ความสัมพันธ์ระหว่างโพลีมอร์ฟิซึมในยีนของมารดาในกระบวนการเมแทบอลิซึมของกรดโฟลิก กับกลุ่มอาการดาวน์

นางสาวทิวารัตน์ สินธุวิวัฒน์

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต สาขาวิชาวิทยาศาสตร์การแพทย์ คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ปีการศึกษา 2547 ISBN 974-17-6001-9 ลิขสิทธิ์ของจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ASSOCIATION BETWEEN POLYMORPHISMS IN MATERNAL GENES OF FOLATE METABOLISM AND DOWN SYNDROME

Miss Thivaratana Sinthuwiwat

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements
for the Degree of Master of Science in Medical Science
Faculty of Medicine
Chulalongkorn University
Academic Year 2004
ISBN 974-17-6001-9

| Thesis Title | ASSOCIATION BETWEEN POLYMORPHISMS IN MATERNAL |
|-------------------------|--|
| | GENES OF FOLATE METABOLISM AND DOWN SYNDROME |
| Ву | Miss Thivaratana Sinthuwiwat |
| Field of Study | Medical Science |
| Thesis advisor | Associate Professor Vorasuk Shotelersuk, M.D. |
| Accep | oted by the Faculty of Medicine, Chulalongkorn University in Partial |
| Fulfillment of the Requ | uirements for the Master's Degree |
| | |
| - | P. Kan S. Dean of the Faculty of Medicine |
| | (Professor Pirom Kamolratanakul, M.D.) |
| | |
| THESIS COMMITTEE | |
| | quoit Mutinonguro Chairman |
| | (Associate Professor Apiwat Mutirangura, M.D. Ph.D.) |
| | (Associate Professor Vorasuk Shotelersuk, M.D.) |
| | Member |
| | (Verayuth Praphanphoj, M.D.) |

Varyong Myneny Member

(Assistant Professor Vorapong Phupong M.D.)

ทิวารัตน์ สินธุวิวัฒน์ : ความสัมพันธ์ระหว่างโพลีมอร์ฟิซึมในยีนของมารดาในกระบวนการ เมแทบอลิซึมของกรดโฟลิกกับกลุ่มอาการดาวน์ (ASSOCIATION BETWEEN POLYMORPHISMS IN MATERNAL GENES OF FOLATE METABOLISM AND DOWN SYNDROME) อ. ที่ปรึกษา : รองศาสตราจารย์นายแพทย์วรศักดิ์ ใชติเลอศักดิ์, 101 หน้า. ISBN 974-17-6001-9

