

## บทที่ 3

### ทฤษฎี

#### 3.1 บทนำ

ในการศึกษาปฏิกิริยาเรโกลูชั่นของเมมทอลเรซิมิกด้วยเอนไซม์ไลเปสตรึงรูปบนเรซินแลกเปลี่ยนไอออน มีทฤษฎีที่เกี่ยวข้องกับการดำเนินงานวิจัยนี้หลายทฤษฎี ซึ่งจะแบ่งการศึกษาทฤษฎีออกเป็นเจ็ดส่วน คือ ในส่วนแรกจะกล่าวถึงเอนไซม์ตรึงรูป ส่วนที่สองเป็นเรื่องของตัวพองสำหรับตรึงเอนไซม์ ส่วนที่สามจะเป็นวิธีการตรึงเอนไซม์ ส่วนที่สี่เป็นเรื่องจลนพลศาสตร์ของเอนไซม์ ส่วนที่ห้าเป็นเรื่องของปัจจัยที่มีผลต่อการเร่งปฏิกิริยาของเอนไซม์ตรึงรูป ส่วนที่หกจะเป็นเรื่องของผลกระทบของการถ่ายเทมวลสาร และในที่สุดท้ายเป็นเรื่องของเครื่องปฏิกรณ์แบบ แพลนเบด

#### 3.2 เอนไซม์ตรึงรูป (Immobilized enzyme)

เอนไซม์ตรึงรูปหมายถึง เอนไซม์ที่โมเลกุลถูกจับไว้ในขอบเขตที่จำกัดอาจมีการสร้างพันธะทางเคมีขึ้นหรือไม่ก็ได้ เอนไซม์ตรึงรูปจะมีคุณสมบัติในการละลายน้ำได้ยากขึ้นหรือไม่ละลายเลย โดยเอนไซม์ตรึงรูปยังคงมีแอกติวิตีของการเร่งปฏิกิริยาอยู่ ทำให้สามารถนำเอาเอนไซม์ตรึงรูปกลับมาใช้ซ้ำได้หลายครั้งอย่างต่อเนื่อง ปัจจัยที่สำคัญสำหรับการตรึงเอนไซม์คือการเลือกใช้ตัวพองและวิธีการตรึงรูปเอนไซม์

#### 3.3 ตัวพองสำหรับตรึงเอนไซม์

ชนิดของตัวพองจะมีอิทธิพลต่อประสิทธิภาพในการทำงานของเอนไซม์ตรึงรูป (แอกติวิตีและความเสถียรของเอนไซม์) ไม่มีตัวพองชนิดใดที่สามารถตรึงเอนไซม์ได้ทุกรูปแบบ แต่อย่างไรก็ตามตัวพองที่ดีควรมีคุณลักษณะจำเพาะดังต่อไปนี้

- มีพื้นที่ผิวมากเพื่อใช้สำหรับการจับยึด
- มีการซึมผ่านของสารได้
- ไม่ละลายน้ำ
- เสถียรต่อสารเคมี , ความร้อน , และแรงกระแทก
- มีรูปร่างและขนาดที่พอเหมาะ
- มีความต้านทานต่อการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์
- สามารถนำกลับคืนมาใช้ใหม่ได้อีก

ในการนำไปใช้งานนั้น ควรจะพิจารณาถึงสมบัติของตัวพองในส่วนของพื้นที่ผิว รูปร่าง องค์ประกอบและการดัดแปลงเป็นต้น ตัวพองอาจจัดแบ่งออกเป็น 2 จำพวก คือ สารอินทรีย์และ สารอนินทรีย์ แต่การจัดจำพวกเช่นนี้ไม่เพียงพอต่อการชี้ถึงความสามารถในการจับยึดเอนไซม์ สมบัติ ที่บอกความสามารถนี้คือ พื้นที่ผิวและขนาดรูพรุน (pore size) ดังนั้นในที่นี้จะกล่าวถึงการแบ่งจำพวก โดยอาศัยโครงสร้างของตัวพองมาประกอบอีกส่วนหนึ่งด้วย

### 3.3.1 การแบ่งจำพวกตามลักษณะทางกายภาพ

ตัวพองแบ่งออกเป็น 2 ประเภทตามลักษณะทางกายภาพคือ ตัวพองที่ไม่มีรูพรุน และตัวพองที่มีรูพรุน

#### 3.3.1.1 ตัวพองที่ไม่มีรูพรุน

เมื่อใช้ตัวพองที่ไม่มีรูพรุนมาตรึงเอนไซม์ จะทำให้เอนไซม์มีโอกาสที่จะถูกจับยึดให้ได้ใน ปริมาณที่จำกัด เนื่องจากสารพองชนิดนี้มีพื้นที่ผิวต่อปริมาตรต่ำ ด้วยเหตุนี้จึงมีการใช้เส้นใยหรือสารที่ มีลักษณะเป็นเม็ดขนาดเล็ก เพื่อให้มีขนาดของพื้นที่ผิวมากพอที่จะให้เอนไซม์ยึดเกาะได้ แต่อย่างไรก็ตามสารเหล่านี้จะก่อปัญหาทั้งในการแยกออกจากส่วนผสมของปฏิกิริยาและในการใช้สำหรับ ระบบต่อเนื่อง เพราะจะทำให้แรงดันภายในระบบลดต่ำลงสืบเนื่องจากการอัดแน่นของตัวพอง ตัวพองชนิดนี้มีข้อดีบางประการซึ่งได้แก่ ลักษณะทางกายภาพที่ทำให้เอนไซม์ถูกจับไว้ที่ผิวรอบนอก ของตัวพอง ซึ่งลักษณะเช่นนี้จะทำให้กลับเสตรทเข้าทำปฏิกิริยาได้ง่าย

### 3.3.1.2 ตัวพุงที่มีรูพูน

การที่ตัวพุงที่เป็นสารอินทรีย์หรือสารอนินทรีย์ที่มีลักษณะเป็นรูพูน จะทำให้สารเหล่านี้มีพื้นที่ผิวมากขึ้นเมื่อเทียบในปริมาณ 1 หน่วยน้ำหนักกับตัวพุงที่ไม่มีรูพูน ดังนั้นตัวพุงที่มีรูพูนจะสามารถจับเอนไซม์ไว้ได้มาก ซึ่งลักษณะเช่นนี้ทำให้การประยุกต์ใช้ในทางอุตสาหกรรมได้ผลดี อย่างไรก็ตามตัวพุงที่มีรูพูนก็มีข้อจำกัด เนื่องจากพื้นที่ภายในรูพูนของเอนไซม์ที่ถูกตรึงนั้นจะต้องมีขนาดของรูพูนใหญ่เพียงพอสำหรับให้โมเลกุลของสับสเตรทผ่านเข้าไปทำปฏิกิริยา และในขณะเดียวกันก็ต้องให้สารผลิตภัณฑ์ผ่านออกไปได้สะดวก ทั้งนี้เพื่อลดปัญหาที่เกิดจากการแพร่กระจายของสับสเตรทและสารผลิตภัณฑ์ที่ผ่านเข้าและออกจากตัวพุง ซึ่งในตารางที่ 3.1 ได้แสดงการเปรียบเทียบข้อดีและข้อบกพร่องของตัวพุงที่มีรูพูนและไม่มีรูพูน

ตารางที่ 3.1 เปรียบเทียบข้อดีและข้อบกพร่องของตัวพุงที่ไม่มีรูพูนและมีรูพูน

ชนิดของตัวพุง	ข้อดี	ข้อบกพร่อง
ไม่มีรูพูน	มีความต้านทานการถ่ายเทมวลสารน้อย	-มีพื้นที่ผิวต่อปริมาตรต่ำ มีความจุในการตรึงเอนไซม์ต่ำ ในกรณีที่ตัวพุงมีลักษณะเป็นเม็ดละเอียดจะทำให้ยากต่อการแยกออก ไม่สะดวกในการใช้ระบบต่อเนื่องเพราะปัญหาจากแรงดันลดลง และอัตราการไหลผ่านถูกจำกัด
มีรูพูน	มีพื้นที่ผิวต่อปริมาตรมาก มีความจุเอนไซม์สูง	-จำกัดการแพร่กระจายของสาร -มีราคาสูง(ในกรณีที่ควบคุมขนาดรูพูน)

### 3.3.2 การแบ่งจำพวกตามลักษณะทางเคมี

ตัวพุงแบ่งออกเป็น 2 ประเภทตามสมบัติทางเคมี ได้แก่ตัวพุงที่เป็นสารอินทรีย์ และตัวพุงที่เป็นสารอนินทรีย์

