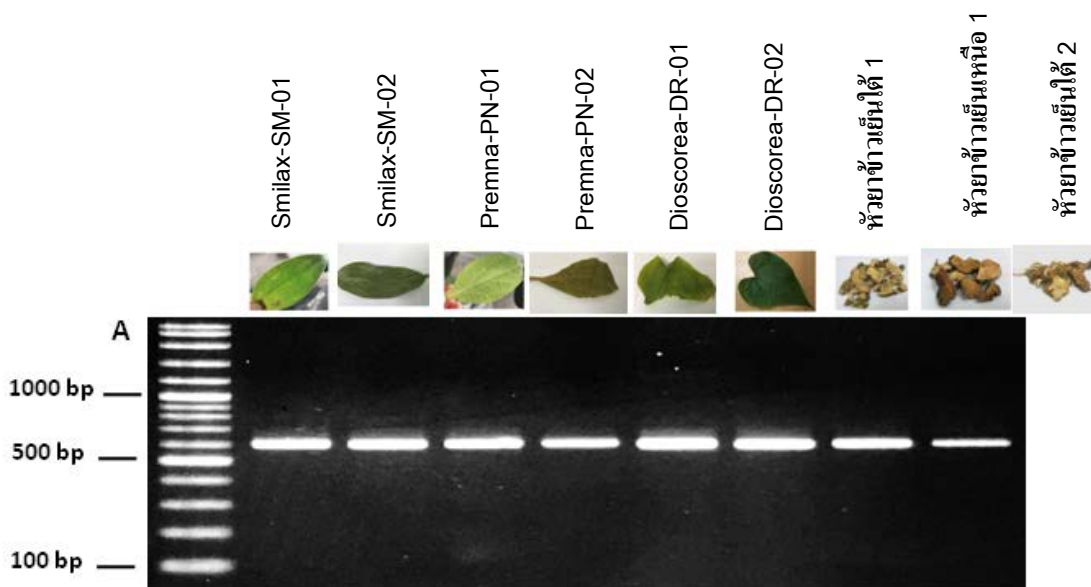
3. การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอบริเวณ *rbcLa* ที่ใช้เป็นดีเอ็นเอบาร์โค้ด

เพิ่มปริมาณดีเอ็นเอบาร์โค้ดบริเวณ *rbcLa* จากตัวอย่างพืชสมุนไพรทั้ง 3 สกุล อันได้แก่ สกุล *Smilax* สกุล *Premna* และสกุล *Dioscorea* ด้วยไพรเมอร์ที่แสดงในตารางที่ 3

ตารางที่ 3 แสดงลำดับนิวคลีโอไทด์ไพรเมอร์ที่ใช้ในการเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอบริเวณ *rbcLa*

ไพรเมอร์	ลำดับนิวคลีโอไทด์ 5'-3'	ขนาดของผลิตภัณฑ์พีซีอาร์ของพืชสกุลต่าง ๆ			แหล่งอ้างอิง
		<i>Smilax</i>	<i>Premna</i>	<i>Dioscorea</i>	
rbcLa-F	ATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGC	600	600	600	Levin et al. 2003
rbcLa-R	GTAAAATCAAGTCCACCRGC				Kress & Erickson. 2009

ผลการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอบาร์โค้ดบริเวณ *rbcLa* จากตัวอย่างพืชสมุนไพรทั้ง 3 สกุล อันได้แก่ สกุล *Smilax* สกุล *Premna* และสกุล *Dioscorea* ด้วยไพรเมอร์ที่แสดงในตารางที่ 3 สามารถเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอบริเวณ *rbcLa* ของยีน *rbcL* ได้จากใบของสมุนไพรทั้ง 3 สกุล และสามารถเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอบริเวณนี้ได้ในตัวอย่างเป็นเครื่องยาหัวข้าวเย็นใต้ และหัวข้าวเย็นเหนือ ผลผลิตพีซีอาร์ที่ได้มีขนาดประมาณ 600 คู่เบส ดังรูปที่ 1 ซึ่งตรงกับขนาดของผลิตภัณฑ์พีซีอาร์ที่คาดการณ์ไว้



รูปที่ 1 ผลิตภัณฑ์พีซีอาร์บริเวณ *rbcLa* ของตัวอย่างสมุนไพรทั้ง 3 สกุล, อะกาโรส 2%, 100 โวลต์ 35 นาที

4. ผลการวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์

เมื่อเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ที่บริเวณ *rbcLa* ของสมุนไพร 3 สกุล คือ *Smilax*, *Premna* และ *Dioscorea* sp. กับลำดับนิวคลีโอไทด์ที่บริเวณ *rbcLa* ของสมุนไพร *S. china* พบลำดับนิวคลีโอไทด์ของสมุนไพร มีความคล้ายคลึงกัน ดังรูปที่ 2 เนื่องจากลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณนี้เป็นบริเวณอนุรักษ์ ทำให้ลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณนี้มีความแตกต่างกันน้อยระหว่างสมุนไพรแต่ละสกุล