กลุ่มอาการดาวน์ (Down syndrome) เป็นโรคทางพันธุกรรมที่พบบ่อย ผู้ป่วยกลุ่มอาการดาวน์ส่วนใหญ่เกิด จากการที่มีโครโมโซมคู่ที่ 21 เกินมา 1 โครโมโซ<mark>ม ทำให้มีโครโมโซมคู่ที่ 2</mark>1 สามโครโมโซมในแต่ละเซลล์ สาเหตุเกิด จากการไม่แยกตัวของโครโมโซมในระยะไมโ<mark>อซิส และมีอุบัติการณ์ในประชากรทั่วไ</mark>ปประมาณ 1/600-1/1000 ของการ คลอดที่มีชีวิต และพบเป็นสาเหตุสำคัญของภาวะปัญญาอ่อน โอกาสเกิดกลุ่มอาการนี้ในบุตรจะเพิ่มมากขึ้นตามอายุ ้ของสตรีที่ตั้งครรภ์ นอกจากอายุของมารดาที่<mark>มากขึ้นที่เป็นปัจจัยหลักในการมีบุตรที่เป็นกลุ่มอาการดาวน์ ปัจจัยเสี่ยงของ</mark> มารดาที่เป็นสาเหตุของการไม่แยกตัวของโครโมโซมยังไม่เป็นที่ทราบแน่ชัด ในการศึกษาที่มีมาก่อนเสนอว่ามีความ ล้มพันธ์ระหว่างโพลีมอร์ฟิซึมในยีนของมารดาในกระบวนการเมแทบอลิซึมของกรดโฟลิกกับกลุ่มอาการดาวน์ อย่างไรก็ ตามการศึกษาครั้งนี้จึงมุ่งศึกษาคว<mark>ามสัมพันธ์ระหว่า</mark>งโพ<mark>ลีมอร์ฟิซึมในยีนที่ตำแหน่ง *MTHFR* 677C->T, *MTHFR*</mark> 1298A->C, MTRR 66A->G และ MTR 2756A->G กับโอกาสเสี่ยงของสตรีไทยในการมีบุตรที่เป็นกลุ่มอาการดาวน์ จากการศึกษาในมารดาที่มีบุตรเป็นกลุ่<mark>มอาการดาวน์จำนวน 109 คนและกลุ่มควบคุม 186 คน โดยอายุเฉลี่ยของมารดา</mark> ที่มีบุตรเป็นกลุ่มอาการดาวน์ = 33.9 \pm 5.8 1 และ กลุ่มควบคุม=32.4 \pm 5.12 (χ^{2} =0.034, P=0.85) โดยวิธี PCR และตัด ด้วยเรสตริกชั่นเอนไซม์ ผลการศึกษาพบว่าควา<mark>มถี่อัลลีล *MTHFR* 677T เป็น 0.15 ส่วนความถี่ของอัลลีล *MTRR* 66G</mark> เท่ากับ 0.28 ซึ่งเป็นความถี่ที่ค่อนข้างต่ำเมื่อเ<mark>ทียบกับประชากรอื่นๆจาก</mark>การศึกษาก่อนหน้านี้ ส่วนความถี่ของอัลลีล MTHFR1298C และ MTR2756G เท่ากับ 0.28 และ 0.15 ตามลำดับ ซึ่งไม่มีความแตกต่างกับประชากรอื่น จากการ ศึกษาครั้งนี้พบว่าไม่มีความแตกต่างในความถี่ของอัลลีลและความถี่ของจีโนไทป์ระหว่างมารดาที่มีบุตรเป็นกลุ่มอาการ ดาวน์และกลุ่มควบคุม นอกจากนี้ยังพบว่าไม่มีความแตกต่างระหว่างความถี่ของแฮพโพลไทป์ของ MTHFR 677/MTHFR1298 ระหว่างมารดาที่มีบุตรเป็นกลุ่มอาการดาวน์และกลุ่มควบคุม โดยสรุปการศึกษาครั้งนี้พบว่าสตรีไทย ที่มีโพลีมอร์ฟิซึมในยีน MTHFR, MTRR และ MTR ไม่มีความสัมพันธ์กับการมีบุตรเป็นกลุ่มอาการดาวน์

จุฬาลงกรณ่มหาวิทยาลัย

สาขาวิชา วิทยาศาสตร์การแพทย์ ป**ีการศึกษา** 2547 ลายมือชื่อนิสิต ท่องรัตร สินธุรโตมน์ ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา มหา ฟาละนา ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม # # 457 52213 30 : MAJOR MEDICAL SCIENCE

KEYWORD: DOWN SYNDROME / MTHFR / MTRR / MTR

THIVARATANA SINTHUWIWAT: ASSOCIATION BETWEEN POLYMORPHISMS IN MATERNAL GENES OF FOLATE METABOLISM AND DOWN SYNDROME.