#### 3.3.2.1 ตัวพุงที่เป็นสารอินทรีย์

ตัวพุงที่เป็นสารอินทรีย์จะมีข้อได้เปรียบในการใช้งานทาง อุตสาหกรรม เอนไซม์ที่รูปร่างที่ผลิตได้ในทางการค้าส่วนมากจะใช้ตัวพุงเป็นสารอินทรีย์ ทั้งนี้เนื่องจากตัวพุงอินทรีย์มีกลุ่มฟังก์ชัน (functional group) จำนวนมากที่สามารถตรึงเอนไซม์ได้อย่างมีประสิทธิภาพ ด้วยการสร้างพันธะเคมีกับกลุ่มคาร์บอกซิล (carboxyl group) หรือกลุ่มอะมิโน (amino group) ของเอนไซม์ ด้วยการดูดซับหรือการดึงดูดระหว่างไอออน (ionic bond) ตัวพุงที่เป็นสารอินทรีย์ส่วนมากจะเป็นพอลิเมอร์ (Polymer) แสดงดังตารางที่ 3.2

#### 3.3.2.2 ตัวพุงที่เป็นสารอนินทรีย์

ในการตรึงเอนไซม์ในสมัยเริ่มแรกได้ใช้ตัวพุงที่เป็น สารอนินทรีย์แต่ในระยะเวลาต่อมาพบว่าตัวพุงจากสารอินทรีย์มีประสิทธิภาพสูงกว่า ดังนั้นการพัฒนากการใช้ตัวพุงจากสารอนินทรีย์จึงมีน้อย แต่อย่างไรก็ตามตัวพุงที่เป็นสารอนินทรีย์ก็มีความน่าสนใจในการนำไปใช้งาน เนื่องจาก ตัวพุงที่เป็นสารอนินทรีย์ส่วนใหญ่จะได้มาจากธรรมชาติ ซึ่งหาได้ง่าย ทนต่อการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์ ง่ายต่อการรักษา มีอายุการใช้งานนานและสามารถนำกลับคืนมาใช้ใหม่ได้

ตารางที่ 3.2 การจัดประเภทของตัวพองโดยใช้สมบัติทางเคมี

ตัวพองที่เป็นสารอินทรีย์	ตัวพองที่เป็นสารอนินทรีย์
<p>พอลิเมอร์ธรรมชาติ</p> <p>พอลิแซ็กคาไรด์ (polysaccharide)</p> <p>: เซลลูโลส (celluloses)</p> <p>แป้ง</p> <p>เยการ์ (agar)</p> <p>อกาไรส (agarose)</p> <p>อัลจิเนต (alginate)</p> <p>คาร์ราจีแนน (carrageenan)</p> <p>โปรตีน : คอลลาเจน (collagen)</p> <p>เจลาติน (gelatin)</p> <p>ไหม</p> <p>คาร์บอน</p> <p>พอลิเมอร์สังเคราะห์</p> <p>พอลิสไตรีน (polystyrene)</p> <p>พอลิเอไครเลต (polyacrylate)</p> <p>: เอไครเลต (acrylate)</p> <p>เอไครเลไมด์ (acrylamide)</p> <p>พอลิเมอร์ของไวนิลและอัลลิล (vinyl and allyl polymers)</p> <p>พอลิเมอร์ของเมเลอิกแอนไฮไดรด์ (maleic anhydride polymers)</p> <p>พอลิเอไมด์ (polyamide)</p> <p>: ไนลอน (nylon)</p>	<p>แร่ธาตุธรรมชาติ</p> <p>ดินเอททาพูลไกท์ (attapulgit)</p> <p>หินฟูไมซ์ (pumice stone)</p> <p>ทราย</p> <p>เบนโทไนท์ (bentonite)</p> <p>สารสังเคราะห์</p> <p>แก้วมีรูพรุน / แก้วไม่มีรูพรุน</p> <p>อลูมินา (alumina)</p> <p>ซิลิกา (silica)</p> <p>เหล็กออกไซด์</p> <p>นิกเกิล / นิกเกิลออกไซด์</p>

### 3.4 วิธีการตรึงเอนไซม์

สามารถจำแนกได้ 2 วิธีใหญ่ๆ คือ วิธีทางกายภาพ (Physical method) และวิธีทางเคมี (Chemical method)

#### 3.4.1 วิธีทางกายภาพ

วิธีทางกายภาพแบ่งออกเป็น 2 วิธี คือการดูดซับทางกายภาพ (Physical adsorption) บนสารพวงและวิธีห่อหุ้ม (Entrapment method)

##### 3.4.1.1 การดูดซับทางกายภาพ

เป็นการดูดซับของเอนไซม์บนผิวภายนอกของตัวพวงที่ไม่ละลายน้ำ วิธีการตรึงรูปโดยวิธีนี้จะไม่มีผลกระทบต่อโครงรูปสามมิติ และแอกติวิตีของเอนไซม์ เนื่องจากอาศัยแรงดึงดูดที่ค่อนข้างอ่อน เช่นแรงแวนเดอร์วาลส์ พันธะไฮโดรเจนและแรงไฮโดรโฟบิกในการยึดเกาะเอนไซม์กับตัวพวง ความสามารถในการดูดซับของเอนไซม์จากการตรึงด้วยวิธีนี้จะขึ้นอยู่กับค่าความเป็นกรด-ด่าง ความเข้มข้นของไอออนในสารละลาย ความเข้มข้นของเอนไซม์ และอุณหภูมิ การควบคุมสภาวะต่างๆ เหล่านี้ให้เหมาะสมจะช่วยให้มีการดูดซับเอนไซม์ได้ดีและรักษาแอกติวิตีของเอนไซม์ไว้ได้ ตัวพวงที่นิยมใช้กันมากได้แก่ อลูมินา , คาร์บอนกัมมันต์ , แก้ว , และโพลีเมอร์ธรรมชาติเช่น แป้ง คอลลาเจน เป็นต้น

แต่ในกรณีที่ตัวพวงมีส่วนของโมเลกุลที่สามารถแลกเปลี่ยนประจุได้ (ion-exchange residue) การเชื่อมกันระหว่างเอนไซม์กับตัวพวงจะใช้พันธะไอออนิกในการยึดเกาะ (ionic binding method) ทั้งนี้เพราะเอนไซม์เมื่ออยู่ในรูปสารละลายจะมีประจุเสมอ เนื่องจากมีการแตกตัวของสายรอง(side chain) ของกรดอะมิโนของเอนไซม์ ชนิดของประจุและจำนวนของประจุของโมเลกุลเอนไซม์ขึ้นกับความเป็นกรด-ด่างของสารละลาย สามารถใช้ตัวพวงชนิดแลกเปลี่ยนไอออน

ที่มีประจุตรงข้ามกันยึดจับเอนไซม์ไว้ โดยใช้สารแลกเปลี่ยนไอออนบวก (cation exchanger) หรือ สารแลกเปลี่ยนไอออนลบ (anion exchanger) จับเอนไซม์ที่มีประจุบวกและลบตามลำดับ การตรึงเอนไซม์ด้วยวิธีเหล่านี้ทำได้ง่าย ก่อให้เกิดความเสียหายกับเอนไซม์น้อยที่สุด และมีต้นทุนในการตรึงไม่สูงนัก

เมื่อแบ่งประเภทของตัวพุงที่ใช้สำหรับตรึงเอนไซม์ด้วยแรงดึงดูดประจุ โดยอาศัยสมบัติการแลกเปลี่ยนไอออน จะได้ 2 ประเภท คือตัวพุงที่แลกเปลี่ยนไอออนลบ (anionic-exchanger) และตัวพุงที่แลกเปลี่ยนไอออนบวก (cationic-exchanger) ตามตารางที่ 3.3

ตารางที่ 3.3 ตัวพุงที่แลกเปลี่ยนประจุสำหรับตรึงเอนไซม์

ตัวพุงที่แลกเปลี่ยนประจุลบ	ตัวพุงที่แลกเปลี่ยนประจุบวก
DEAE-cellulose	CM-cellulose
AE-cellulose	Cellulose phosphate
TAEA-cellulose	CM-Sephadex
DEAE-sephadex	Dextran sulfate
QAE-sephadex	Amberlite IRC-50
DEAE-Bio-Gel A	Amberlite IRC-200
Amberlite IRA 93	
Amberlite IRA 94	
Amberlite IRA 910	
Amberlite IRA 938	
Dowex MWA-1	