ถึงแม้ว่าบริเวณ *rbcL* จะเป็นบริเวณที่อนุรักษ์ แต่ก็พบความแตกต่างของลำดับนิวคลีโอไทด์ที่สามารถจำแนกสมุนไพรสกุล *Smilax*, *Premna* และ *Dioscorea* ออกจากกันได้ โดยพบความแตกต่างของนิวคลีโอไทด์ระหว่างสมุนไพรทั้ง 3 สกุลที่ตำแหน่ง 165, 456 และ 564 (ตารางที่ 4) ทั้งนี้พบว่า ตำแหน่ง 165 เป็นบริเวณที่น่าสนใจนำมาประยุกต์ใช้เป็นบริเวณเป้าหมายสำหรับใช้จำแนกความแตกต่างของสมุนไพรทั้ง 3 สกุล

	1	10	20	30	40	50	60	70	80	90	100	
HM536959.1-S.china	ATGTCACCCACAAACAGAGACTAAGCAAGTGC TGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
Smilax-SM-01-rbcLa	AAGTGC TGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
Smilax-SM-02-rbcLa	AAGTGC TGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
Dioscorea-DR-01-rbcL	AGTGC TGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
Dioscorea-DR-02-rbcLa	AGTGC TGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
Prenna-PN-01-rbcLa	TTGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
Prenna-PN-02-rbcLa	AAGTGT TGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
Consensus agt-gt.TGGATTCARAGCTGGTGTAAAGATTACAARATTGACTTATTATACCTCGAATATGAARACCAAGATA											
	101	110	120	130	140	150	160	170	180	190	200	
HM536959.1-S.china	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
Smilax-SM-01-rbcLa	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
Smilax-SM-02-rbcLa	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
Dioscorea-DR-01-rbcL	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
Dioscorea-DR-02-rbcLa	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
Prenna-PN-01-rbcLa	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
Prenna-PN-02-rbcLa	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
Consensus	CTGATATCTTGGCAGCATTTCGAGTAACTCCTCAACCCGAGTTCCGCCCTGAGAGGCGAGGGGCTGCGGTAGCCGCAAACTCTCTACTGGTACATGGAC											
	201	210	220	230	240	250	260	270	280	290	300	
HM536959.1-S.china	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
Smilax-SM-01-rbcLa	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
Smilax-SM-02-rbcLa	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
Dioscorea-DR-01-rbcL	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
Dioscorea-DR-02-rbcLa	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
Prenna-PN-01-rbcLa	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
Prenna-PN-02-rbcLa	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
Consensus	AACTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGATCGTTACAARAGGACGATGCTACACATAGAGAGCGTTATGGGGAAGAAATCAATATATGCTTAT											
	301	310	320	330	340	350	360	370	380	390	400	
HM536959.1-S.china	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
Smilax-SM-01-rbcLa	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
Smilax-SM-02-rbcLa	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
Dioscorea-DR-01-rbcL	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
Dioscorea-DR-02-rbcLa	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
Prenna-PN-01-rbcLa	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
Prenna-PN-02-rbcLa	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
Consensus	GTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTGAAGAGGGCTCGGTTACTAACATGTTTACTTCCATGTGGGTARTGATTTGGTTCCAAAGCCCTACGAGCTCTAC											
	401	410	420	430	440	450	460	470	480	490	500	
HM536959.1-S.china	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
Smilax-SM-01-rbcLa	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
Smilax-SM-02-rbcLa	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
Dioscorea-DR-01-rbcL	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
Dioscorea-DR-02-rbcLa	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
Prenna-PN-01-rbcLa	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
Prenna-PN-02-rbcLa	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
Consensus	GTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCARAACTTCCARAGGCCACCCATGGCATCCAGTTGAGAGAGATAAATGAAACAGTATGGTCG											
	501	510	520	530	540	550	560	570	580	590	600	
HM536959.1-S.china	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											
Smilax-SM-01-rbcLa	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											
Smilax-SM-02-rbcLa	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											
Dioscorea-DR-01-rbcL	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											
Dioscorea-DR-02-rbcLa	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											
Prenna-PN-01-rbcLa	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											
Prenna-PN-02-rbcLa	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											
Consensus	TCCCTATTGGGATGTACCATTAARCCAAATTTGGGATTATCCGCAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGARTGTCTGCGCGGTGGACTTGATTTTACC											

รูปที่ 2. แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ *rbcLa* ซึ่งเป็นบริเวณส่วนต้นของยีน *rbcL* ของพืชสมุนไพรสกุล *Smilax*, *Prenna* และ *Dioscorea* โดยใช้ลำดับนิวคลีโอไทด์ของ *Smilax china* เป็นลำดับนิวคลีโอไทด์อ้างอิง (accession number HM536959) ตำแหน่งที่ 1 คือ ตำแหน่ง 5' ของยีน *rbcL*

ตารางที่ 4 ความหลากหลายของลำดับนิวคลีโอไทด์ (DNA polymorphism) ระหว่างพืชสมุนไพรสกุล *Smilax*, *Premna*. และ *Dioscorea* โดยใช้ดีเอ็นเอบาร์โค้ดบริเวณ *rbcLa* โดยใช้ลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ *rbcL* ของ *S. china* (accession no. HM536959.1) เป็นลำดับนิวคลีโอไทด์อ้างอิง กล่องสีต่าง ๆ แสดงเบสแต่ละชนิด โดยกล่องสีแดงคือตำแหน่งที่แสดงความแตกต่างของทั้งสามสกุล