THESIS ADVISOR: ASSOCIATE PROFESSOR VORASUK SHOTELERSUK, M.D., 101 pp. ISBN 974-17-6001-9

Down syndrome is a complex genetic and metabolic disorder attribute to the presence of three copies of chromosome 21. It is the leading genetic cause of mental retardation and is estimated to occur 1/600 - 1,000 live births. The origin of extra chromosome is due to abnormal chromosomal segregation during meiosis (non disjunction). Except for advanced maternal age at conception, maternal risk factors for meiotic non disjunction are unknown. Previous studies found an association between polymorphisms in maternal genes of folate metabolism and Down syndrome. However, it is still controversial. Some recent studies showed contradictory findings. We performed an association study between MTHFR 677C->T, MTHFR 1298A->C, MTRR 66A->G and MTR 2756A->G polymorphisms and the risks of Thai women having children with Down syndrome. We analyzed 109 case mothers and 186 control mothers for the polymorphisms by PCR amplification followed by restriction enzyme digestion analysis. There were no significant difference between groups in term of mean age at conception (case = 33.9 + 5.81, control = 32.4 \pm 5.12; χ^2 =0.034, P=0.85). Our data show that MTHFR 677T and MTRR 66G allele frequencies in Thai are 0.15 and 0.28, respectively. These are relatively low compared with those in other population. The MTHFR1298C and MTR2756G allele frequencies are 0.28 and 0.15, respectively. These frequencies are comparable to those in other populations. The results found no difference in the allele and genotype frequencies of MTHFR 677C->T, MTHFR 1298A->C, MTRR 66A->G and MTR 2756A->G between Thai mothers of Down syndrome and controls. Moreover, we found no difference in the haplotype frequencies of MTHFR in case compared with control group. In conclusion, our results do not support the presence of an increased risk of Down syndrome in mothers carrying of the MTHFR, MTRR and MTR polymorphisms in Thai population.

Field of study Medical Science
Academic year 2004

Student's signature Thivaratana Sinthuwiwat.

Advisor's signature Versul Phyllipse.

ACKNOWLEDGEMENTS

I really would like to express my gratitude to all those who participated in the success of this work. First of all, I am deeply indepted to my advisor, Assoc. Prof. Dr. Vorasuk Shotelersuk for his help, interest, suggest and encouragements help me all the time I have worked on this thesis. I also greatly express my heartfelt thanks to other committee members, Assoc. Prof. Dr. Apiwat Mutirangura, Dr. Verayuth Praphanpoj and Assist. Prof. Dr. Vorapong Phupong for their helpful suggestion and corrections during my study.

I am so grateful to my colleagues, Mr. Wichai Pornthanakasem for his helps, supports since the first time I started my laboratory practice and inspired me. Furthermore, I would like to thank Miss Nida Pornprasertsud and Mr. Chupong Ittiwut for encouragement help me all the time I have worked on this thesis. Especially, I would like to give my speacial thanks to Miss Siraprapa Thongkorbpetch, Mr. Chalumpon Srichomgthong for their helps, suggestion and encouragements, this thesis would have been impossible to accomplish without their helps.

Finally, I would like to express my deeplest gratitude my dear parents for their loves and understandings to have brought me today's success.

This work was supported by Chulalongkorn University

TABLE OF CONTENTS

| | Page |
|-----------------------------------|------|
| Abstract (Thai) | iv |
| Abstract (English) | V |
| Acknowledgments | vi |
| Table of contents | vii |
| List of Tables | viii |
| List of Figures | xi |
| List of Abbreviation | xii |
| Chapter | |
| I. Introduction | 1 |
| II. Review of Related Literatures | |
| III. Materials and Methods | 20 |
| IV. Results | 31 |
| V. Discussion and Conclusion | 57 |
| References | 61 |
| Appendices | 74 |
| Biography | 80 |