### 3.4.1.2 วิธีห่อหุ้ม

วิธีห่อหุ้มเป็นวิธีที่รูปแบบรวมเอนไซม์อิสระไว้ในช่องว่างของตาข่ายพอลิเมอร์หรือห่อหุ้มเอนไซม์อิสระไว้ด้วยเยื่อบางที่ยอมให้สารซึมผ่านได้บ้าง (semipermeable membrane) ดังนั้นจึงแบ่งออกเป็น 2 ประเภท คือ ห่อหุ้มเอนไซม์ในช่องตาข่าย (lattice type) และห่อหุ้มเอนไซม์ในแคปซูลขนาดเล็ก (microcapsule type)

#### การห่อหุ้มเอนไซม์ในช่องตาข่ายของพอลิเมอร์ที่ไม่ละลายน้ำ

การตรึงเอนไซม์ด้วยวิธีนี้ทำได้ในลักษณะที่ผสมเอนไซม์เข้ากับสารห่อหุ้มในขณะที่กำลังเกิดพอลิเมอร์ โมเลกุลของเอนไซม์จะถูกห่อหุ้มด้วยช่องตาข่ายอย่างสม่ำเสมอทุกช่องอย่างซ้ำๆ การตรึงเอนไซม์ลักษณะนี้อาจจะส่งผลกระทบต่อเสถียรภาพของเอนไซม์โดยตรง เนื่องจากสารที่กำลังรวมตัวเป็นพอลิเมอร์มักจะมีปฏิกริยารุนแรง ตัวอย่างพอลิเมอร์ที่ใช้ได้แก่ แป้ง ไคติน (chitin) ชิโตซาน (chitosan) , อัลจีเนต (alginate) , คาราจีแนน (karrageenan) เป็นต้น

#### การห่อหุ้มเอนไซม์ในแคปซูลขนาดเล็ก

เอนไซม์สามารถถูกตรึงโดยแคปซูลขนาดเล็กที่เตรียมจากพอลิเมอร์ที่เป็นสารอินทรีย์ เยื่อพอลิเมอร์จะล้อมรอบเอนไซม์โดยที่สามารถปล่อยสับสเตรทและผลิตภัณฑ์ที่ซึมผ่านได้ ประโยชน์ของการตรึงเอนไซม์ด้วยวิธีนี้ได้แก่ เอนไซม์และ สับสเตรทจะทำปฏิกริยาได้มาก และสามารถตรึงเอนไซม์หลายชนิดในขั้นตอนเดียว โดยไม่จำกัดว่าเอนไซม์นั้นจะผ่านการตรึงด้วยวิธีอื่นมาแล้วหรือไม่ ข้อบกพร่องที่สำคัญของการตรึงเอนไซม์ด้วยวิธีนี้คือ ไม่สามารถใช้สำหรับกรณีที่ สับสเตรทมีมวลโมเลกุลสูง บางครั้งเอนไซม์อาจถูกทำลายแอกติวิตีในระหว่างกระบวนการตรึง เอนไซม์อาจจะเข้าไปฝังอยู่ในผนังของเยื่อพอลิเมอร์ และเทคนิคบางขั้นตอนที่ใช้ในการตรึงอาจมีการทำให้มีการสูญเสียเอนไซม์ออกจากแคปซูลได้



### 3.4.2 วิธีทางเคมี

เป็นการยึดเกาะเอนไซม์กับตัวพุงไว้ด้วยพันธะโคเวเลนต์ การตรึงเอนไซม์วิธีนี้ค่อนข้างยุ่งยากซับซ้อน ค่าใช้จ่ายค่อนข้างสูง และ กระบวนการที่ใช้ค่อนข้างรุนแรงสำหรับเอนไซม์ ดังนั้นในบางครั้งอาจทำให้เอนไซม์สูญเสียค่าแอกติวิตีและอาจเปลี่ยนสภาวะในการทำงาน แต่เนื่องจากมีพันธะยึดเหนี่ยวที่แข็งแรงเอนไซม์จึงทำให้เอนไซม์หลุดออกจากตัวพุงได้ยาก ตัวพุงที่ผ่านการตรึงด้วยวิธีนี้ไม่สามารถนำกลับมาใช้ใหม่ได้ การตรึงเอนไซม์ด้วยวิธีทางเคมีจำแนกได้ 2 วิธีคือ การเชื่อมโยงหรือการเชื่อมขวาง (Cross - linking method) และการติดขัดด้วยพันธะโคเวเลนต์ (Covalent binding method)

#### 3.4.2.1 การเชื่อมโยงหรือการเชื่อมขวาง

การทำเอนไซม์ตรึงรูปโดยวิธีนี้อาศัยวิธีการสร้างพันธะเคมี แต่วิธีนี้ไม่ต้องใช้ตัวพุง เอนไซม์จะถูกตรึงอยู่ได้โดยการสร้างพันธะเชื่อมขวางระหว่างโมเลกุลของเอนไซม์ โดยใช้สารเคมีที่มีกลุ่มฟังก์ชันมากกว่า 2 กลุ่ม (bi- or multifunctional reagents) หรือเรียกว่า cross-linkers เป็นตัวเชื่อม ซึ่งมีผลให้เอนไซม์หลายโมเลกุลเกาะกลุ่มกลายเป็นโมเลกุลใหญ่ ละลายน้ำได้น้อยลง สารที่ใช้ในการเชื่อมขวางเช่น กลูทาร์ลดีไฮด์ (glutaraldehyde) , เฮกซะเมทิลซีน ไดไอโซไซยานาต (hexamethylene diisocyanate) เป็นต้น การเลือกสภาวะในการทดลองเพื่อให้เกิดการเชื่อมโยงอย่างจำเพาะบนกลุ่มฟังก์ชันของเอนไซม์ทำได้ยาก สภาวะที่เหมาะสมในการเชื่อมโยงขึ้นอยู่กับความเข้มข้นของเอนไซม์, ชนิดของสารเชื่อมโยง, ความเป็นกรดต่าง, ความเข้มข้นของไอออนในสารละลาย, อุณหภูมิ และเวลาในการเกิดปฏิกิริยา

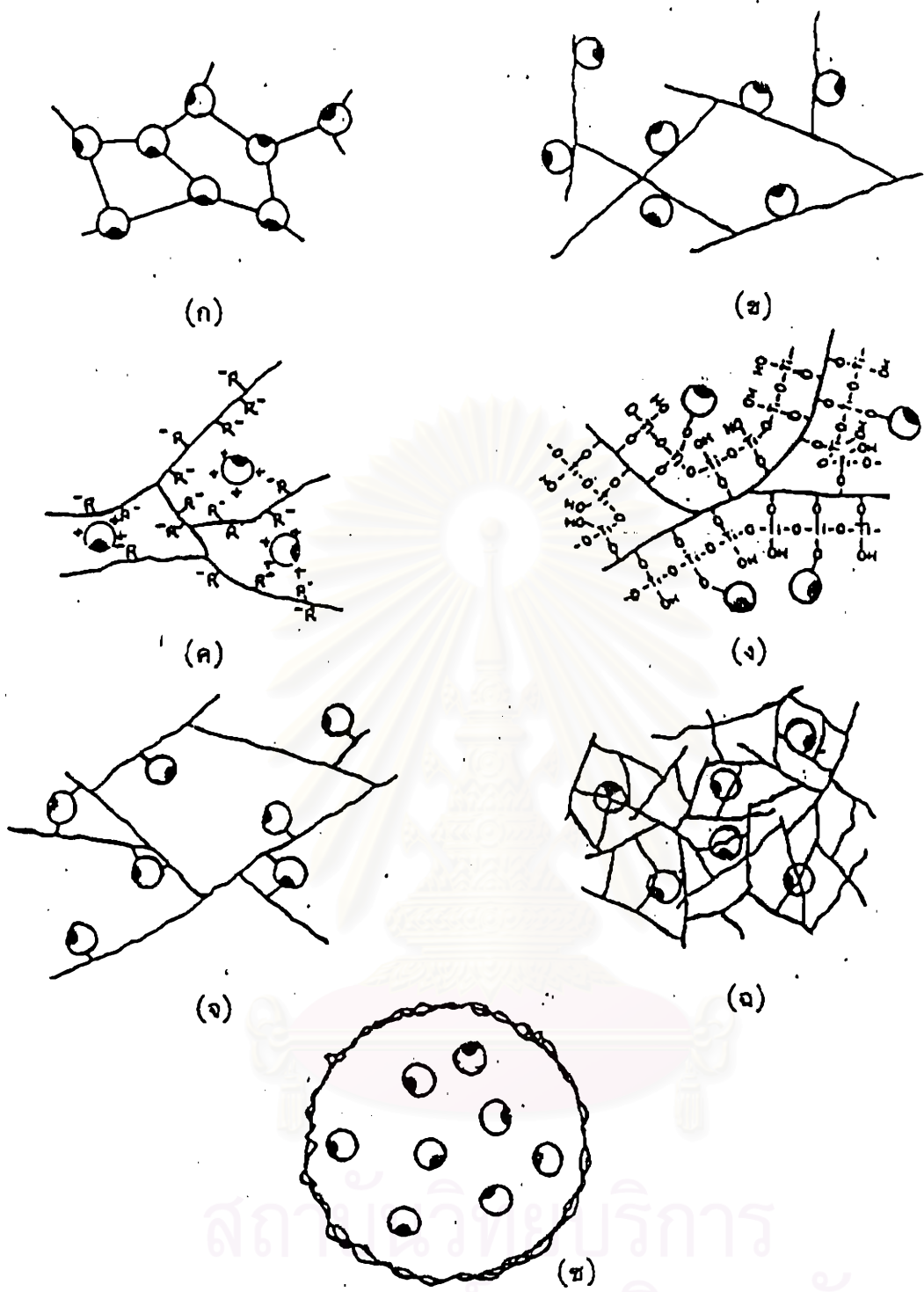
#### 3.4.2.2 การตรึงด้วยพันธะโคเวเลนต์กับตัวพุง