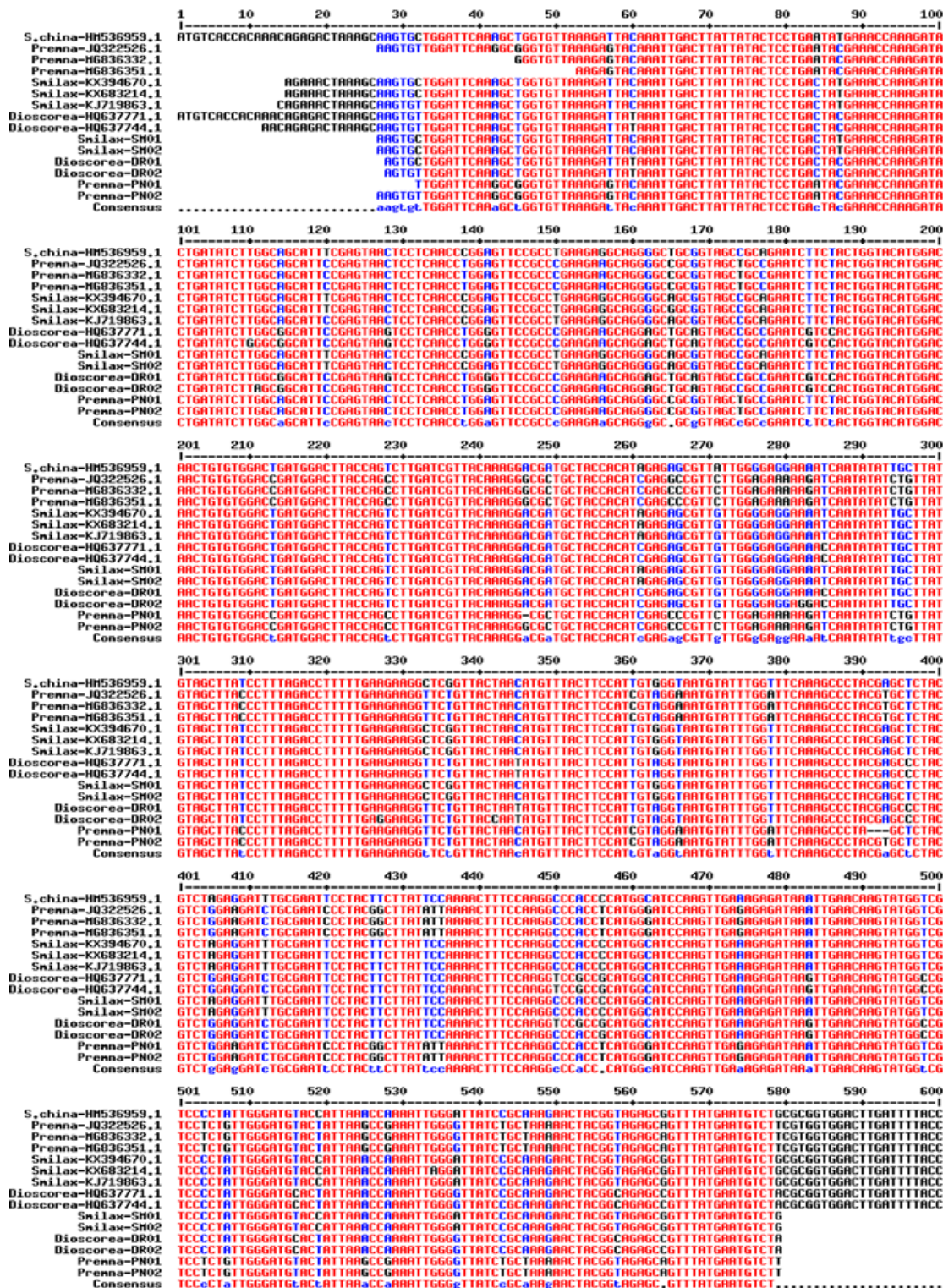
	ลำดับนิวคลีโอไทด์																
	32	42	45	57	60	84	87	111	114	120	128	138	141	150	156	162	165
<i>S. china</i> HM536959.1	C	A	T	T	C	A	T	G	A	T	C	C	A	T	G	G	T
SM-01: <i>Smilax</i> sp.	C	A	T	T	C	C	T	G	A	T	C	C	A	T	G	G	A
SM-02: <i>Smilax</i> sp.	C	A	T	T	C	C	T	G	A	T	C	C	A	T	G	G	A
PN-01: <i>Premna</i> sp.	T	G	G	G	C	A	C	G	A	C	C	T	A	C	A	G	C
PN-02: <i>Premna</i> sp.	T	G	G	G	C	A	C	G	A	C	C	T	A	C	A	G	C
DR-01: <i>Dioscorea</i> sp.	C	A	T	T	T	C	C	G	G	C	G	T	G	C	A	A	T
DR-02: <i>Dioscorea</i> sp.	T	A	T	T	T	C	C	A	G	C	C	T	G	C	A	A	T