LIST OF TABLE

| Γable | Page |
|-------|--|
| 1 | Results of previous studies that found the association between SNPs |
| | of MTHFR,MTRR and MTR was risk for having children with |
| | Down syndrome11 |
| 2 | Results of previous studies that failed to find the association between SNPs |
| | of MTHFR,MTRR and MTR was risk for having children with |
| | Down syndrome12 |
| 3 | Primer and PCR products |
| 4 | Mixture of PCR reaction for detection |
| 5 | PCR cycle27 |
| 6 | Contingency table showing combination of Groups and Conditions |
| | for chi square (χ^2) test29 |
| 7 | Characteristic of responding age-matched control mothers and mothers of |
| | children with Down syndrome31 |
| 8 | Allele frequency of polymorphisms from MTHFR, MTRR and MTR in mothers |
| | having children with Down syndrome and Age-match control mothers36 |
| 9 | Frequency of MTHFR 677C->T polymorphism in mothers having children |
| | with Down syndrome and Age-match control mothers |
| 10 | Frequency of MTHFR 1298A->C polymorphism in mothers having children |
| | with Down syndrome and Age-match control mothers |
| 11 | Frequency of MTHFR polymorphisms in mothers having children |
| | with Down syndrome and Age-match control mothers |
| 12 | Distribution of the haplotype over the groups of case mothers and control40 |
| 13 | The distribution of MTHFR haplotype combination in DS mother and control40 |
| 14 | Frequency of MTRR polymorphisms in mothers having children |
| | with Down syndrome and Age-match control mothers41 |
| 15 | Interaction between MTHFR and MTRR in mothers having children |
| | with Down syndrome and age-matched control mothers |

LIST OF TABLE

| Tabl | le | Page |
|------|---|------|
| 16 | Frequency of MTR polymorphisms in mothers having children | |
| | with Down syndrome and Age-match control mothers | 42 |
| 17 | Interaction between MTHFR and MTR in mothers having children | |
| | with Down syndrome and age-matched control mothers | 43 |
| 18 | Interaction between MTRR and MTRR in mothers having children | |
| | with Down syndrome and age-matched control mothers | 44 |
| 19 | Interaction between MTHFR, MTRR and MTR in mothers having children | |
| | with Down syndrome and age-matched control mothers | 45 |
| 20 | Characteristic of responding age-matched control mothers and mothers | |
| | of children with Down syndrome(≤ 30 years old) | 48 |
| 21 | Allele frequency of polymorphisms from MTHFR, MTR and MTRR in | |
| | mothers aged 30 years old or less to have children with | |
| | Down syndrome compared to Age-matched control mothers | 49 |
| 22 | Frequency of MTHFR 677C->T polymorphism in mothers aged 30 years old | |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| | and Age-match control mothers | 50 |
| 23 | Frequency of MTHFR 1298A->C polymorphism in mothers aged 30 years old | ł |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| • | and Age-match control mothers | 50 |
| 24 | Frequency of MTHFR polymorphisms in mothers aged 30 years old | |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| | and Age-match control mothers | 52 |
| 25 | Distribution of the haplotype over the groups of case mothers and control | 52 |
| 26 | The distribution of MTHFR haplotype combination mothers aged 30 years | |
| | old or less to have and control | 53 |

LIST OF TABLE

| Table | | Page |
|-------|---|------|
| 27 | Frequency of MTRR polymorphisms in mothers aged 30 years old | |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| | and Age-match control mothers | . 54 |
| 28 | Interaction between MTHFR and MTRR in mothers aged 30 years old | |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| | and Age-matched control mothers | 54 |
| 29 | Frequency of MTRR polymorphisms in mothers aged 30 years old | |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| | and Age-match control mothers | 55 |
| . 30 | Interaction between MTHFR and MTR in mothers aged 30 years old | |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| | and Age-matched control mothers | 55 |
| 31 | Interaction between MTRR and MTRR in mothers aged 30 years old | |
| | or less to have children with Down syndrome | |
| | and Age-matched control mothers | 56 |
| | | |

LIST OF FIGURES

| . Figure | | Page |
|----------|--|------|
| 1. | metabolic pathway of MTHFR, MTRR and MTR | 13 |
| 2. | RFLP patterns of MTHFR677C->T | 32 |
| 3. | RFLP patterns of MTHFR1298A->C | 33 |
| 4. | RFLP patterns of MTRR66A->G | 34 |
| 5. | RFLP patterns of MTR2756A->G | 35 |

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

LIST OF ABBREVIATIONS

DS = Down syndrome

MTHFR = 5,10-methylenetetrahydrofolate reductase

MTRR = Methionine syntase reductase

MTR = Methionine syntase

OR = Odd ratio

95%CI = 95% Confidence Interval

HWE = Hardy-Weinberg equilibrium

RFLP = Restriction Fragment Length Polymorphism