เป็นการตรึงโดยการทำให้เกิดพันธะโคเวเลนต์ (covalent binding) ระหว่างกลุ่มฟังก์ชันของเอนไซม์กับหมู่ที่ไวต่อปฏิกิริยา (reactive group) ของตัวพุง การเลือกสภาวะในการตรึงเอนไซม์ด้วยวิธีนี้ค่อนข้างยุ่งยาก การเลือกให้ปฏิกิริยาที่เหมาะสมต้องคำนึงถึงความว่องไวในการเกิดปฏิกิริยาของหมู่ฟังก์ชันของตัวพุง ความเข้มข้นของกรดอะมิโนที่มีกลุ่มฟังก์ชันของเอนไซม์ สิ่ง

สำคัญคือ กรดอะมิโนที่มีหน้าที่เร่งปฏิกิริยาต้องไม่เกิดพันธะกับตัวพวง การตรึงด้วยวิธีนี้จะทำให้แรงยึดระหว่างเอนไซม์กับตัวพวงสูงเป็นเพราะการเกิดพันธะโคเวเลนต์จะต้องผ่านขั้นตอนการสลายพันธะเดิม ดังนั้นพลังงานการสลายพันธะยิ่งสูง โมเลกุลใหม่ที่ได้จะมีพันธะโคเวเลนต์ที่แข็งแรง และเสถียรมาก ด้วยเหตุนี้สภาวะของการเกิดปฏิกิริยาจึงค่อนข้างรุนแรง และมีผลโดยตรงกับบริเวณเร่งของเอนไซม์ และโครงสร้างสามมิติด้วย ซึ่งทุกวิธีดังกล่าวสามารถแสดงได้ดังรูปที่ 3.1



สถาบันวิทยบริการ  
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 3.1 ลักษณะของเอนไซม์ที่ตรึงรูปด้วยวิธี

(ก) การเชื่อมโยงระหว่างโมเลกุลของเอนไซม์

(ค) การตรึงด้วยพันธะไฮโดรเจน

(จ) การเชื่อมด้วยพันธะโคเวเลนต์

(ช) การห่อหุ้มในแคปซูล

(ข) การดูดซับ

(ง) การเชื่อมโยงโดยใช้สารเชื่อมโยง

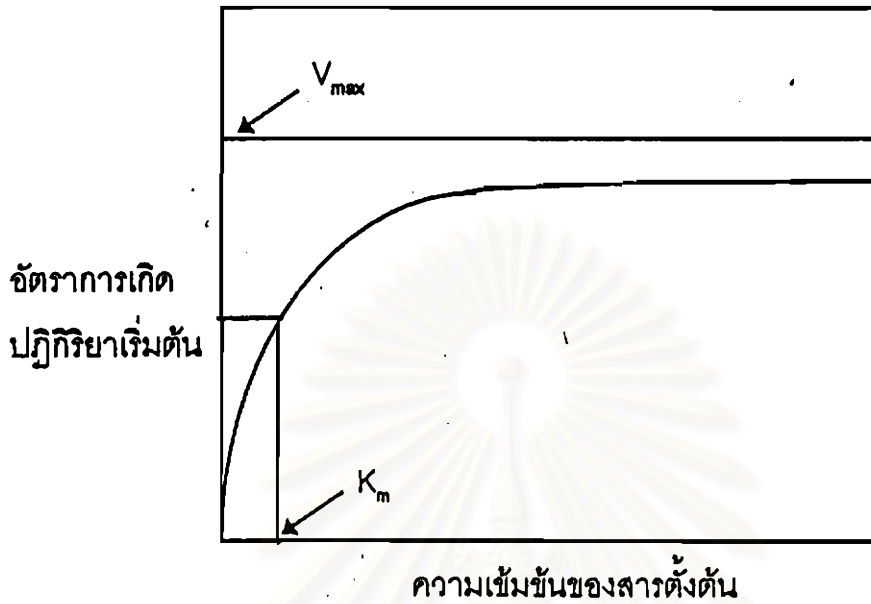
(ฉ) การห่อหุ้มในช่องตาข่าย

### 3.5 จลนพลศาสตร์ของเอนไซม์

การศึกษาจลนพลศาสตร์ของเอนไซม์ คือ การศึกษาถึงผลของปัจจัยต่างๆ มีผลต่ออัตราเร็วของปฏิกิริยา (reaction rate) รวมทั้งกลไกในการทำงานของเอนไซม์ เอนไซม์ที่ต่างชนิดกันก็จะมีกลไกในการทำงานที่แตกต่างกัน แต่ยังคงมีหลักการและพื้นฐานเดียวกัน จลนพลศาสตร์ของปฏิกิริยาที่มีเอนไซม์เป็นตัวเร่งสามารถศึกษาได้จากการวัดความเร็วเริ่มต้นของปฏิกิริยา ในปฏิกิริยาที่มีเอนไซม์เป็นตัวเร่งส่วนมากพบว่าเมื่อเอนไซม์ทำปฏิกิริยาอยู่ชั่วระยะเวลาหนึ่งมักจะเกิดการสูญเสียสภาพทางธรรมชาติ (denature) ซึ่งทำให้ความสามารถในการเร่งปฏิกิริยาของเอนไซม์ลดลง มีผลทำให้การวัดอัตราเร็วของปฏิกิริยาไม่ถูกต้อง ซึ่งเราสามารถแก้ปัญหานี้ได้โดยการวัดความเร็วเริ่มต้นโดยพิจารณาเฉพาะช่วงเวลาสั้นๆหลังจากเริ่มทำปฏิกิริยา เพราะในขณะที่วัดความเร็วเริ่มต้นนั้นเอนไซม์จะยังไม่สูญเสียสภาพทางธรรมชาติและผลิตภัณฑ์ที่เกิดขึ้นยังอยู่ในระดับความเข้มข้นที่น้อยจนถือว่าไม่มีผลยับยั้งการเกิดปฏิกิริยา (product inhibition) ในการวัดความเร็วเริ่มต้นจะวัดความเข้มข้นของสารผลิตภัณฑ์ (product) ที่เพิ่มขึ้นต่อเวลา หรือความเข้มข้นของสับสเตรท (substrate) ที่ลดลงไปต่อเวลา ทั้งนี้ขึ้นอยู่กับความสะดวกในขั้นตอนการวัด

#### 3.5.1 จลนพลศาสตร์ของปฏิกิริยาที่มีสับสเตรทตัวเดียว

ในการศึกษาปฏิกิริยาที่มีสับสเตรทตัวเดียวนั้น กำหนดให้ปริมาณเอนไซม์คงที่ แล้วแปรค่าความเข้มข้นของสับสเตรท ทำการวัดค่าความเร็วเริ่มต้นของปฏิกิริยาจะได้รับความสัมพันธ์ระหว่างความเร็วเริ่มต้นของปฏิกิริยา  $[V]$  และความเข้มข้นของสับสเตรท  $[S]$  ได้กราฟดังรูปที่ 3.2