	ลำดับนิวคลีโอไทด์																
	168	174	177	183	213	228	246	249	261	265	266	271	276	279	280	282	283
<i>S. china</i> HM536959.1	G	C	A	T	T	T	A	A	A	A	G	A	G	G	G	A	A
SM-01: <i>Smilax</i> sp.	G	C	A	T	T	T	A	A	A	A	G	G	G	G	G	A	A
SM-02: <i>Smilax</i> sp.	G	C	A	T	T	T	A	A	A	A	G	G	G	G	G	A	A
PN-01: <i>Premna</i> sp.	G	T	C	T	C	C	G	C	C	C	C	C	A	A	A	A	G
PN-02: <i>Premna</i> sp.	G	T	C	T	C	C	G	C	C	C	C	C	A	A	A	A	G
DR-01: <i>Dioscorea</i> sp.	A	C	C	G	T	T	A	A	C	A	G	G	G	G	G	A	A
DR-02: <i>Dioscorea</i> sp.	A	C	C	G	T	T	A	A	C	A	G	G	G	G	G	G	G

	ลำดับนิวคลีโอไทด์																
	285	294	295	296	309	327	333	336	342	345	360	363	366	378	393	396	405
<i>S. china</i> HM536959.1	T	T	G	C	T	A	C	G	T	C	T	G	T	T	A	T	A
SM-01: <i>Smilax</i> sp.	T	T	G	C	T	A	C	G	T	C	T	G	T	T	A	T	A
SM-02: <i>Smilax</i> sp.	T	T	G	C	T	A	C	G	T	C	T	G	T	T	A	T	A
PN-01: <i>Premna</i> sp.	T	C	T	G	C	A	T	T	T	C	C	A	A	A	T	T	G
PN-02: <i>Premna</i> sp.	T	C	T	G	C	A	T	T	T	C	C	A	A	A	T	T	G
DR-01: <i>Dioscorea</i> sp.	C	T	G	C	T	A	T	T	T	T	T	A	T	T	A	C	G
DR-02: <i>Dioscorea</i> sp.	C	T	G	C	T	G	T	T	C	T	T	A	T	T	A	C	G

	ลำดับนิวคลีโอไทด์																
	408	412	420	426	427	433	434	435	450	453	456	462	474	483	498	504	507
<i>S. china</i> HM536959.1	G	T	T	T	T	T	C	C	C	A	C	C	A	A	T	C	A
SM-01: <i>Smilax</i> sp.	G	T	T	T	T	T	C	C	C	A	C	C	A	A	T	C	A
SM-02: <i>Smilax</i> sp.	G	T	T	T	T	T	C	C	C	A	C	C	A	A	T	C	A
PN-01: <i>Premna</i> sp.	A	C	C	G	G	A	T	T	C	A	T	G	G	A	T	T	G
PN-02: <i>Premna</i> sp.	A	C	C	G	G	A	T	T	C	A	T	G	G	A	T	T	G
DR-01: <i>Dioscorea</i> sp.	G	C	T	T	T	T	C	C	T	G	G	C	A	G	C	C	A
DR-02: <i>Dioscorea</i> sp.	G	C	T	T	T	T	C	C	C	A	G	C	A	G	C	C	A

	ลำดับนิวคลีโอไทด์										
	516	519	525	528	537	543	546	549	558	564	579
<i>S. china</i> HM536959.1	T	C	A	A	A	C	A	G	T	G	A
SM-01: <i>Smilax</i> sp.	T	C	A	A	A	C	A	G	T	G	A
SM-02: <i>Smilax</i> sp.	T	C	A	A	A	C	A	G	T	G	A
PN-01: <i>Premna</i> sp.	T	T	G	G	G	T	T	A	T	A	T
PN-02: <i>Premna</i> sp.	T	T	G	G	G	T	T	A	T	A	T
DR-01: <i>Dioscorea</i> sp.	C	T	A	A	G	C	A	G	C	C	A
DR-02: <i>Dioscorea</i> sp.	C	T	A	A	G	C	A	G	C	C	A



รูปที่ 3. การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ *rbcLa* ของพืชสกุล *Smilax*, *Premna* และ *Dioscorea* จากงานวิจัยและจาก GenBank โดยพบความแตกต่างของนิวคลีโอไทด์ที่ตำแหน่ง 165, 456 และ 564 เช่นเดียวกัน

สรุปผลการวิจัย

สามารถใช้ประโยชน์จากพันธุกรรมพืชในการพิสูจน์ความแท้ของสมุนไพรในกลุ่มข้าวเย็นเหนือและข้าวเย็นใต้ได้ อย่างน้อยสามารถระบุได้ว่าเป็นพืชในสกุลใด ระหว่าง *Smilax*, *Premna* หรือ *Dioscorea* โดยการศึกษาแถบรหัสดีเอ็นเอในคลอโรพลาสต์ (chloroplast) บริเวณ *rbcl* ซึ่งเป็นการศึกษาเพื่อแยกสกุลของเครื่องยาที่เรียก “ข้าวเย็นเหนือ ข้าวเย็นใต้” เป็นครั้งแรก

ข้อเสนอแนะ

การศึกษารวิจัยในขั้นต่อไปคือการขยายผลศึกษาดีเอ็นเอในบริเวณที่กว้างขึ้น และศึกษาตัวอย่างในจำนวนที่มากขึ้น อีกทั้งหาวิธีสกัดดีเอ็นเอจากตัวอย่างเครื่องยาที่คาดว่าดีเอ็นเออาจเสื่อมสภาพเพื่อนำไปประยุกต์ใช้ในการตรวจระบุชนิดของสมุนไพรที่เก็บจากตลาดเครื่องยาสมุนไพร เพื่อประสิทธิผลของสมุนไพรและความปลอดภัยของผู้บริโภค และอาจมีการพัฒนาเป็นเครื่องหมายดีเอ็นเอที่ตรวจได้ง่ายขึ้น

เอกสารอ้างอิง

1. เต็ม สมิตินันท์. 2544. ส่วนพฤกษศาสตร์ป่าไม้ สำนักวิชาการป่าไม้ กรมป่าไม้. ชื่อพรรณไม้แห่งประเทศไทย ฉบับแก้ไขเพิ่มเติม พ.ศ. 2544. กรุงเทพฯ : บริษัทประชาชน จำกัด. 2544.
2. The Plant List, A working list of all plant species Version 1.1. 2013. Published on the Internet. available from <http://www.theplantlist.org/tpl1.1/record/kew-164968> (accessed 28 May,2018)
3. Leeratiwong C. Systematics and conservation of the genera *Premna* L. and *Callicarpa* L. (Lamiaceae) in Thailand and Indo-China. Thesis for Doctor of Philosophy in Biology, Graduate School, Khon Kaen University. 2008. p. 90-3.
4. Chen SL, Gilbert MG. Verbenaceae. In: ZY Wu, PH Raven, editors. Flora of China. Vol. 17. Beijing: Science Press.1994. p. 16, 27.
5. Sandhya G, Rajagopalan K, Chandrakumar N. Structure of sirutekkone, a diterpenoid from *Premna herbacea*. *Phytochemistry* 1988;27:2249-50.
6. Murthy MM, Subramanyam M, Giridhar KV, Jetty A. Antimicrobial activities of bharangin from *Premna herbacea* Roxb. and bharangin monoacetate. *J Ethnopharmacol* 2006;104:290–2.
7. Verma VK, Siddiqui NU, Aslam M. Isolation of scutellarein from *Pygmaeopremna herbacea* Roxb. *J Appl Pharm Sci*. 2012;2:241–2.

8. Thirumalai D, Paridhavi M, Gowtham M. Evaluation of physiochemical, pharmacognostical and phytochemical parameters of *Premna herbacea*. Asian J Pharm Clin Res 2013;6:173-81.
9. ฐานข้อมูลสมุนไพร คณะเภสัชศาสตร์ มหาวิทยาลัยอุบลราชธานี [cited 2018 July 23] Available from: www.phargarden.com
10. Dhamija I, Kumar N, Manjula SN, Parihar V, Setty MM and Pai KS. Preliminary evaluation of in vitro cytotoxicity and in vivo antitumor activity of *Premna herbacea* Roxb. in Ehrlich ascites carcinoma model and Dalton's lymphoma ascites model. Exp Toxicol Pathol 2013;65:235-42.
11. Narayanan N, Thirugnanasambantham P, Viswanathan S, Kannappa Reddy M, Vijayasekaran V, Sukumar E. Antipyretic, antinociceptive and anti-inflammatory activity of *Premna herbaceae* roots. Fitoterapia 2000;71:147-53.

ภาคผนวก

ตารางที่ 1. ลำดับนิวคลีโอไทด์ของพืชสกุล *Smilax*, *Premna* และ *Dioscorea* ที่บริเวณดีเอ็นเอบาร์โค้ดหลัก *rbcLa*

	Nucleotide Sequence (5' - 3')
1. <i>Smilax</i> sp.	
1.1 SM-01	<p>>Smilax-SM-01-rbcLa AAGTGCTGGATTCAAAGCTGGTGTTAAAGATTACAAATTGACTTATTATACT CCTGACTATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTTTCGAGTAACTC CTCAACCCGGAGTTCCGCCTGAAGAGGCAGGGGCAGCGGTAGCCGCAGAAT CTTCTACTGGTACATGGACAACGTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGA TCGTTACAAAGGACGATGCTACCACATAGAGAGCGTTGTTGGGGAGGAAAA TCAATATATTGCTTATGTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTTGAAGAAGGCTCG GTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGTTTCAAAGCCC TACGAGCTCTACGTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCCAAAAC TTTCCAAGGCCACCCCATGGCATCCAAGTTGAAAGAGATAAATTGAACAAG TATGGTCGTCCCCTATTGGGATGTACCATTAACCAAATTGGGATTATCCG CAAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGAATGTCTG</p>
1.2 SM-02	<p>>Smilax-SM-02-rbcLa AAGTGCTGGATTCAAAGCTGGTGTTAAAGATTACAAATTGACTTATTATACT CCTGACTATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTTTCGAGTAACTC CTCAACCCGGAGTTCCGCCTGAAGAGGCAGGGGCAGCGGTAGCCGCAGAAT CTTCTACTGGTACATGGACAACGTGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGA TCGTTACAAAGGACGATGCTACCACATAGAGAGCGTTGTTGGGGAGGAAAA TCAATATATTGCTTATGTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTTGAAGAAGGCTCG GTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGTTTCAAAGCCC TACGAGCTCTACGTCTAGAGGATTTGCGAATTCCTACTTCTTATTCCAAAAC TTTCCAAGGCCACCCCATGGCATCCAAGTTGAAAGAGATAAATTGAACAAG TATGGTCGTCCCCTATTGGGATGTACCATTAACCAAATTGGGATTATCCG CAAAGAACTACGGTAGAGCGGTTTATGAATGTCTG</p>