รูปที่ 3.2 ผลของความเข้มข้นของสับเตรทและอัตราการผลิตปฏิกิริยาเริ่มต้น

ขั้นตอนต่างๆที่เอนไซม์ทำปฏิกิริยากับสับเตรท คือ



ปฏิกิริยาในสมการที่ 3.2 จะเป็นขั้นตอนในการกำหนดความเร็วของปฏิกิริยาทั้งหมด เนื่องจากปฏิกิริยาในสมการที่ 3.1 เกิดขึ้นเร็วมากความเร็วของปฏิกิริยา  $[V]$  จึงขึ้นอยู่กับปฏิกิริยาในสมการที่ 3.2 หรือขึ้นกับ  $[ES]$  ดังนั้น

$$V = k_2[ES] \quad (3.3)$$

พบว่าที่เวลาใดๆ จะได้ว่า

$$\text{ปฏิกิริยาการเกิด } ES = \frac{d[ES]}{dt} = k_1[E][S] \quad (3.4)$$

$$\text{ปฏิกิริยาของการสลาย } ES = -\frac{d[ES]}{dt} = k_1[ES] + k_2[ES] \quad (3.5)$$

$$\text{ในสภาวะที่คงตัว } K_1[E][S] = k_1[ES] + k_2[ES]$$

$$\frac{[E][S]}{[ES]} = \frac{k_1 + k_2}{k_1} = K_m \quad (3.6)$$

เนื่องจากการวัดปริมาณความเข้มข้นของเอนไซม์อิสระ [E] และ [ES] ในทางปฏิบัตินั้นทำได้ยาก จึงต้องทำการเปลี่ยนรูปสมการใหม่โดยแทนค่า [E] เป็น  $[E_0]$  โดย

$$[E_0] = [E] + [ES]$$

แทนค่า [E] ด้วย  $[E_0] - [ES]$  จะได้

$$K_m = \frac{([E_0] - [ES])[S]}{[ES]} \quad (3.7)$$

$$[ES] = \frac{[E_0][S]}{K_m + [S]} \quad (3.8)$$

เมื่อแทนค่าสมการที่ 3.8 ลงในสมการที่ 3.3 จะได้

$$V = \frac{k_2 [E_0] [S]}{K_m + [S]} \quad (3.9)$$

ถ้าในกรณีที่ความเข้มข้นของสับสเตรตสูงเกินพอแล้วความเข้มข้นของเอนไซม์ทั้งหมด ( $[E_0]$ ) จะอยู่ในรูปของ  $[ES]$  ซึ่งจะทำให้  $V = V_{max}$  เมื่อแทนลงในสมการ 3.9

$$V = \frac{V_{max} [S]}{K_m + [S]} \quad (3.10)$$

เมื่อนำผลการทดลองมาวิเคราะห์โดยการเขียนกราฟระหว่าง  $V$  กับ  $[S]$  จะได้กราฟ ไฮเพอร์โบลา ซึ่งค่อนข้างยุ่งยากในการประเมินค่า  $V_{max}$  และ  $K_m$  เพื่อที่จะสามารถหาค่าทั้งสองได้อย่างแม่นยำ จึงต้องหาวิธีเขียนกราฟความสัมพันธ์ออกมาเป็นเส้นตรง โดยการเขียนกราฟแบบไลน์วีฟเวอร์-เบอร์ก (Lineweaver-Burk plot) เป็นกราฟระหว่าง  $1/[V]$  และ  $1/[S]$  ซึ่งความสัมพันธ์นี้สามารถหาสมการแบบไมเคิลิส-เมนเทน ดังนี้

$$\frac{1}{V} = \frac{K_m}{V_{max}} \frac{1}{[S]} + \frac{1}{V_{max}} \quad (3.11)$$

จากสมการ (3.1) ถ้า  $V = V_{max}/2$  จะได้

$$\frac{V_{max}}{2} = \frac{V_{max} [S]}{K_m + [S]}$$

$$K_m + [S] = 2 [S]$$



$$K_m = [S] \quad (3.12)$$

จากสมการที่ 3.12 จะเห็นได้ว่า  $K_m$  คือความเข้มข้นของสับสเตรทที่ทำให้ความเร็วเริ่มต้นมีค่าเท่ากับครึ่งหนึ่งของความเร็วเริ่มต้นสูงสุด หน่วยของ  $K_m$  จะเหมือนกับหน่วยของสับสเตรท ถ้าหน่วยของสับสเตรทเป็นโมลต่อลิตร ค่า  $K_m$  ก็จะมีหน่วยเป็นโมลต่อลิตรด้วย

เนื่องจาก  $V_{max}$  เท่ากับ  $k_2 [E_0]$  ซึ่งแสดงว่า  $V_{max}$  จะคงที่เมื่อความเข้มข้นทั้งหมดของเอนไซม์คงที่ แต่ถ้าหากค่าความเข้มข้นทั้งหมดของเอนไซม์เปลี่ยนแปลงไปแล้วจะทำให้  $V_{max}$  เปลี่ยนแปลงไปด้วย และจากสมการที่ 3.6

$$K_m = \frac{k_{-1} + k_2}{k_1}$$

ในกรณีที่  $k_{-1} \geq k_2$  เพราะฉะนั้น  $K_m = k_{-1}/k_1$  ดังนั้นการพิจารณาค่า  $K_m$  จึงขึ้นกับปฏิกิริยาในสมการที่ 3.1 เพียงอย่างเดียว หรืออีกนัยหนึ่งขึ้นกับ dissociation constant ( $k_{-1}$ ) ถ้า  $K_m$  มีค่าต่ำ แสดงว่าเอนไซม์สามารถสร้าง [ES] ได้มาก ( $k_1 \geq k_{-1}$ ) เนื่องจากความเร็วของปฏิกิริยาทั้งหมดขึ้นกับปริมาณ [ES] ดังนั้นสามารถที่จะอธิบายได้ว่า ถ้าเอนไซม์ทั้งหมดอยู่ในรูปของ [ES] ความเร็วของปฏิกิริยาจะสูง (ค่า  $K_m$  จะต่ำ)

แต่โดยทั่วไปแล้วปฏิกิริยาที่มีสับสเตรทตัวเดียวนั้นพบได้น้อยมาก ส่วนใหญ่ปฏิกิริยาที่เกิดขึ้นในสิ่งมีชีวิต หรือปฏิกิริยาโดยทั่วไปมักจะมี สับสเตรทมากกว่าสองตัว ทำให้การศึกษาจลนพลศาสตร์ของปฏิกิริยานั้นยุ่งยากซับซ้อน และในการศึกษาวิจัยครั้งนี้ใช้ สับสเตรทสองชนิดคือเมนทอลเรซิมีก และเฮกซิลอะซิเตต

### 3.5.2 กลไกของปฏิกิริยาที่มีสับเสตรสองตัว

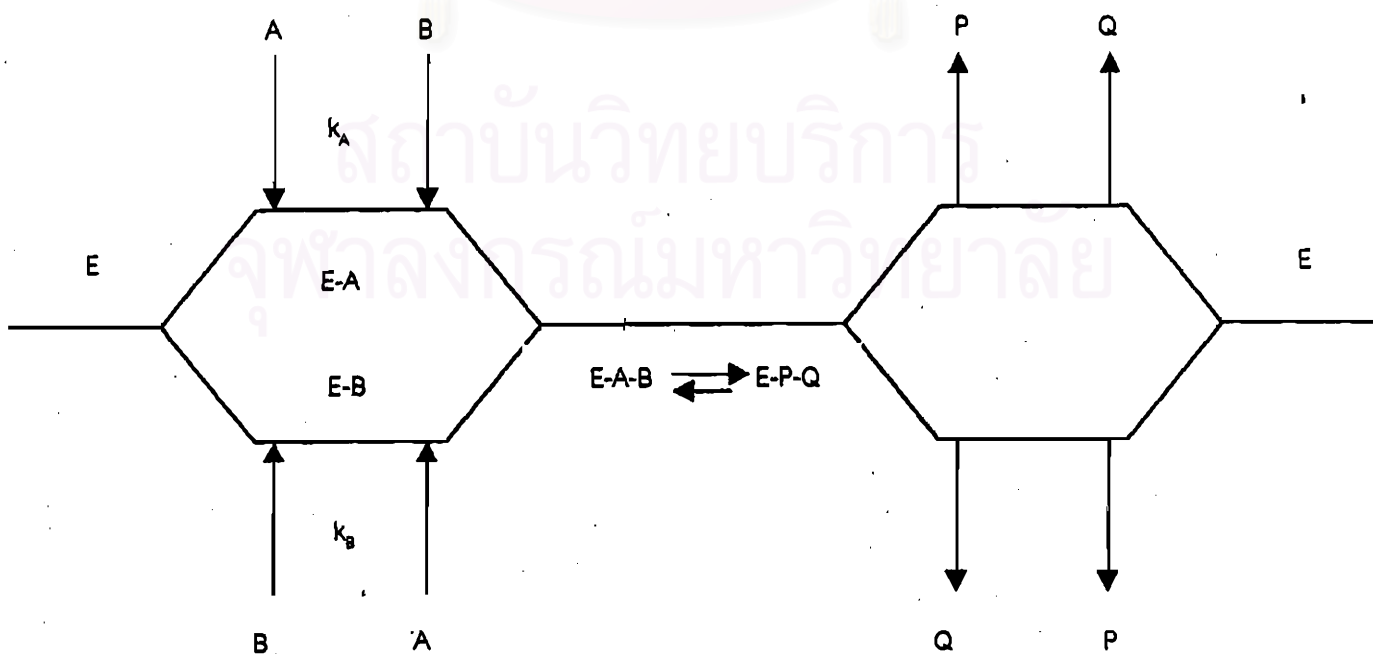
กลไกของปฏิกิริยาที่มีสับเสตรสองตัว แบ่งออกเป็น 2 แบบ