2. <i>Premna</i> sp.	Nucleotide Sequence (5' - 3')
2.1 PN-01	<p>>Premna-PN-01-rbcla</p> <p>TTGGATTCAAGGCGGGTGTTAAAGAGTACAAATTGACTTATTATACTCCTGA ATACGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAA CCTGGAGTTCCGCCC GAAGAAGCAGGGGCCGCGGTAGCTGCCGAATCTTCT ACTGGTACATGGACA ACTGTGTGGACCGATGGACTTACCAGCCTTGATCGTT ACAAAGGCGCTGCTACCACATCGAGCCCGTTCTTGGAGAAAAAGATCAATA TATCTGTTATGTAGCTTACCCTTTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACT AACATGTTTACTTCCATCGTAGGAAATGTATTTGGATTCAAAGCCCTAGCTC TACGTCTGGAAGATCTGCGAATCCCTACGGCTTATATTA AAACTTTCCAAGG CCCACCTCATGGGATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAAGTATGGTCG TCCTCTGTTGGGATGTACTATTAAGCCGAAATTGGGGTTATCTGCTAAAAAC TACGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTT</p>
2.2 PN-02	<p>>Premna-PN-02-rbcla</p> <p>AAGTGTGGATTCAAGGCGGGTGTTAAAGAGTACAAATTGACTTATTATACT CCTGAATACGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTC CTCAACCTGGAGTTCCGCCC GAAGAAGCAGGGGCCGCGGTAGCTGCCGAAT CTTCTACTGGTACATGGACA ACTGTGTGGACCGATGGACTTACCAGCCTTGA TCGTTACAAAGGGCGCTGCTACCACATCGAGCCCGTTCTTGGAGAAAAAGA TCAATATATCTGTTATGTAGCTTACCCTTTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCT GTTACTAACATGTTTACTTCCATCGTAGGAAATGTATTTGGATTCAAAGCCC TACGTGCTCTACGTCTGGAAGATCTGCGAATCCCTACGGCTTATATTA AAC TTTCCAAGGCCACCTCATGGGATCCAAGTTGAGAGAGATAAATTGAACAA GTATGGTCCTCTGTTGGGATGTACTATTAAGCCGAAATTGGGGTTATCT GCTAAAACTACGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTT</p>

3. <i>Dioscorea</i> sp.	Nucleotide Sequence (5' - 3')
3.1 DR-01	<p>>Dioscorea-DR-01-rbcla</p> <p>AGTGCTGGATTCAAAGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTC CTGACTACGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCGGCATTCCGAGTAAGTCC TCAACCTGGGGTTCCGCCCCGAAGAAGCAGGAGCTGCAGTAGCCGCCGAATC GTCCACTGGTACATGGACAACGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGAT CGTTACAAAGGACGATGCTACCACATCGAGAGCGTTGTTGGGGAGGAAAAC CAATATATTGCTTATGTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTG TTACTAATATGTTTACTTCCATTGTAGGTAATGTATTTGGTTTCAAAGCCCT ACGAGCCCTACGTCTGGAGGATCTGCGAATTCCTACTTCTTATTCCAAAAC TTCCAAGGTCCGCCGCATGGCATCCAAGTTGAAAGAGATAAGTTGAACAAG TATGGCCGTCCCCTATTGGGATGCACTATTAACCAAATTGGGGTTATCCG CAAAGAACTACGGCAGAGCCGTTTATGAATGTCTA</p>
3.2 DR-02	<p>>Dioscorea-DR-02-rbcla</p> <p>AGTGTTGGATTCAAAGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTC CTGACTACGAAACCAAAGATACTGATATCTTAGCGGCATTCCGAGTAACTCC TCAACCTGGGGTTCCGCCCCGAAGAAGCAGGAGCTGCAGTAGCCGCCGAATC GTCCACTGGTACATGGACAACGTGTGGACTGATGGACTTACCAGTCTTGAT CGTTACAAAGGACGATGCTACCACATCGAGAGCGTTGTTGGGGAGGAGGAC CAATATATTGCTTATGTAGCTTATCCTTTAGACCTTTTTGAGGAAGGTTCTG TTACCAATATGTTTACTTCCATTGTAGGTAATGTATTTGGTTTCAAAGCCCT ACGAGCCCTACGTCTGGAGGATCTGCGAATTCCTACTTCTTATTCCAAAAC TTCCAAGGCCACCGCATGGCATCCAAGTTGAAAGAGATAAGTTGAACAAG TATGGCCGTCCCCTATTGGGATGCACTATTAACCAAATTGGGGTTATCCG CAAAGAACTACGGCAGAGCCGTTTATGAATGTCTA</p>

ประวัติผู้วิจัย

ร.ต.อ.หญิง สุชาดา สุขหรั่ง

- ชื่อ - นามสกุล (ภาษาไทย) ร.ต.อ.หญิง สุชาดา สุขหรั่ง
ชื่อ - นามสกุล (ภาษาอังกฤษ) Police Captain Suchada Sukrong
- เลขหมายบัตรประจำตัวประชาชน 3 1206 00099 48 6
- ตำแหน่งปัจจุบัน รองศาสตราจารย์ ดร.
- หน่วยงานและสถานที่อยู่ที่ติดต่อได้สะดวก พร้อมหมายเลขโทรศัพท์ โทรศัพท์มือถือ โทรสาร และ e-mail
หน่วยงาน ภาควิชาเภสัชเวชและเภสัชพฤกษศาสตร์ คณะเภสัชศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ถ.พญาไท เขตปทุมวัน กทม. 10330
โทรศัพท์ : 02-218-8364 081-8196742, โทรสาร : 02-218-8357
Email : suchada.su@chula.ac.th

5. ประวัติการศึกษา

ชื่อย่อปริญญา	สาขา	สถาบันที่จบ	ปีที่จบ
ภ.บ.	เภสัชศาสตร์	จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย	2533
ภ.ม.	เภสัชเวช	จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย	2537
Ph.D.	Plant Physiology/ Biochemistry/ Molecular Biology	University of Kentucky, U.S.A.	2547

- สาขาวิชาการที่มีความชำนาญพิเศษ (แตกต่างจากวุฒิการศึกษา) ระบุสาขาวิชาการ
Bioactivity of natural products, Plant tissue culture
- ประสบการณ์ที่เกี่ยวข้องกับการบริหารงานวิจัยทั้งภายในและภายนอกประเทศ (โดยระบุสถานภาพในการทำการวิจัยว่าเป็นผู้อำนวยการแผนงานวิจัย หัวหน้าโครงการวิจัย หรือผู้ร่วมวิจัยในแต่ละข้อเสนอการวิจัย)
 - ผู้อำนวยการแผนงานวิจัย : ชื่อโครงการวิจัย -
 - หัวหน้าโครงการวิจัย : ชื่อโครงการวิจัย
 - ศักยภาพการใช้สารสกัดจากเซลล์ต้นกำเนิดในการใช้ประโยชน์ทางยา, มหาวิทยาลัยวิจัยแห่งชาติ, สกอ, ปี 2554-2556
 - การศึกษาพืชสมุนไพรไทยที่สร้างอัลคาลอยด์ต้านมะเร็ง: แคมโททีซิน, ทุนวิจัยทุนวิจัยเซเรบอส Cerebos Award (Thailand) 2008, ปี 2551

7.3 งานวิจัยที่ทำเสร็จแล้ว : (ชื่อผลงานวิจัย ปีที่พิมพ์ การเผยแพร่ และแหล่งทุนย้อนหลังไม่เกิน 5 ปี)

1. Chaemsawang W, Prasongchea W, Papadopoulou K, **Sukrong S**, Kao WJ, Wattanaarsakit P. **2018**. Emulsion crosslinking technique for human fibroblast encapsulation. J of Biomaterials. (in press)
2. Nuntawong P, Kongkatitham V, Likhitwitayawuid K, Mekboonsonglar W, **Sukrong S**, Tanasupawat S, Sritularak B. **2018**. New 2-arylbenzofurans from the root bark of *Artocarpus gomezianus* and their α -glucosidase inhibitory activity. Nat Prod Res. (in press)
3. Khanthapok P, Sang-Awut N, Chakhonkaen S, Pitngam K, Osadecenco A, **Sukrong S**, Muangprom A. **2018**. Identification of ethanol-inducible genes and isolation of the Myb-related protein-like promoter in *Oryza sativa* L.. J Plant Growth Regulation. (in press)
4. Jaipaew J, Padungchareon T, **Sukrong S**. **2018**. PCR-reverse dot blot of the nucleotide signature sequences of matK for the identification of *Mitragyna speciosa*, a narcotic species. Plant Gene, 14, pp. 46-54.
5. Aung, HM, Huangteerakul C, Panvongsa W, Jensen AN, Chairoungdua A, **Sukrong S**, Jensen LT. **2018**. Interrogation of ethnomedicinal plants for synthetic lethality effects in combination with deficiency in the DNA repair endonuclease RAD1 using a yeast cell-based assay. J Ethnopharmacology, 223, pp. 10-21.
6. Suktap C, Lee HY, Amnuayp S, Suttisri R, **Sukrong S**. **2018**. Wound healing effect of flavonoid glycosides from *Afgekia mahidolae* leaves. Rec Nat Prod. 12(4), pp. 391-396.
7. Rattanapisit K, Srijangwad A, Chuanasa T, **Sukrong S**, Tantituvanont A, Mason, HS, Nilubol D, Phoolcharoen W. **2017**. Rapid transient production of a monoclonal antibody neutralizing the Porcine epidemic diarrhea virus (PEDV) in *Nicotiana benthamiana* and *Lactuca sativa*. Planta Medica. 83(18):1412-1419.
8. Jabsuwan A, **Sukrong S**, Swasdison S, Towiwat P. **2017**. Antinociceptive and anti-inflammatory effects of the ethanolic extract of *Curcuma aff. amada*. Chiang Mai J Sci. 44(3):912-928.