#### 3.5.2.1 กลไกแบบลำดับ (sequential mechanism)

เป็นกลไกที่มีสับเสตรทั้งสองตัวเข้าทำปฏิกิริยากับเอนไซม์ก่อนที่จะมีผลิตภัณฑ์เกิดขึ้น ปฏิกิริยาที่มีกลไกแบบนี้เรียกว่าปฏิกิริยา single - displacement กลไกแบบนี้สามารถแบ่งย่อยได้อีก 2 ชนิด

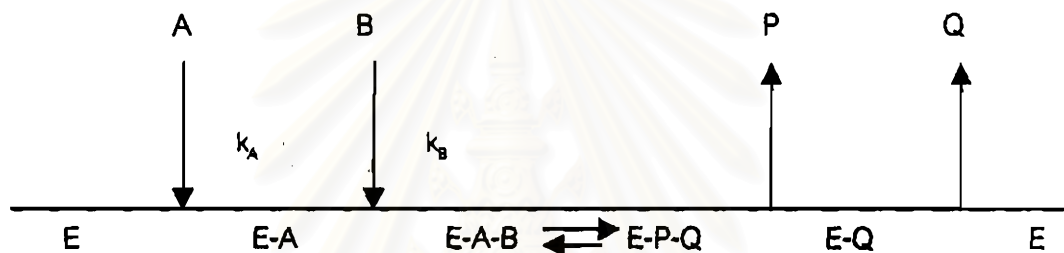
##### Rapid equilibrium random bi bi

กลไกชนิดนี้เป็นกลไกที่สับเสตรทั้งสองตัวเข้าทำปฏิกิริยากับเอนไซม์ ก่อนที่ผลิตภัณฑ์สองตัวเกิดขึ้น และสับเสตรตัวใดตัวหนึ่งจะจับกับเอนไซม์ก่อนก็ได้ ในทำนองเดียวกัน ผลิตภัณฑ์ที่เกิดขึ้นสองตัวนั้นตัวใดตัวหนึ่งจะถูกปล่อยออกจากเอนไซม์ก่อนก็ได้ นั่นคือการจับของสับเสตรและการปล่อยผลิตภัณฑ์เป็นแบบสุ่ม (random) สามารถเขียนกลไกการทำงานได้เป็น



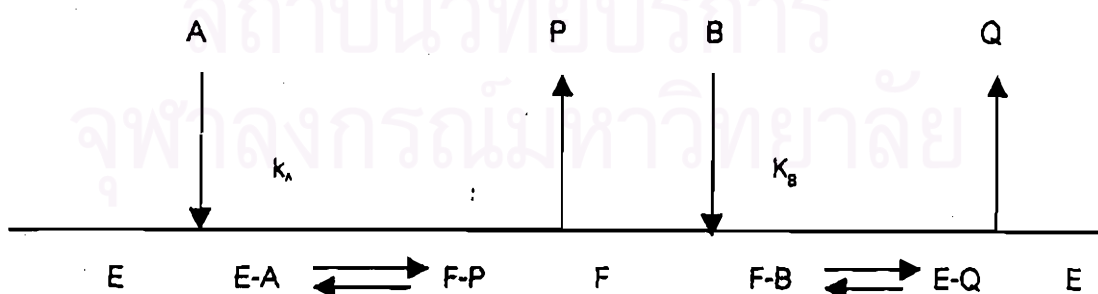
### Ordered bi bi

กลไกชนิดนี้เป็นกลไกที่ สับเสตรทั้งสองตัว (A และ B) เข้าทำปฏิกิริยากับ เอนไซม์ก่อนที่จะมีผลิตภัณฑ์สองตัว (P และ Q) เกิดขึ้น แต่จะเห็นได้ว่าสับเสตร A จะจับกับเอนไซม์ก่อนสับเสตร B และผลิตภัณฑ์ P จะถูกปล่อยออกจากเอนไซม์ก่อน ผลิตภัณฑ์ Q นั่นคือ การจับของ สับเสตรและการปล่อยผลิตภัณฑ์จะเกิดขึ้นอย่างมีระเบียบ ซึ่งสามารถเขียนแผนภาพของการเกิดปฏิกิริยาได้เป็น



### 3.5.2.2 กลไกแบบไม่ลำดับ (non-sequential mechanism)

กลไกชนิดนี้เป็นกลไกที่สับเสตรตัวแรก เมื่อทำปฏิกิริยากับเอนไซม์แล้วสามารถให้ ผลิตภัณฑ์ตัวแรกเกิดขึ้นในปฏิกิริยาได้โดยไม่ต้องอาศัยสับเสตรตัวที่สอง กลไกของปฏิกิริยาชนิดนี้ เรียกว่ากลไกแบบ ping pong bi bi ซึ่งสามารถเขียนเป็นแผนภาพของปฏิกิริยาได้เป็น



### 3.6 ปัจจัยที่มีอิทธิพลต่อการเร่งปฏิกิริยาของเอนไซม์ตรีงรูป

การตรีงเอนไซม์ จะทำให้ได้เอนไซม์ตรีงรูปซึ่งอาจจะมีการเปลี่ยนแปลงคุณสมบัติต่างๆจากเอนไซม์อิสระ ซึ่งโดยปกติเอนไซม์ตรีงรูปจะมีความสามารถในการเร่งปฏิกิริยาลดลงเมื่อเทียบกับเอนไซม์อิสระก่อนได้รับการตรีง

#### 3.6.1 ค่าความเป็นกรด-ด่าง

โดยทั่วไป แอคติวิตีของเอนไซม์จะถูกกระทบด้วยสภาวะแวดล้อม โดยเฉพาะค่าความเป็นกรด-ด่างของสารละลายที่ใช้ในการเร่งปฏิกิริยาของเอนไซม์ ทั้งนี้เพราะค่าความเป็นกรด-ด่างมีผลทำให้สภาพธรรมชาติของเอนไซม์เปลี่ยนแปลงไป

เมื่อเอนไซม์ถูกตรีงจะทำให้ค่าความเป็นกรด-ด่างที่เหมาะสมที่สุดในการทำงาน (optimum pH) ของเอนไซม์เปลี่ยนแปลงหรือไม่ก็ได้ แต่ส่วนมากแล้วมักเปลี่ยนแปลงไป แนวโน้มของการเปลี่ยนแปลงค่าความเป็นกรด-ด่างในการทำงานของเอนไซม์ และการเปลี่ยนแปลงแอคติวิตีของเอนไซม์ที่ค่าความเป็นกรด-ด่างต่างๆ ขึ้นอยู่กับประจุของโมเลกุลของเอนไซม์ และประจุของตัวพวง เมื่อเอนไซม์ถูกตรีงด้วยตัวพวงที่มีประจุ จะมีสมบัติทางจลนพลศาสตร์แตกต่างจากเอนไซม์อิสระ ทั้งนี้เพราะผลกระทบของแรงสัมพันธ์ของประจุนตัวพวง ซึ่งจะส่งผลทำให้สารที่มีประจุ (เช่น สับเสตรทและสารผลิตภัณฑ์บางชนิด ไฮโดรเจนไอออน ไฮดรอกซิลไอออน เป็นต้น) มีความแตกต่างกัน ณ บริเวณรอบๆเอนไซม์กับสารละลายของปฏิกิริยาทั้งหมด ผลกระทบจากอิทธิพลดังกล่าว จะส่งผลให้ค่าความเป็นกรด-ด่างที่เหมาะสมที่สุดในการทำงานและแอคติวิตีของเอนไซม์ตรีงมีค่าแตกต่างไปจากเอนไซม์อิสระ

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

### 3.6.2 อุณหภูมิ

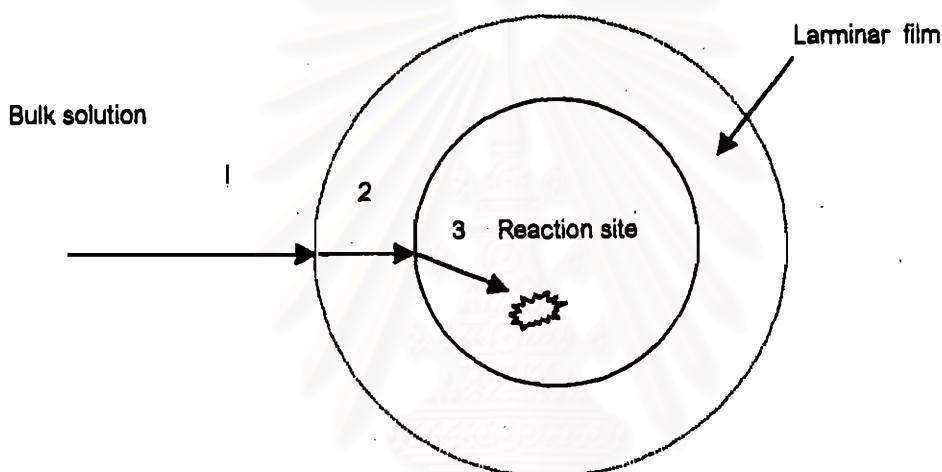
แอกติวิตีของเอนไซม์จะขึ้นอยู่กับอุณหภูมิในลักษณะเดียวกับการเร่งปฏิกิริยาเคมี เนื่องจากการกระตุ้นของเอนไซม์ในปฏิกิริยาจะขึ้นกับอุณหภูมิ ตามความสัมพันธ์ของสมการอาร์เรเนียส (Arrhenius equation)

$$K(T) = A_0 e^{-E/RT} \quad (3.13)$$

ปฏิกิริยาเคมีส่วนใหญ่จะให้อัตราการเกิดปฏิกิริยาสูงขึ้นเมื่ออุณหภูมิสูงขึ้น การเพิ่มอุณหภูมิจะช่วยเพิ่มพลังงานจลน์ที่โมเลกุลของสับสเตรท ซึ่งจะทำให้เกิดการชนกันได้มากขึ้นต่อหน่วยเวลา เอนไซม์ตรึงจะมีอุณหภูมิที่เหมาะสมที่สุดสำหรับการทำงาน (optimum temperature) ถ้าใช้อุณหภูมิที่สูงกว่าอุณหภูมินี้แอกติวิตีจะลดลง เนื่องจากเอนไซม์เป็นสารประกอบเชิงซ้อนของโปรตีน และแอกติวิตีในการเร่งปฏิกิริยาจะเกิดขึ้นเนื่องจากโครงสร้างในระดับตติยภูมิ (tertiary structure) เรียงตัวอย่างมีระเบียบในทิศทางที่จะต้องจับกับสับสเตรทที่บริเวณจับและบริเวณเร่งของตัวเร่งปฏิกิริยา โครงสร้างระดับตติยภูมินี้มีพันธะที่มีแรงดึงดูดที่ค่อนข้างอ่อน การเพิ่มอุณหภูมิมากจนเกินไปจะทำให้ โครงสร้างตติยภูมิจะเสียหาย มีผลให้เอนไซม์สูญเสียสภาพทางธรรมชาติ และสูญเสียความสามารถในการเร่งปฏิกิริยาไป

### 3.7 ผลกระทบของการถ่ายเทมวลสาร

เมื่อทำการตรึงรูปแอนไซม์บนตัวพวยง การเคลื่อนที่ของสับสเตรทเพื่อเข้าทำปฏิกิริยากับแอนไซม์จะต้องผ่านชั้นความต้านทานจากการถ่ายเทมวลสาร (mass transfer resistance) ซึ่งความต้านทานนี้จะไม่เกิดขึ้นในแอนไซม์อิสระ การเคลื่อนที่ของสับสเตรทเพื่อเข้าทำปฏิกิริยากับแอนไซม์ตรึงรูป สามารถแบ่งได้ออกเป็น 3 ขั้นตอน (James M. Lee ,(1992) ) ดังรูปที่ 3. 3



รูปที่ 3.3 เส้นทางการเคลื่อนที่ของสับสเตรทเพื่อเข้าทำปฏิกิริยากับแอนไซม์ตรึงรูป

1. สับสเตรทจะเคลื่อนที่จากสารละลาย ภายนอก (bulk solution ) ไปยังผิวของตัวพวยง
2. สับสเตรทจะแพร่ผ่านเข้าไปยังชั้นฟิล์มบางๆที่อยู่เนืง (laminar film) ที่ผิวของตัวพวยง
3. สับสเตรทจะแพร่ผ่านเข้าไปในรูพรุนของตัวพวยงเพื่อเข้าทำปฏิกิริยากับแอนไซม์ในตัวของตัวพวยง

ในการเคลื่อนที่ของสับเซตรทเพื่อเข้าไปทำปฏิกิริยากับเอนไซม์ตริงรูปนั้นจะมีชั้นความต้านทานการเคลื่อนที่เกิดขึ้น เรียกแรงต้านทานการเคลื่อนที่นี้ว่า ความต้านทานการถ่ายเทมวลสาร(mass transfer resistance) ซึ่งสามารถแบ่งได้ออกเป็น 2 แบบ

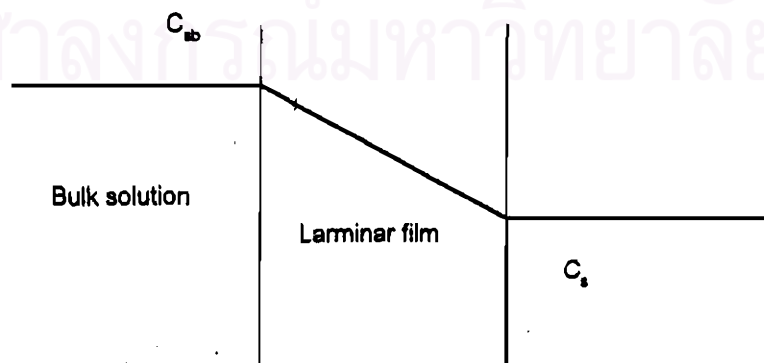
1 ความต้านทานการถ่ายเทมวลสารภายนอก (external mass transfer resistance) ซึ่งเป็นผลมาจากสับเซตรทแพร่ผ่านชั้นฟิล์มที่ผิวของตัวพวยง และเข้าไปทำปฏิกิริยากับเอนไซม์ที่ผิวของตัวพวยง

2 ความต้านทานการถ่ายเทมวลสารภายใน (internal mass transfer resistance) ซึ่งเป็นผลมาจากการที่สับเซตรทเคลื่อนที่เข้าไปรูพูนของตัวพวยง และเข้าไปทำปฏิกิริยากับเอนไซม์ภายในรูพูน

ในงานวิจัยนี้จะศึกษาเฉพาะความต้านทานการถ่ายเทมวลสารภายนอกเท่านั้น เนื่องจากเมื่อนำเอนไซม์ตริงรูปไปทำการ Scanning Electron Microscope (SEM) จะเห็นได้ว่าขนาดโมเลกุลของเอนไซม์จะมีขนาดใหญ่กว่าขนาดรูพูนมาก แสดงได้ดังภาคผนวก.ค เอนไซม์จะถูกต้องอยู่ที่เฉพาะบนผิวของตัวพวยงเท่านั้น

### 3.7.1 ความต้านทานการถ่ายเทมวลสารภายนอก

เมื่อสับเซตรทเข้าไปทำปฏิกิริยาเฉพาะที่ผิวของตัวพวยง จะเกิดความต้านทานการถ่ายเทมวลสารภายนอกขึ้น โดยอัตราการถ่ายเทมวลสารขึ้นอยู่กับผลต่างความเข้มข้นของสับเซตรท แสดงดังสมการที่ 3.14