9. Lertnitikul N, Jittham P, Khankhampoch L, Pattamadilok C, **Sukrong S**, Suttisri R. **2016**. Cytotoxic stilbene from the roots of *Paphiopedilum godefroyae*. *J Asian Nat Prod Res.* 18(12):1143-1150.
10. Cheun-Arom T, Temeeyasen G, Tripipat T, Kaewprommal P, Piriyaongsa J, **Sukrong S**, Chongcharoen W, Tantituvanont A, Nilubol D. **2016**. Full-length genome analysis of two genetically distinct variants of porcine epidemic diarrhea virus in Thailand. *Infect Genet Evol.* 44(1): 114-121.
11. Aman Tedasen, **Sukrong S**, Boonchoo Sritularak, Theera Srisawat, Potchanapond Graidist. **2016**. The natural flavonoid 5,7,4'-trihydroxy-6,8-diprenylisoflavone and lupalbigenin-induced cell death on breast cancer cell lines. *Biomed & Pharmacother.* 81:235–241.
12. Sangmalee S, Laorpaksa A, Sritularak B, **Sukrong S**. **2016**. Bioassay-guided isolation of two flavonoids from *Derris scandens* with topoisomerase II poison activity. *Biol Pharm Bull.* 39(4):631-635.
13. Petpiroon N, Suktap C, Pongsamarta S, Chanvorachote P, **Sukrong S**. **2015**. Kaempferol-3-O-rutinoside from *Afgekia mahidoliae* promotes keratinocyte migration through FAK and Rac1 activation. *J Nat Med.* 69(3):340–348.
14. Ausawasamrit A, Itthiwarapornkul N, Chaotham C, **Sukrong S**, Chanvorachote P. **2015**. Lupalbigenin from *Derris scandens* sensitizes detachment-induced cell death in human lung cancer cells. *Anticancer Res.* 35(5):2827-34.
15. Khanthapok P, Muangprom A, **Sukrong S**. **2015**. Antioxidant activity and DNA protective properties of rice grass juices. *ScienceAsia.* 41(2):119–129.
16. Ketmongkhonsit P, Chaichantipyuth C, Palanuvej C, Thitikornpong W, and **Sukrong S**. **2015**. A validated TLC-image analysis method for detecting and quantifying bioactive phyllanthin in *Phyllanthus amarus* and commercial herbal drugs. *Songklanakarin J Sci Technol.* 37(3):319-326.
17. Pornprasertpol A, Sereemasun A, Sooklert K, Satirapipatkul C, **Sukrong S**. **2015**. Anticancer activity of selected *Colocasia gigantea* fractions. *J Med Assoc Thai. Suppl* 1:598-106.

18. Boonyarikpunchai W, **Sukrong S**, Towiwat P. **2014**. Antinociceptive and anti-inflammatory effects of rosmarinic acid isolated from *Thunbergia laurifolia* Lindl. *Pharmacology, Biochemistry and Behavior*. 124:67-73.
 19. Wiriyakaruna S, Zhu S, Komatsu K, **Sukrong S**. **2014**. The use of cleave PCR for the differentiation of the rejuvenating herb species *Pueraria candollei* (White Kwao Khrua), *Butea superba* (Red Kwao Khrua), and *Mucuna macrocarpa* (Black Kwao Khrua), and the simultaneous detection of multiple DNA targets in a DNA admixture. *Nat Prod Commun*. 9(1):111-117.
 20. Vimolmangkang S, Somkhanngoen C, **Sukrong S**. **2014**. Potential pharmaceutical uses of silkworm excreta. *Chiang Mai J Sci*. 41(1): 97-104.
 21. Suwanchaikasem P, Chaichantipyuth C, **Sukrong S**. **2014**. Antioxidant-guided isolation of rosmarinic acid, a major constituent from *Thunbergia laurifolia*, and its use as a bioactive marker for standardization. *Chiang Mai J Sci*. 41(1): 117-127.
- 7.4 งานวิจัยที่กำลังทำ: ชื่อข้อเสนอการวิจัย แหล่งทุน และสถานภาพในการทำวิจัยว่า ได้ทำการวิจัยลุล่วงแล้วประมาณร้อยละเท่าใด
- โครงการวิจัยเรื่อง ดีเอ็นเอบาร์โค้ดของพืชสมุนไพรในตำราอ้างอิงยาสมุนไพรไทย
- แหล่งทุน: กรมการแพทย์แผนไทยและการแพทย์ทางเลือก สถานภาพ : หัวหน้าโครงการ
- ปีที่เริ่มต้น : 2560 ปีที่สิ้นสุด : 2562 งานวิจัยลุล่วงไปร้อยละ 60