รูปที่ 3.4 แสดงการถ่ายเทมวลสารภายนอก



$$N_s = k_c a (C_{sb} - C_s) \quad (3.14)$$

ในการทำปฏิกิริยาของเอนไซม์ที่ตรงรูปที่สภาวะคงที่ (steady state) อัตราการเกิดปฏิกิริยาเท่ากับอัตราการถ่ายเทมวล แสดงดังสมการที่ 3.15

$$V_p = k_c a (C_{sb} - C_s) = \frac{V_{max} C_s}{K_m + C_s} \quad (3.15)$$

สมการนี้แสดงให้เห็นถึงความสัมพันธ์ระหว่างความเข้มข้นของซับสเตรทที่สารละลายภายนอก และความเข้มข้นที่ผิวของเอนไซม์ที่ตรงรูป จากสมการที่ 3.15 สามารถเขียนให้อยู่ในรูปตัวแปรไร้มิติ (dimensionless form) เมื่อ

$$C_s' = \frac{C_s}{C_{sb}} \quad (3.16)$$

$$N_{Da} = \frac{V_{max}}{k_c a C_{sb}} \quad (3.17)$$

$$\beta = \frac{C_{sb}}{K_m} \quad (3.18)$$

สมการที่ 3.15 สามารถเขียนให้อยู่ในรูปตัวแปรไร้มิติ

$$\frac{1 - C_s'}{N_{Da}} = \frac{\beta C_s'}{1 + \beta C_s'} \quad (3.19)$$

ค่า  $N_{Da}$  คือค่า Damkohler number ซึ่งเป็นค่าที่แสดงถึงอัตราส่วนระหว่างอัตราการเกิดปฏิกิริยาสูงสุดต่ออัตราการถ่ายเทมวลสูงสุด

ถ้า  $N_{Da} \ll 1$  แสดงว่าอัตราการถ่ายเทมวลมีค่ามากกว่าอัตราการเกิดปฏิกิริยา ซึ่งแสดงว่าอัตราการเกิดปฏิกิริยาเป็นค่าที่ควบคุมปฏิกิริยาดังสมการที่ 3.20

$$V_p = \frac{V_{max}C_a}{K_m + C_a} \quad (3.20)$$

ถ้า  $N_{Da} \gg 1$  แสดงได้ว่าอัตราการเกิดปฏิกิริยามีค่ามากกว่าอัตราการถ่ายเทมวลซึ่งแสดงว่าอัตราการถ่ายเทมวลเป็นค่าที่ควบคุมปฏิกิริยาดังสมการที่ 3.21

$$V_p = k_c a C_{ab} \quad (3.21)$$

การที่อัตราการเกิดปฏิกิริยามีค่าต่ำเป็นเพราะค่าความต้านทานของการถ่ายเทมวล เราสามารถอธิบายปรากฏการณ์ดังกล่าวด้วยค่า effectiveness factor  $\eta$  สามารถนิยามได้เป็น

$$\eta = \frac{\text{อัตราการเกิดปฏิกิริยาที่แท้จริง}}{\text{อัตราการเกิดปฏิกิริยาที่ไม่มีข้อจำกัดการถ่ายเทมวลสาร}} \quad (3.22)$$

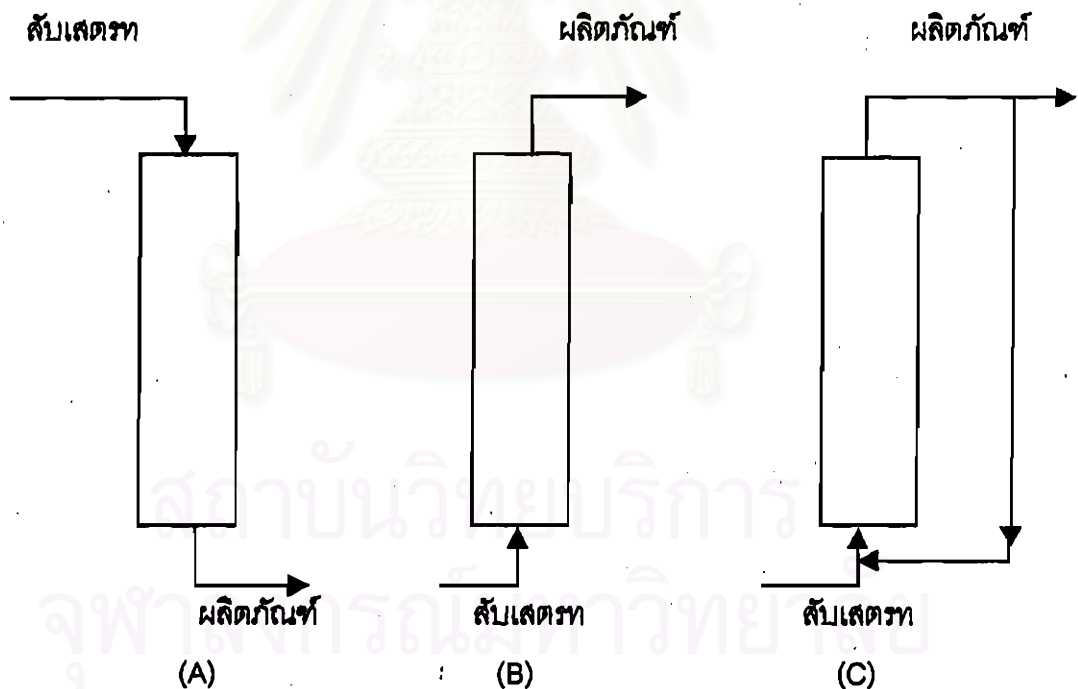
และเมื่อกำหนดให้เอนไซม์ทุกๆโมเลกุลอยู่ในสารละลายสับเสตรที่มีความเข้มข้นเท่ากับสารละลายสับเสตรที่มีความเข้มข้นเท่ากับสารละลายภายนอกจะได้รับความสัมพันธ์ดังสมการที่ 3.23

$$\eta = \frac{\frac{V_{max}C_a}{K_m + C_a}}{\frac{V_{max}C_{ab}}{K_m + C_{ab}}} = \frac{\frac{\beta C_a'}{1 + \beta C_a'}}{\frac{\beta}{1 + \beta}} \quad (3.23)$$

ซึ่งค่า  $\eta$  เป็นฟังก์ชันของ  $C_s'$  และ  $\beta$  ถ้า  $C_s'$  เท่ากับ 1 ความเข้มข้นของสับสเตอร์ทที่ผิวของตัวพองจะเท่ากับความเข้มข้นของสับสเตอร์ทภายนอก เมื่อแทน  $C_s'$  เท่ากับ 1 ในสมการที่ 3.22 จะได้ค่า  $\eta$  เท่ากับ 1 ซึ่งแสดงให้เห็นว่าไม่มีข้อจำกัดการถ่ายเทมวลสาร แต่เมื่อ  $C_s'$  มีค่าเข้าใกล้ศูนย์ ค่า  $\eta$  ก็เข้าใกล้ศูนย์ด้วย ซึ่งแสดงว่าอัตราการถ่ายเทมวลช้ากว่าอัตราการเกิดปฏิกิริยามาก

### 3.8 เครื่องปฏิกรณ์แบบแพคเบด (Packed bed reactor)

เครื่องปฏิกรณ์แบบแพคเบดนับเป็นเครื่องปฏิกรณ์ที่ใช้กับเอนไซม์ดีรูปอย่างกว้างขวางที่สุด ความเร็วของการไหลของสารละลายสับสเตอร์ทมีผลต่ออัตราเร็วของปฏิกิริยาด้วย ถ้าพิจารณาทิศทางการไหลของสับสเตอร์ทมี 3 แบบ



รูปที่ 3.5 เครื่องปฏิกรณ์แบบแพคเบดสำหรับเอนไซม์ดีรูป

3.7.1 วิธีการไหลจากระดับสูงไปต่ำ (downward flow method) ตามรูปที่ 3.5 A

3.7.2 วิธีการไหลจากระดับต่ำไปสูง (upward flow method) ตามรูปที่ 3.5 B

3.7.3 วิธีการไหลซ้ำรอบ (recycling method) ตามรูปที่ 3.5 C

สำหรับในกรณีการประยุกต์ใช้งานในอุตสาหกรรม ทิศทางการไหลสารละลายสับเสตรท เป็นสิ่งสำคัญ วิธีการไหลจากระดับต่ำไปสูงจะเป็นวิธีที่เหมาะสมกับการใช้งานในอุตสาหกรรม ทั้งนี้ เพราะวิธีการไหลจากระดับสูงไปต่ำมักจะก่อให้เกิดการอุดตันของตัวพองในคอลัมน์ นอกจากนี้เมื่อปฏิกิริยาที่มีแก๊สเกิดขึ้น วิธีการไหลจากระดับต่ำไปสูงจะเหมาะสมกว่าด้วย



สถาบันวิทยบริการ  
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย